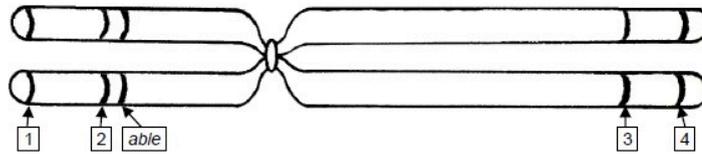


Mapeamento genético: é a forma de analisar a sequência do genoma humano de maneira geral. Além disso, é usado para identificar a localização dos genes e suas distâncias. São as posições relativas dos genes ao longo dos cromossomos, como mostrado pela análise de ligação



Par de genes	Distância entre eles (unidades de recombinação – UR)
<i>clang – binor</i>	10,7
<i>binor – able</i>	2,8
<i>able – fong</i>	72,6
<i>able – clang</i>	13,5
<i>fong – ebrac</i>	8,4
<i>fong – binor</i>	75,4
<i>fong – clang</i>	86,1
<i>ebrac – able</i>	81,0
<i>ebrac – binor</i>	83,8
<i>ebrac – clang</i>	94,5