

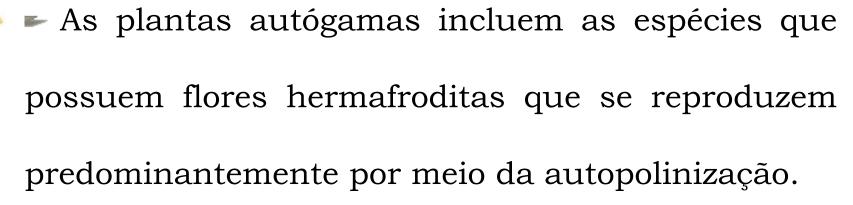




Melhoramento de espécies autógamas



Introdução



- Cleistogamia;
- Taxa variável de cruzamentos (máximo de 5%).



ESALQ/USP – LGN-313 MELHORAMENTO GENÉTICO

Prof. José Baldin Pinheiro







Tabela 1. Algumas espécies autógamas de importância econômica

	Aveia	(Avena sativa)				
Cereais	Arroz	(Oryza sativa)				
Cereais	Sorgo	(Andropogon sorghum)				
	Trigo	(Triticum aestivum)				
	Amendoim	(Arachis hypogeae)				
Leguminosas	Feijão	(Phaseolus vulgaris)				
	Soja	(Glycine max)				
	Alface	(Lactuca sativa)				
Olerícolas	Pimenta	(Capsicum annum)				
	Tomate	(Lycopersicon esulentum)				
	Citros	(Citrus sp.)				
Frutíferas	Nectarina	(Prumus sp.)				
	Pêssego	(Prumus percicae)				
Industriais	Fumo	(Nicotiana tabacum)				
industriais	Linho	(Linum usitatissimum)				
Formagaires	Crotalária	(Crotalaria juncea)				
Forrageiras	Ervilhaca	(Vicia sativa)				



Espécies autógamas:

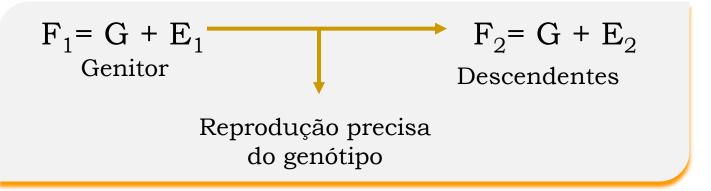


- A autofecundação sucessiva leva a homozigose
- A variabilidade genética ocorre devido à presença de diferentes genótipos homozigotos.



Espécies autógamas:

- Os indivíduos transmitem o seu genótipo para os descendentes, quando totalmente endogâmicos.
- Nas espécies autógamas, os genótipos são fixados, e por isso são reproduzidos com precisão.



O agricultor poderá utilizar como semente, os grãos colhidos na geração anterior.





Variabilidade nas Espécies Autógamas

A) Variedades muito antigas



Ação conjunta de:

- Mutações naturais;
- Cruzamentos naturais.



 σ_G^2 pronta para ser explorada



Variabilidade nas Espécies Autógamas

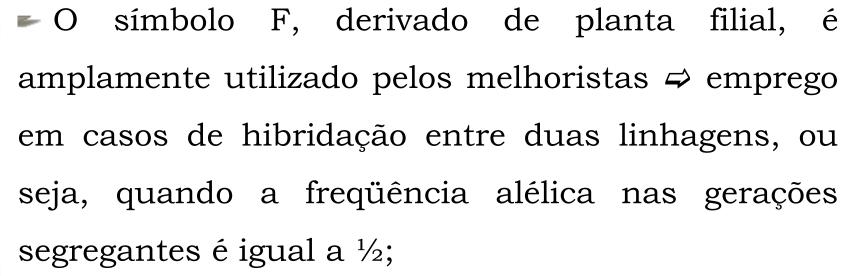


B) Variedades recentes

São normalmente constituídas de um único genótipo, ou alguns poucos genótipos diferentes (2 a 4).



Simbologia utilizada na descrição de indivíduos, populações e famílias

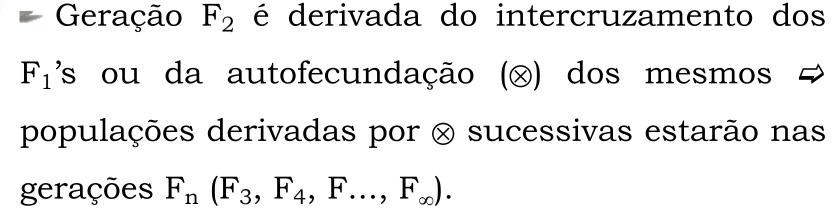




► Plantas da geração F₁, derivadas de cruzamentos simples ou biparentais, são homogêneas geneticamente;



Simbologia utilizada na descrição de indivíduos, populações e famílias



O índice do F sempre indica a geração da semente - embrião - e não da planta.





Simbologia utilizada na descrição de indivíduos, populações e famílias



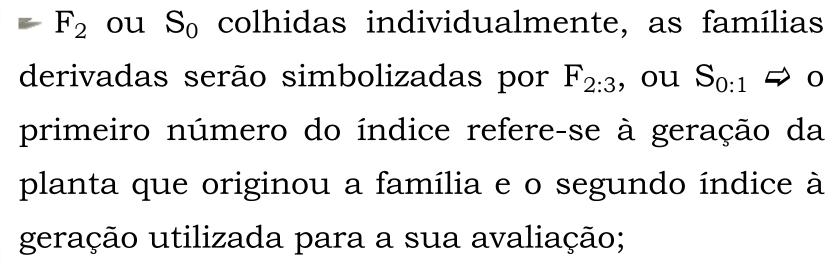
► O símbolo S será dado quando houver intercruzamento ao acaso de vários (seleção recorrente), ou quando a população segregante é proveniente do cruzamento de vários pais em proporções não definidas;

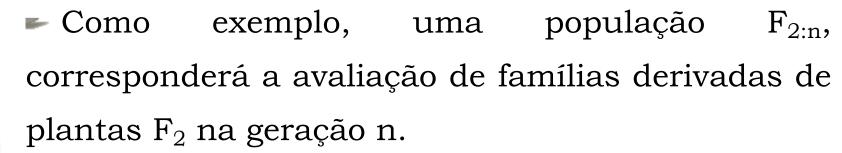


A diferença básica é S_0 é adotado para a população de referência ou em equilíbrio e, portanto, equivale à geração F_2 ;



Simbologia utilizada na descrição de indivíduos, populações e famílias

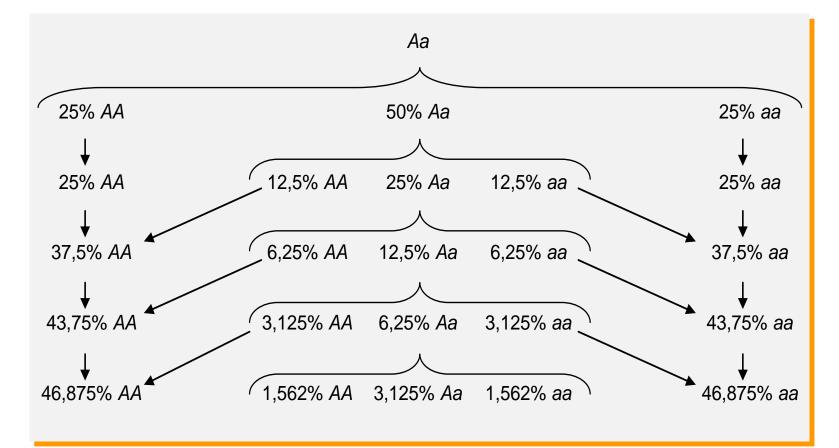








Efeito da endogamia na constituição genética das populações segregantes





SALQ/USP – LGN-313 MELHORAMENTO GENÈTICO



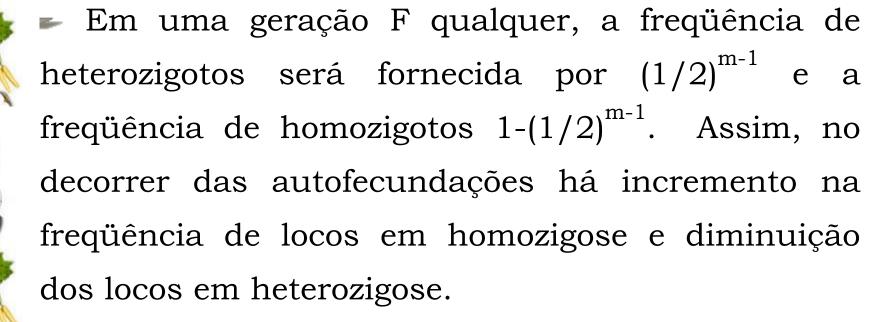




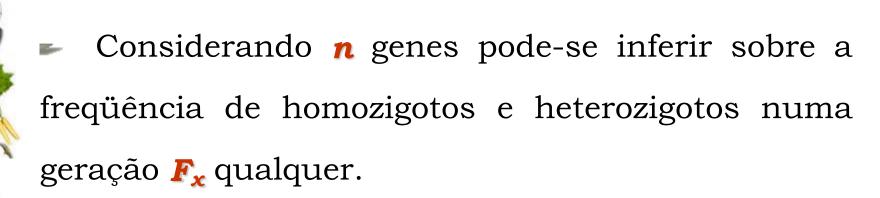




Tabela 2. Informações sobre híbridos provenientes de genótipos com diferente número de alelos.



N° de pares de alelos	Tipos de gametas possíveis em F ₁	Tipos de genótipos possíveis em F ₂	Tamanho minimo de uma população perfeita
1	2	3	4
2	4	9	16
3	8	27	64
4	16	81	256
10	1.024	50.049	1.084.576
n	$2^{\rm n}$	$3^{\rm n}$	4 ⁿ





Distribuição binomial

(locos em homozigose ou heterozigose).

- LGN-313 MELHORAMENTO GENET





Pode-se então prever a probabilidade de cada um dos eventos por meio da expansão do binômio:

$$(a+b)^n = \sum_{i=0}^n C_n^i a^i b^{n-1}$$

em que:

 \boldsymbol{a} é a frequência dos locos em homozigose [1-(1/2) $^{m-1}$];

 \boldsymbol{b} é a freqüência em heterozigose $[(1/2)^{m-1}]$;

 \mathbf{i} é o n° de locos desejados em homozigose e varia de 0 a n;

n é o n° de locos envolvidos.



ESALQ/USP – LGN-313 MELHORAMENTO GENÉTICO

Prof. José Baldin Pinheiro

► Substituindo **a** e **b** na expressão do binômio tem-se, após algumas operações matemáticas a expressão apresentada por Allard (1971 - Cap. 6) - [(2 ^{m-1}-1)+1]ⁿ.

√ Por exemplo, se queremos verificar o que é esperado quando se tem quatro genes segregando (n=4) na geração $\mathbf{F_6}$, isto é, após quatro gerações de autofecundação $(\mathbf{m-1=5})$, tem-se: $[(2^{5}-1)+1]^{4}$.



Aula 6.3





SALQ/USP – LGN-313 MELHORAMENTO GENÉTICO

Prof. José Baldin Pinheiro



 \Rightarrow Se i = 0; nenhum loco em homozigose;

$$(31+1)^4 = C_4^0 (31^i \times 1^{n-i}) = \frac{4!}{0!(4-0)!} (31^0 \times 1^{4-0}) = 1$$



 \Rightarrow Se i = 1; um loco em homozigose;

$$(31+1)^4 = C_4^1(31^i \times 1^{n-i}) = \frac{4!}{1!(4-1)!}(31^1 \times 1^{4-1}) = 124$$



 \Rightarrow Se i = 2; dois locos em homozigose;

$$(31+1)^4 = C_4^2(31^i \times 1^{n-i}) = \frac{4!}{2!(4-2)!}(31^2 \times 1^{4-2}) = 5766$$

SALQ/USP – LGN-313 MELHORAMENTO GENÉTICO

Prof. José Baldin Pinheiro



 \Rightarrow Se i = 3; três locos em homozigose;

$$(31+1)^4 = C_4^3(31^i \times 1^{n-i}) = \frac{4!}{3!(4-3)!}(31^3 \times 1^{4-3}) = 119164$$



 \Rightarrow Se i = 4; quatro locos em homozigose;

$$(31+1)^4 = C_4^4 (31^i \times 1^{n-i}) = \frac{4!}{4!(4-4)!} (31^4 \times 1^{4-4}) = 923521$$



Total de 1.048.576 indivíduos, sendo que 88,07% serão completamente homozigóticos e 11,93% ainda terão pelo menos um dos locos em heterozigose

ESALQ/USP – LGN-313 MELHORAMENTO GENÉTICO

Prof. José Baldin Pinheiro



Gerações de ⊗	Todos os 4 locos em homoz.	3 locos em homoz, e 1 em heteroz,	2 locos em homoz, e 2 em heteroz,	1 loco em homoz, e 3 em heteroz.	Todos os 4 locos em heteroz,	Total de indivíduos
$\mathbf{F_2}$	1 (6,25%)	4	6	4	1	16
\mathbf{F}_3	81 (32%)	108	54	12	1	258
$\mathbf{F_4}$	2.401 (59%)	1.372	294	28	1	4.098
F ₅	50.625 (77,25%)	13.500	1.350	60	1	65.538
\mathbf{F}_6	923.521 (88%)	119.164	5.766	124	1	1.048.576
\mathbf{F}_7	15.752.961 (94%)	1.000.188	23.814	252	1	16.777.216
F ₈	260.144.641 (97%)	8.193.532	96.774	508	1	268.435.456

Desse modo pode ser esperado que famílias derivadas de indivíduos após cinco ou mais gerações de autofecundação poderão ainda segregar.

ESALQ/USP – LGN-313 MELHORAMENTO GENÉTICO

Prof. José Baldin Pinheiro

Tabela 4. Número de plantas necessários para se ter todos os genes favoráveis com diferentes números de genes avaliados.

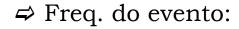




Número d	le p	lantas	para	se	ter	todos	os	genes	favoraveis	

	2 genes		4 genes		6 genes		8 genes		10 genes	
Geração	Hom	Hom + Het	Hom	Hom + Het	Hom	Hom + Het	Hom.	Hom + Het	Hom	Hom + Het
$\mathbf{F_2}$	46	4	765	8	12.269	15	196.327	28	3.141.251	52
\mathbf{F}_3	20	6	150	18	1.076	49	7.659	127	54.473	328
\mathbf{F}_5	12	9	61	36	281	132	1.284	471	5.848	1.672
$\mathbf{F_7}$	11	10	50	44	209	173	868	676	3.589	2.626
F ₁₀	10	10	47	46	192	188	777	754	3.127	3.007
\mathbf{F}_{∞}	10	10	46	46	190	190	765	765	3.100	3.100

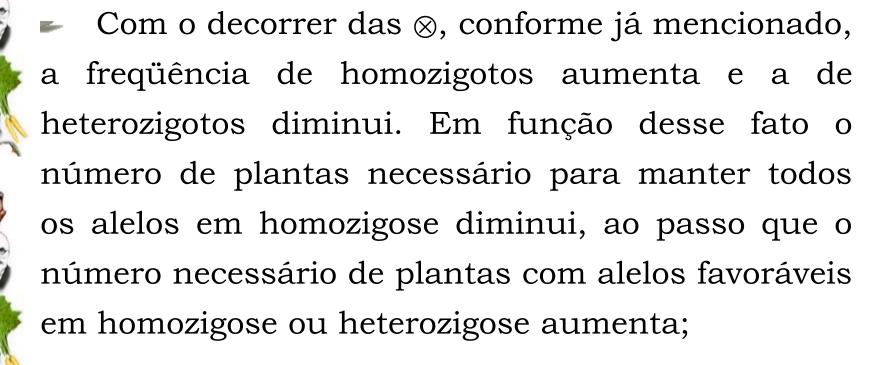
¹Número de plantas estimadas pela expressão: [(log.(1 − 0,95)]/[log.(1 - freq. do evento).



- Homozigotos = $[(2^{m-1}-1)/2^m]^n$;
- Homozigotos e/ou heterozigotos = $[(2^{m-1}+1)/2^m]^n$;

Em que m é o número de gerações e n é o número de genes avaliados.





Esses resultados mostram que o número de indivíduos na geração F_2 não necessita ser grande, contudo ele deve ser aumentado com o avanço das gerações.

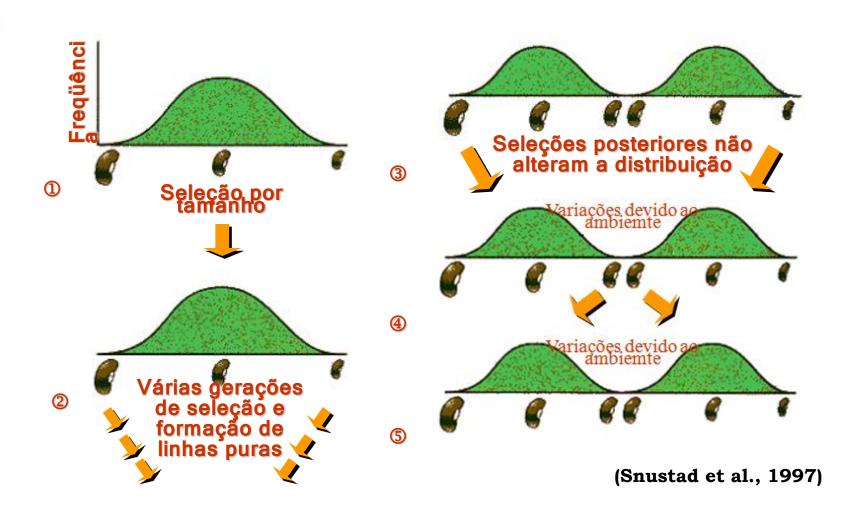


Seleção de linhas puras

1. Teoria das linhas puras



- ► A teoria das linhas puras foi desenvolvida pelo botânico dinamarquês W.L. Johannsen em 1903, que conduziu uma série de experimentos com a variedade de feijão Princess;
- Utilizou um lote de sementes de diferentes tamanhos no qual investigou o efeito da seleção sobre o peso médio das sementes das progênies.



Teoria das linhas puras de Johannsen



Johannsen estabeleceu três princípios com seus estudos:



- 2) a seleção só é efetiva se recair sobre diferenças herdáveis;
- 3) a seleção não gera variação.



Métodos de Melhoramento de Espécies Autógamas

A) Métodos para explorar a variabilidade genética existente nas populações

- Introdução de linhagens;
- Seleção massal \Rightarrow caracteres de alta h^{2} ;
- Seleção de Plantas Individuais com teste de progênie \Rightarrow caracteres de alta e baixa h^2 .



Métodos de Melhoramento de Espécies Autógamas

B) Método em que a variabilidade deve ser gerada artificialmente

- Método da População (Bulk);
- Método do Genealógico (Pedigree);
- Método do SSD;
 - (descendente de uma única semente)
- Método do Retrocruzamento;
 - (caracteres qualitativos)

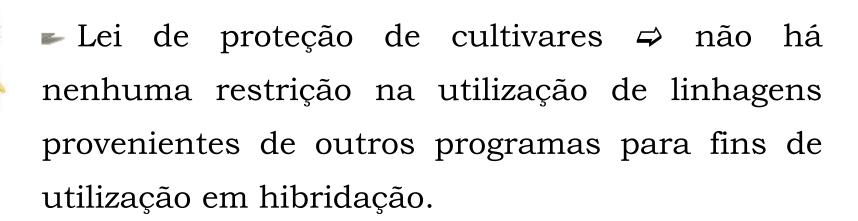


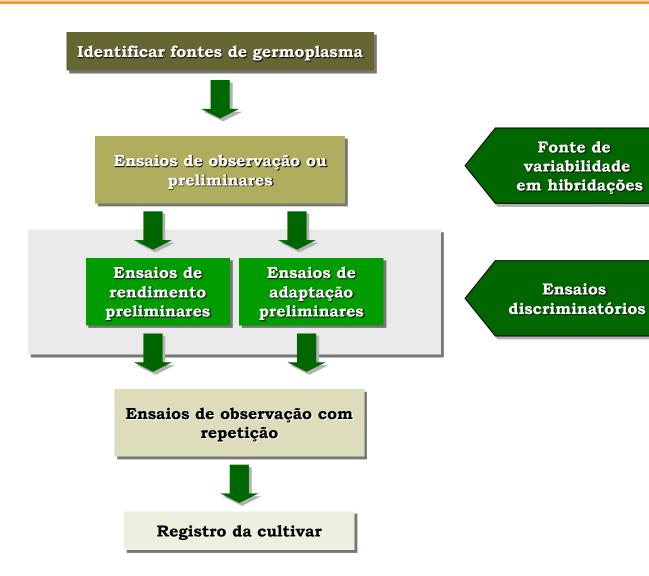


1. Introdução de linhagens

- A introdução de linhagens é considerado um método de melhoramento, pois contribui efetivamente para a melhoria do potencial genético em uma dada região.
- Visualizada sob dois enfoques:
 - introdução de germoplasma para ser utilizado como fonte de variabilidade em hibridações;
 - uso direto em uma dada região.







Esquema de condução de populações introduzidas.

ESALQ/USP – LGN-313 MELHORAMENTO GENÉTICO

Prof. José Baldin Pinheiro

- É evidente que o trabalho do melhorista, também nesse caso, é fundamental, pois embora ele não tenha criado as linhagens, deve utilizar de suas habilidades para identificar aquelas que deverão ser recomendadas aos agricultores;
- Com a lei de proteção de cultivares, para que ocorra a introdução de linhagens de outros programas nacionais há necessidade de um acordo formal entre as instituições envolvidas, para que o material recomendado possa se comercializado como semente.



2. Método Massal

Em algumas espécies autógamas, tais como arroz e feijão, os agricultores não possuem o hábito de adquirir sementes anualmente. Nessa condição, é esperado que ocorra variabilidade dentro da "cultivar" em uso.



Variabilidade é devido a mistura mecânica de linhagens diferentes, cruzamentos e ocorrência de mutação



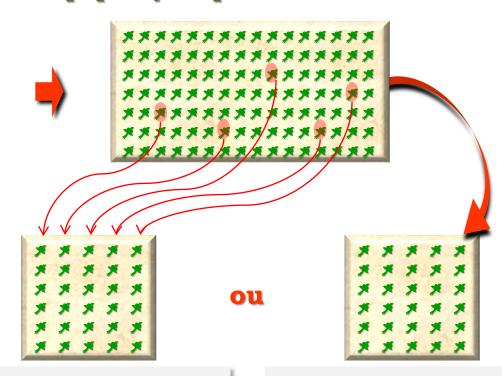
O emprego desse método é relativamente pequeno. Ele utiliza basicamente a habilidade dos melhoristas em, visualmente, identificar os indivíduos genotipicamente superiores.

Eficiente para caracteres de alta herdabilidade, onde há uma boa correspondência entre o fenótipo e o genótipo, ou seja, quando é pequena a influência do ambiente na manifestação do caráter.

Esquema de condução de populações pelo método massal

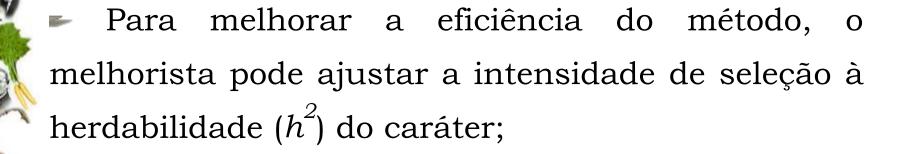


Selecionam-se plantas com base em critérios visuais prédeterminados. As sementes são misturadas e semeadas para formar a população da geração seguinte.



As linhagens selecionadas, poderão ser utilizadas individualmente para formar uma nova linhagem ou misturadas todas as sementes para formar uma variedade com mistura de linhas puras.

Selecionam-se plantas com base em critérios visuais. As sementes são misturadas e semeadas para formar a população da próxima geração. O processo se repete.



O método só é aconselhável também para aqueles caracteres que são pouco influenciados pela densidade de semeadura, pois há necessidade que as plantas sejam mais espaçadas para facilitar a seleção visual.

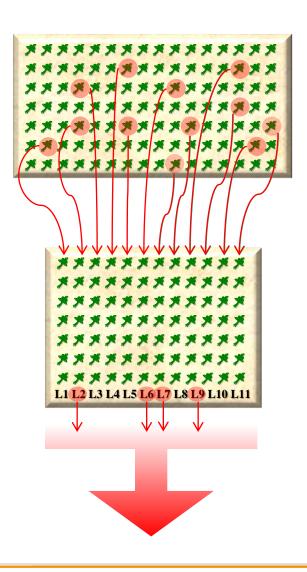


3. Seleção de plantas Individuais com teste de progênie



Este método consiste na seleção individual de plantas feita na população original, seguida da observação de suas descendências, para fins de avaliação. Nenhum genótipo é criado, apenas procura-se isolar os melhores genótipos já presentes na população heterogênea.

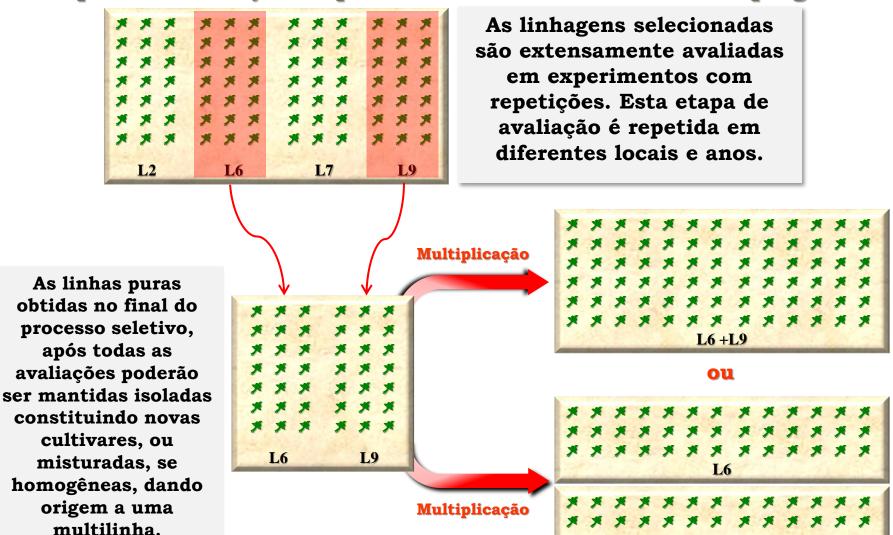
Esquema da seleção de plantas individuais com teste de progênie



Seleção de plantas individuais com os padrões fenotípicos desejáveis dentro de uma população oriunda de uma mistura de amostras obtida entre agricultores

As sementes colhidas de cada planta são semeadas, formando uma linhagem.
Avaliação das n linhagens e seleção das melhores linhagens para a etapa seguinte.

Esquema da seleção de plantas individuais com teste de progênie



L9



Bibliografia

- 1. ALLARD, R.W. Princípios do melhoramento genético das plantas. Cap. 6, 7, 8, 9 e 10.
- BORÉM, A. Melhoramento de plantas. Viçosa: UFV.
 Cap. 10, 13 e 14. 1997.
- RAMALHO, M. A. P.; ABREU, A. F. B.; SANTOS, J. B. Melhoramento de espécies autógamas. In: NASS, L. L.; VALOIS, A. C. C.; MELO, I. S.; VALADARES-INGLIS, M. C. (ed.) Recursos genéticos e melhoramento. Rondonópolis: Fundação-MT, 2001. pp.201-230.



Aula 06



