

# Tema 06

## Árvores de Decisão / Random Forests

Professora:

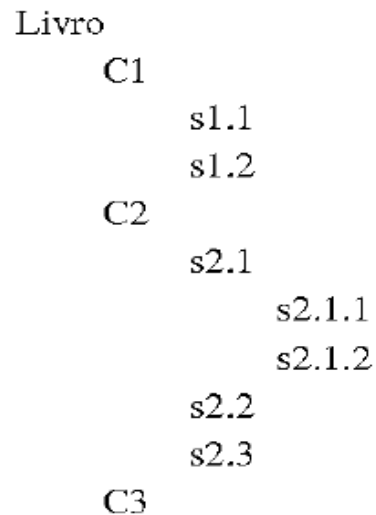
Ariane Machado Lima

# Vídeo 1

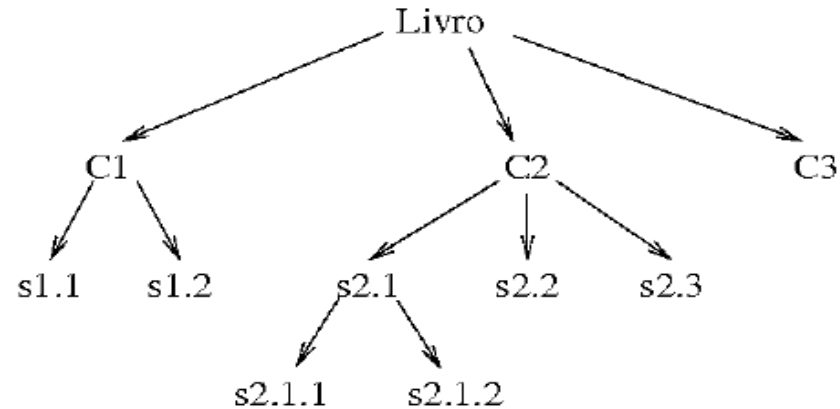
## Definição de Árvores de Decisão

# Terminologia Básica de Árvores

- Nós, raiz, pai, filhos, arestas
- Subárvore
- Caminho, ancestral/descendente
- Folhas/nós terminais, nós internos/não-terminais



(a)



(b)

Exemplo: Sumário de um livro (a) e sua respectiva representação como uma árvore }  
(b)

# Ávore de Decisão - Definição

Uma *Ávore de Decisão* é:

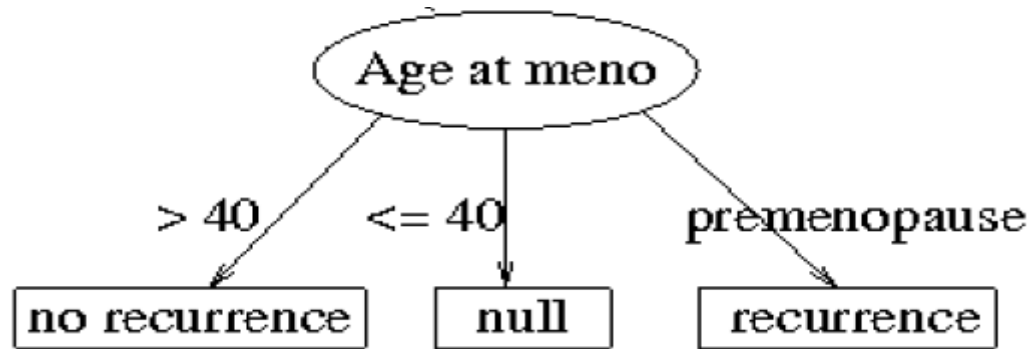
- um nó folha (ou nó resposta) que contém o nome de uma classe ou o símbolo *nulo* (*nulo* indica que não é possível atribuir nenhuma classe ao nó por não haver nenhum exemplo que corresponda a esse nó); ou

no recurrence

# Ávore de Decisão - Definição

Uma *Ávore de Decisão* é:

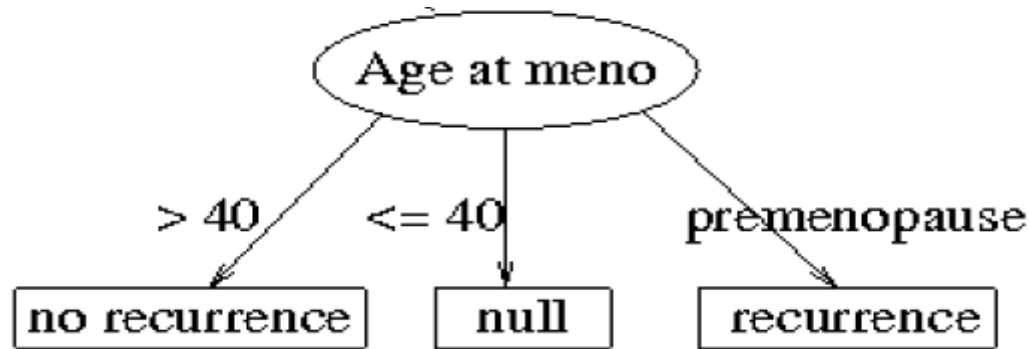
- um nó folha (ou nó resposta) que contém o nome de uma classe ou o símbolo *nulo* (*nulo* indica que não é possível atribuir nenhuma classe ao nó por não haver nenhum exemplo que corresponda a esse nó); ou
- um nó interno (ou nó de decisão) que contém o nome de um atributo; para cada possível valor do atributo, corresponde um ramo para uma outra árvore de decisão.



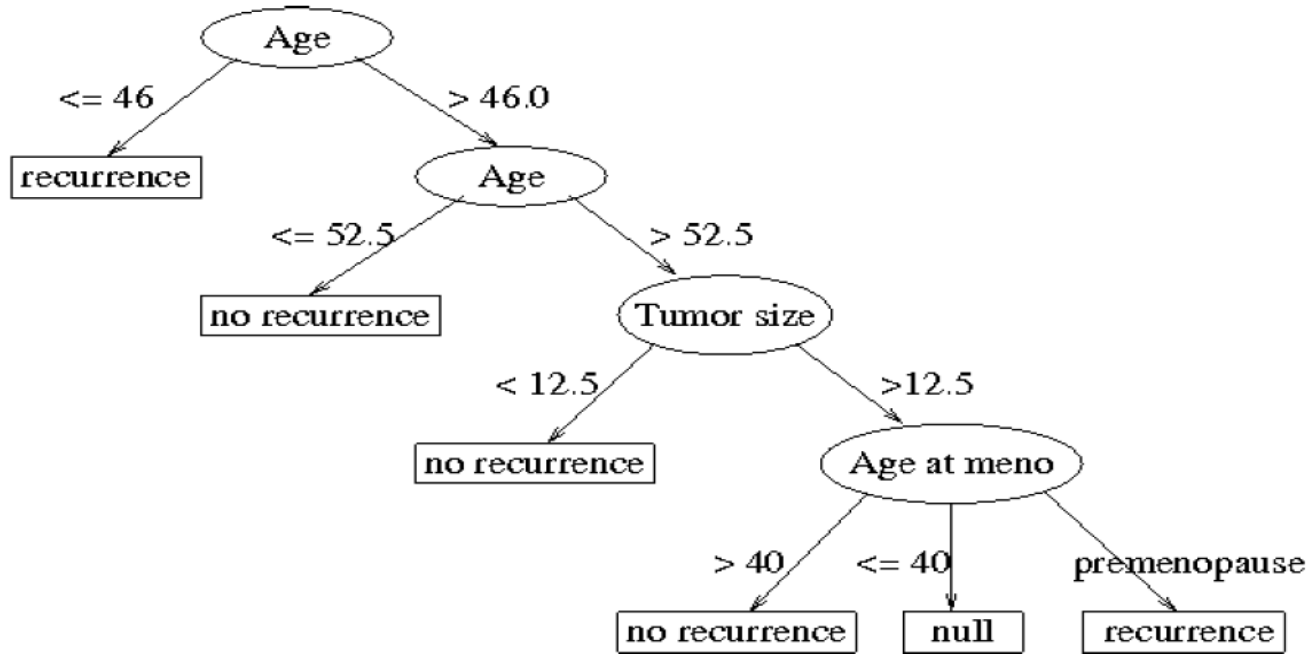
# Árvore de Decisão - Definição

Uma árvore de decisão possui a seguinte estrutura típica:

- Nós internos são rotulados com atributos;
- Folhas são rotuladas com classes;
- Ramos são rotulados com valores (atributos categóricos) ou com intervalos (atributos numéricos).



# Ávore de Decisão - Exemplo



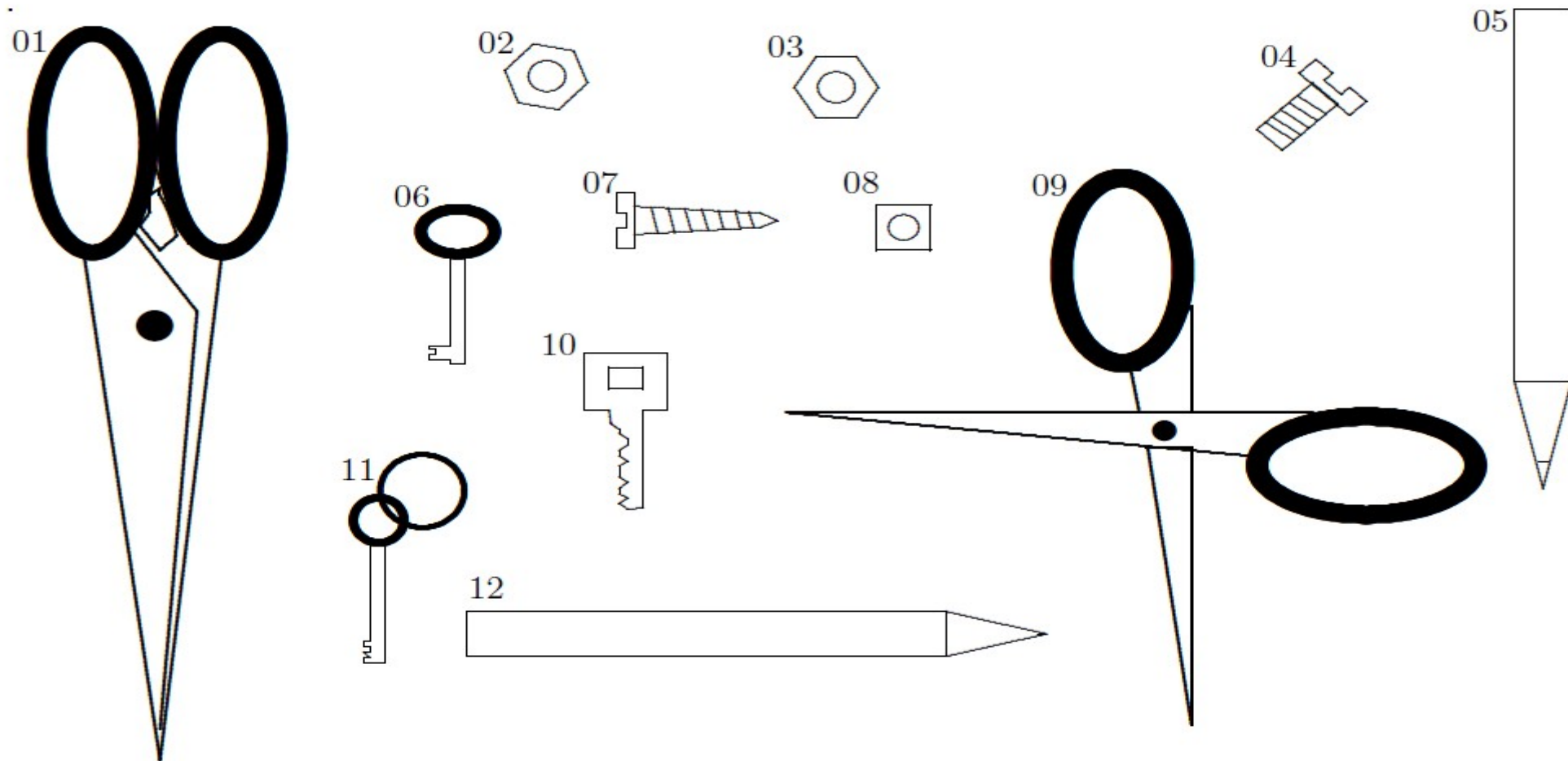
Exemplo: Predição de recorrência de câncer de mama

# Exemplo de construção da árvore

- Queremos construir uma árvore para classificar imagens de objetos nas classes: porca, parafuso, tesoura, chave, caneta
- Atributos considerados:
  - Tamanho: pequeno, grande
  - Formato: longo, compacto, outro
  - Orifícios: 0, 1, 2, 3, muitos



# Exemplo de construção da árvore – amostra de treinamento



# Exemplo de construção da árvore – amostra de treinamento

Objeto No.	TAMANHO	FORMATO	ORIFICIOS	CLASSE
01	grande	longo	2	tesoura
02	pequeno	compacto	1	porca
03	pequeno	compacto	1	porca
04	pequeno	longo	0	parafuso
05	grande	longo	0	caneta
06	pequeno	longo	1	chave
07	pequeno	longo	0	parafuso
08	pequeno	compacto	1	porca
09	grande	longo	2	tesoura
10	pequeno	longo	1	chave
11	pequeno	longo	2	chave
12	grande	longo	0	caneta

# Processo de construção da árvore (informal)

# Processo de construção da árvore (informal)

- Árvore com um nó, todos os exemplos associados a ele
- São todos os exemplo da mesma classe?
  - Sim: páre
  - Não:

# Processo de construção da árvore (informal)

- Árvore com um nó, todos os exemplos associados a ele
- São todos os exemplo da mesma classe?
  - Sim: páre
  - Não: subdivide os exemplos de acordo com um atributo (filhos da raiz)

# Processo de construção da árvore (informal)

- Árvore com um nó, todos os exemplos associados a ele
- São todos os exemplo da mesma classe?
  - Sim: páre
  - Não: subdivide os exemplos de acordo com um atributo (filhos da raiz)
    - Para cada nó criado:

# Processo de construção da árvore (informal)

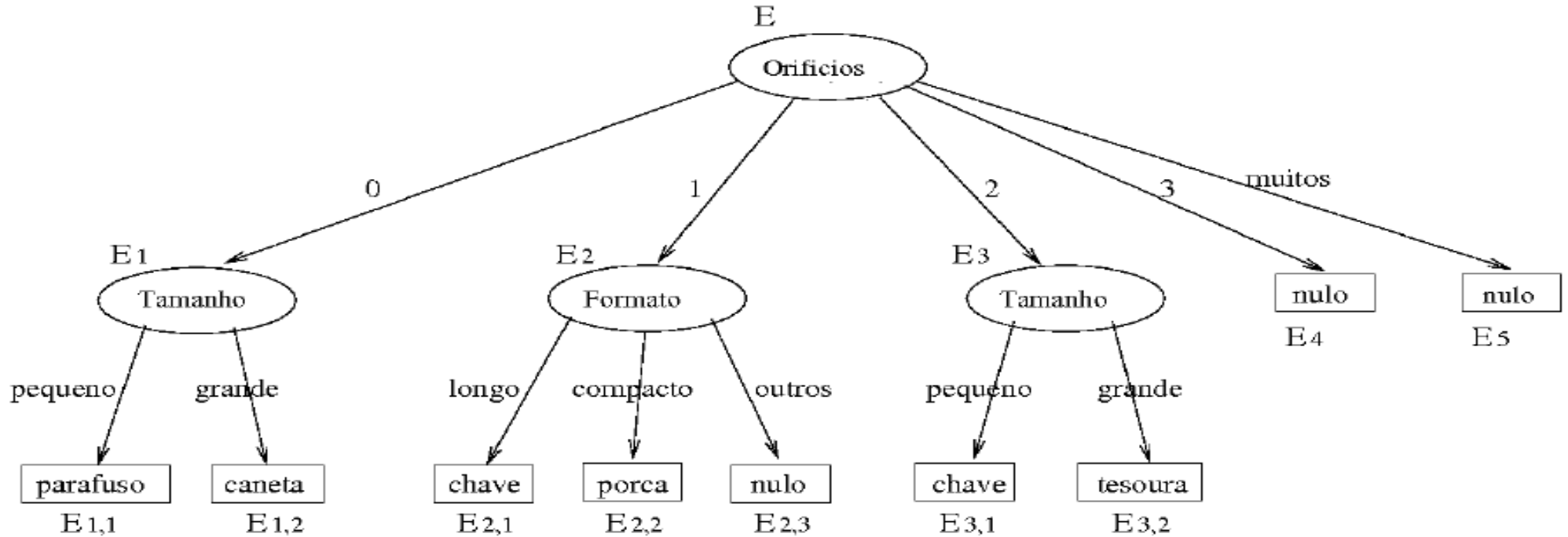
- Árvore com um nó, todos os exemplos associados a ele
- São todos os exemplo da mesma classe?
  - Sim: páre
  - Não: subdivide os exemplos de acordo com um atributo (filhos da raiz)
    - Para cada nó criado: são todos os exemplos da mesma classe?
      - Sim: páre
      - Não: subdivide os exemplos de acordo com outro atributo....

# Vamos tentar construir?

Objeto No.	TAMANHO	FORMATO	ORIFICIOS	CLASSE
01	grande	longo	2	tesoura
02	pequeno	compacto	1	porca
03	pequeno	compacto	1	porca
04	pequeno	longo	0	parafuso
05	grande	longo	0	caneta
06	pequeno	longo	1	chave
07	pequeno	longo	0	parafuso
08	pequeno	compacto	1	porca
09	grande	longo	2	tesoura
10	pequeno	longo	1	chave
11	pequeno	longo	2	chave
12	grande	longo	0	caneta



# Possível árvore



# Funcionamento (classificação)

- Classificando um novo objeto:

(tamanho = grande, formato = longo, orifícios = 0)

# Problemas?

# Problemas?

- Várias árvores podem ser criadas dependendo da ordem de escolha dos atributos
  - Solução:

- 

-

# Problemas?

- Várias árvores podem ser criadas dependendo da ordem de escolha dos atributos
  - Solução: utilizar uma função de escolha do próximo atributo (por exemplo, que melhor divide os exemplos)

# Problemas?

- Várias árvores podem ser criadas dependendo da ordem de escolha dos atributos
  - Solução: utilizar uma função de escolha do próximo atributo (por exemplo, que melhor divide os exemplos)
- A árvore pode ter muitos nós, alguns deles com poucos ou nenhum objeto
  -

# Problemas?

- Várias árvores podem ser criadas dependendo da ordem de escolha dos atributos
  - Solução: utilizar uma função de escolha do próximo atributo (por exemplo, que melhor divide os exemplos)
- A árvore pode ter muitos nós, alguns deles com poucos ou nenhum objeto
  - Solução: realizar podas na árvore ao final do treinamento

**Fim do vídeo 1**

**Definição de  
Árvores de Decisão**



# Vídeo 2

## Treinamento de Árvores de Decisão

# Ideia do algoritmo de construção

- Expansão da árvore, através de sucessivas partições do conjunto de treinamento, até que a condição de parada seja satisfeita;
- Eliminação de algumas partes inferiores (*poda*) da árvore, através de reagrupamentos dos sub-conjuntos da partição.

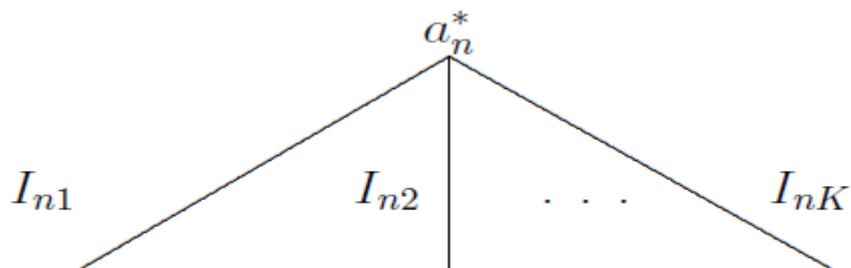
**Dados** um conjunto de aprendizado  $E$  (dataset de treinamento)  
uma condição de parada  $P(E)$   
uma função de avaliação  $score(E, atributo)$  (avaliação do atributo)  
uma função de classificação  $classe(t)$  (retorna a classe associada ao nó  $t$ )  
uma função de categorização  $categ(E, atributo)$  (para dividir em intervalos)

**Se** o conjunto  $E$  satisfaz a condição de parada  $P(E)$ ,

**então** a árvore resultante é um único nó  $t$  rotulado conforme a regra  $classe(t)$

**caso contrário**

1. para cada atributo  $a_i$ , calcule a função  $score(E, a_i)$ ;  
selecione o atributo  $a_n^* = \arg \max score(E, a_i)$
2. sejam  $I_{n1}, I_{n2}, \dots, I_{nK}$  os intervalos gerados segundo  $categ(E, a_n^*)$ ;  
crie o nó e os ramos



**Dados** um conjunto de aprendizado  $E$   
uma condição de parada  $P(E)$   
uma função de avaliação  $score(E, atributo)$   
uma função de classificação  $classe(t)$   
uma função de categorização  $categ(E, atributo)$

**Se** o conjunto  $E$  satisfaz a condição de parada  $P(E)$ ,

**então** a árvore resultante é um único nó  $t$  rotulado conforme  
a regra  $classe(t)$

### **caso contrário**

1. para cada atributo  $a_i$ , calcule a função  $score(E, a_i)$ ;  
selecione o atributo  $a_n^* = \arg \max score(E, a_i)$
2. sejam  $I_{n1}, I_{n2}, \dots, I_{nK}$  os intervalos gerados segundo  $categ(E, a_n^*)$ ;  
crie o nó e os ramos
3. particione  $E$  em  $K$  sub-conjuntos  $E_1, E_2, \dots, E_K$  segundo os intervalos  
(ou valores) de  $a_n$  na árvore de decisão
4. aplique o algoritmo recursivamente para cada um dos subconjuntos  $E_i$
5. após a expansão da árvore ter terminado, ajuste seu tamanho,  
eliminando alguns ramos  $T_t$  se necessário.

# Principais elementos do algoritmo

- Regra de parada  $P(E)$ : é uma condição que o conjunto de treinamento  $E$  deve satisfazer para que seu nó correspondente seja considerado um nó terminal.

Casos mais simples:  $E$  é vazio ou quando todos os exemplos incidentes sobre  $t$  pertencem à mesma classe.

Contudo, existem algoritmos que interrompem a expansão do nó sob condições mais complexas. Nesses casos, dizemos que ocorre uma *pré-poda* da árvore de decisão.

- Regra  $classe(t)$ : função que atribui um rótulo de classe a um nó  $t$ .

Critério mais simples: classificação por maioria.

- Função  $score(a_i)$ : é utilizada para tentar identificar o atributo mais relevante existente sobre  $E$ , isto é, o atributo com maior poder discriminante das classes.

# Principais elementos do algoritmo

- Método de categorização de atributos  $categ(E, a)$ : Atributos numéricos precisam ser “discretizados” em sub-intervalos do tipo

$$\begin{aligned} I_{n1} &= ]c_{n0}, c_{n1}] \\ I_{n2} &= ]c_{n1}, c_{n2}] \\ &\vdots \\ I_{nK} &= ]c_{nK-1}, c_{nK}[ \end{aligned}$$

onde  $c_{n0}, c_{n1}, \dots, c_{nK}$  são constantes definidas segundo o critério de categorização  $categ(E, a)$ . A forma mais simples de discretização é a binarização dos atributos, através de condições do tipo  $x_n \leq c?$ , onde a constante  $c$  é obtida através de testes exaustivos sobre o conjunto de treinamento disponível.

Uma vez que os atributos categóricos também podem ser reduzidos a conjuntos  $I_{n1} = \{a_{n1}\}, \dots, I_{nK} = \{a_{nK}\}$ , para simplificar a notação não faremos distinção entre atributos ordenados e categóricos, exceto em casos explícitos.

# Principais elementos do algoritmo

- Critério de poda: Após a expansão da árvore, pode ocorrer que os subconjuntos de  $E$  correspondentes aos nós folhas sejam muito pequenos e com grande efeito de *overfitting* (ajuste muito preciso aos dados de treinamento, porém com baixa precisão na classificação de novos exemplos).

É necessário então eliminar-se alguns dos ramos inferiores da árvore, de forma a atenuar o efeito dos ruídos (informações inúteis para a classificação) e de forma a manter na árvore apenas regras com mais alto poder de discriminação das classes.

Esse processo é denominado *pós-poda* (ou simplesmente *poda*) das árvores.

# Vendo mais em detalhes...

- Função classe( $t$ )
- Função score( $E, a$ )
- Poda



# Função classe(t)

- Atribui uma classe ao **nó t** com base nos exemplos que lá “estão”
- Possíveis funções:
  - Critério de minimização do erro esperado
  - Critério de minimização do custo do erro de classificação
  - Rotulação dos nós pelas probabilidades das classes

# Função classe( $t$ )

Denotaremos por  $p(j|t)$  a probabilidade estimada de um exemplo incidente em  $t$  possuir classe  $j$ . Por exemplo,  $p(j|t)$  pode ser definido como a proporção de exemplos de  $t$  que possuem classe  $j$ .

# Função classe( $t$ ): Critério de minimização do erro esperado

O critério mais simples de atribuição é adotar a classe de maior probabilidade estimada no nó, isto é, a classe que maximiza  $p(j|t)$ . Assim, a probabilidade estimada de um exemplo incidente sobre  $t$  ser classificado erroneamente é:

$$\begin{aligned} r(t) &= 1 - \max_j p(j|t) \\ &= \min_j \sum_{i \neq j} p(i|t) \end{aligned} \tag{1}$$

# Função classe( $t$ ): Critério de minimização do custo do erro de classificação

O *custo de erro* em classificar um objeto pertencente à classe  $j$  como sendo de classe  $i$  é denotado por  $C(i, j)$  e satisfaz

- $C(i, j) \geq 0, i \neq j$ ;
- $C(i, i) = 0$ .

Se um objeto de classe desconhecida incidente sobre um nó  $t$ , for classificado com classe  $i$ , então o custo esperado do erro na classificação será  $\sum_j C(i, j)p(j|t)$ . Assim, um critério natural de atribuição é escolher a classe  $i$  que minimiza a expressão acima.

$$r(t) = \min_i \sum_j C(i, j)p(j|t).$$

# Função classe( $t$ ): Critério de minimização do custo do erro de classificação

O *custo de erro* em classificar um objeto pertencente à classe  $j$  como sendo de classe  $i$  é denotado por  $C(i, j)$  e satisfaz

- $C(i, j) \geq 0, i \neq j$ ;
- $C(i, i) = 0$ .

Se um objeto de classe desconhecida incidente sobre um nó  $t$ , for classificado com classe  $i$ , então o custo esperado do erro na classificação será  $\sum_j C(i, j)p(j|t)$ . Assim, um critério natural de atribuição é escolher a classe  $i$  que minimiza a expressão acima.

$$r(t) = \min_i \sum_j C(i, j)p(j|t).$$

Note que neste critério, e no anterior, eu defino quem é a classe  $i$

# Função classe(t): rotulação pelas probabilidades das classes

Árvore probabilística:

$$\text{classe}(t) = (p(1|t), p(2|t), \dots, p(J|t))$$

Custo estimado em se atribuir a um objeto à classe  $i$  (estando no nó  $t$ ):

$$\sum_j C(i, j)p(j|t).$$

Custo estimado de erro no nó  $t$ :

$$r(t) = \sum_i p(i|t) \left( \sum_{i \neq j} C(i, j)p(j|t) \right) = \sum_{i,j} C(i, j)p(i|t)p(j|t).$$

# Função classe( $t$ ): Custo total de erro de classificação da árvore

a depender do critério escolhido

Seja  $R(t)$  o custo total de erro no nó  $t$ , dado por

$$R(t) = r(t)p(t),$$

onde  $p(t)$  é a proporção de exemplos em  $E$  que incidem sobre o nó  $t$ .

# Função classe( $t$ ): Custo total de erro de classificação da árvore

a depender do critério escolhido

Seja  $R(t)$  o custo total de erro no nó  $t$ , dado por

$$R(t) = r(t)p(t),$$

onde  $p(t)$  é a proporção de exemplos em  $E$  que incidem sobre o nó  $t$ .

O custo total de erros de classificação da árvore  $R(T)$  é dado por

$$R(T) = \sum_{t \in \bar{T}} R(t),$$

onde  $\bar{T}$  é o conjunto de folhas de  $T$ .



# Função $\text{score}(E,a)$ – Escolha do atributo ótimo

- Na literatura: *Splitting criterion/rule*
- Função baseada em uma medida de impureza
- Possíveis funções utilizadas como medida de impureza:
  - Entropia
  - Índice Gini

## Medida de impureza

**Definição 5.1** *Uma função de impureza é uma função  $\phi$  definida sobre o conjunto de todas as  $J$ -tuplas de números  $(p_1, p_2, \dots, p_J)$  satisfazendo  $p_j \geq 0$ ,  $j = 1, 2, \dots, J$   $\sum_j p_j = 1$  com as propriedades*

- $\phi$  atinge seu máximo somente no ponto  $(\frac{1}{J}, \frac{1}{J}, \dots, \frac{1}{J})$ ;
- $\phi$  atinge seu mínimo somente nos pontos  $(1, 0, \dots, 0)$ ,  $(0, 1, 0, \dots)$ ,  $\dots$ ,  $(0, \dots, 0, 1)$ ;
- $\phi$  é uma função simétrica de  $p_1, p_2, \dots, p_J$ .

As restrições acima retratam as noções intuitivas de impureza: de fato, a impureza de um nó é:

- máxima quando todas as classes estão igualmente presentes no nó
- mínima quando o nó contém apenas uma classe.

# Medida de impureza

**Definição 5.2** *Dada uma função de impureza  $\phi$ , define-se a medida de impureza de um nó  $t$  como*

# Medida de impureza

**Definição 5.2** *Dada uma função de impureza  $\phi$ , define-se a medida de impureza de um nó  $t$  como*

$$\text{imp}(t) = \phi(p(1|t), p(2|t), \dots, p(J|t))$$

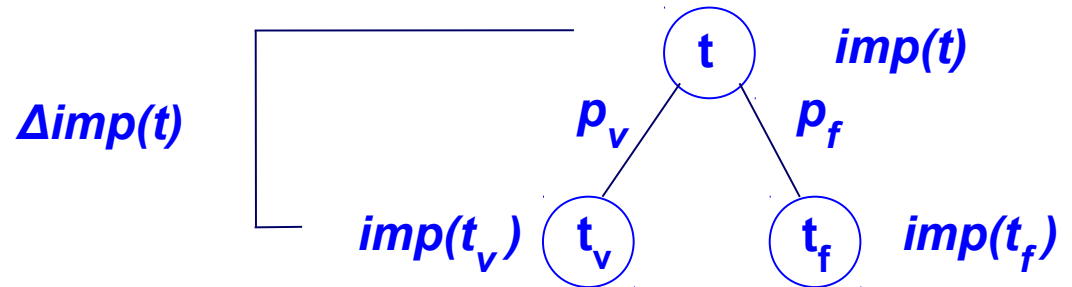
*onde  $p(j|t)$  é a probabilidade de um objeto incidente sobre o nó  $t$  pertencer à classe  $j$ .*

# Medida de impureza

Para todo nó  $t$ , suponha que haja uma divisão candidata  $s$  que divide  $t$  em  $t_v$  e  $t_f$ , de forma que uma proporção  $p_v$  dos exemplos de  $t$  vão para  $t_v$  e uma proporção  $p_f$  dos exemplos de  $t$  vão para  $t_f$ . O *critério de qualidade da divisão* é definido pelo decréscimo na impureza

$$\Delta imp(s, t) = imp(t) - p_v imp(t_v) - p_f imp(t_f) .$$

$s^* =$

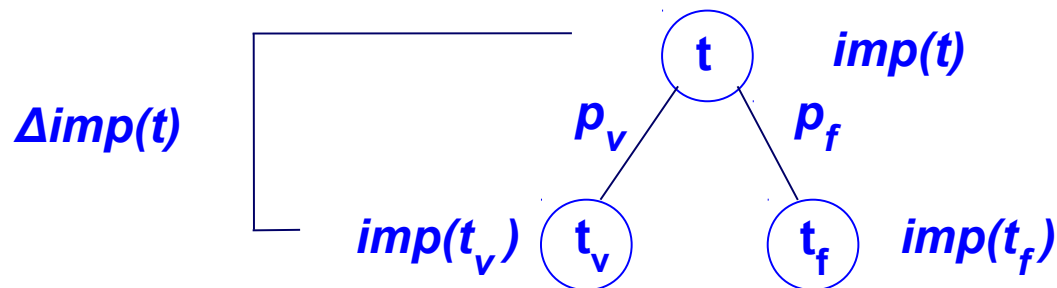


# Medida de impureza

Para todo nó  $t$ , suponha que haja uma divisão candidata  $s$  que divide  $t$  em  $t_v$  e  $t_f$ , de forma que uma proporção  $p_v$  dos exemplos de  $t$  vão para  $t_v$  e uma proporção  $p_f$  dos exemplos de  $t$  vão para  $t_f$ . O *critério de qualidade da divisão* é definido pelo decréscimo na impureza

$$\Delta imp(s, t) = imp(t) - p_v imp(t_v) - p_f imp(t_f) .$$

$$s^* = \arg \max_s \Delta imp(s, t).$$



# Medida de impureza

$$\text{Impureza global da árvore } I(T) = \sum_{t \in \bar{T}} I(t) = \sum_{t \in \bar{T}} p(t) \text{imp}(t).$$

**Teorema 5.3** *A impureza global  $I(T)$  da árvore será mínima se, a cada nó não terminal  $t$ , tivermos escolhido a divisão  $s^* = \arg \max_s \Delta i(s, t)$ .*

*imp*

**Dem.** Tome um nó qualquer  $t \in \bar{T}$  e, usando uma divisão  $s$ , particione o nó em  $t_v$  e  $t_f$ . A nova árvore  $T'$  terá impureza

$$I(T') = \sum_{\bar{T}-\{t\}} I(t) + I(t_v) + I(t_f).$$

O decréscimo global de impureza será

$$I(T) - I(T') = I(t) - I(t_v) - I(t_f).$$

Por depender somente do nó  $t$  e da divisão  $s$ , o decréscimo global de impureza pode ser escrito como

$$\begin{aligned} \Delta I(s, t) &= I(t) - I(t_v) - I(t_f) \\ &= p(t)imp(t) - p(t_v)imp(t_v) - p(t_f)imp(t_f) \end{aligned} \quad (3)$$

Definindo as proporções  $p_v$  e  $p_f$  dos exemplos de  $t$  que vão para  $t_v$  e  $t_f$ , respectivamente, como

$$p_v = p(t_v)/p(t) , \quad p_f = p(t_f)/p(t)$$

podemos reescrever a expressão 3 como

$$\begin{aligned} \Delta I(s, t) &= p(t)[imp(t) - p_v imp(t_v) - p_f imp(t_f)] \\ &= p(t)\Delta imp(s, t). \end{aligned}$$

Uma vez que  $\Delta I(s, t)$  difere de  $\Delta i(s, t)$  apenas pelo fator  $p(t)$ , a mesma divisão  $s^*$  maximiza as duas expressões. Portanto, o critério de seleção da melhor divisão de cada nó pode ser visto como uma seqüência de passos de minimização da impureza global da árvore.



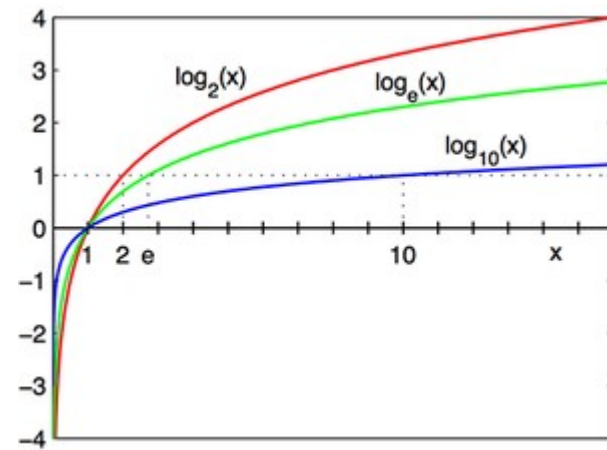
# Entropia como medida de impureza

- Medida de incerteza:  $\mathcal{E}(p_1, p_2, \dots, p_J) = - \sum_{i=1}^J p_i \log p_i.$

Khinchin (1953) demonstrou que  $\mathcal{E}(p_1, p_2, \dots, p_J)$  possui uma série de propriedades que se pode esperar de uma medida de impureza.

Note que é imediato ver que  $\mathcal{E}$  é simétrica e que  $\mathcal{E}(p_1, p_2, \dots, p_J) = 0$  se, e somente se, algum dos números  $p_i$  for igual a 1 e todos os demais iguais a 0.

$$\mathcal{E}(p_1, p_2, \dots, p_J) \leq \mathcal{E}\left(\frac{1}{J}, \frac{1}{J}, \dots, \frac{1}{J}\right).$$



# Entropia como medida de impureza

- Medida de incerteza:  $\mathcal{E}(p_1, p_2, \dots, p_J) = - \sum_{i=1}^J p_i \log p_i.$

Khinchin (1953) demonstrou que  $\mathcal{E}(p_1, p_2, \dots, p_J)$  possui uma série de propriedades que se pode esperar de uma medida de impureza.

Note que é imediato ver que  $\mathcal{E}$  é simétrica e que  $\mathcal{E}(p_1, p_2, \dots, p_J) = 0$  se, e somente se, algum dos números  $p_i$  for igual a 1 e todos os demais iguais a 0.

$$\mathcal{E}(p_1, p_2, \dots, p_J) \leq \mathcal{E}\left(\frac{1}{J}, \frac{1}{J}, \dots, \frac{1}{J}\right).$$

$$\Delta imp(s, t) = imp(t) - p_v imp(t_v) - p_f imp(t_f)$$

$$s^* = \arg \max_s \Delta imp(s, t).$$

# Índice Gini como medida de impureza

O índice de diversidade Gini possui a forma

$$\mathcal{G}(p_1, p_2, \dots, p_J) = \sum_{i \neq j} p_i p_j$$

e também pode ser escrita como

$$\begin{aligned} \mathcal{G}(p_1, p_2, \dots, p_J) &= \sum_j p_j \sum_{i \neq j} p_i \\ &= \sum_j p_j (1 - p_j) \\ &= 1 - \sum_j p_j^2 \end{aligned}$$

- **Interpretação: erro de classificação:** Ao invés de definir  $classe(t)$  com o rótulo da classe majoritária, defina  $classe(t)$  como uma função que atribui, para um objeto selecionado aleatoriamente dentro do nó, a classe  $i$  com probabilidade  $p(i|t)$ . A probabilidade deste objeto ser da classe  $j$  é  $p(j|t)$ . Portanto, a probabilidade estimada de erro sob esta regra é o índice de Gini

$$\sum_{i \neq j} p_i p_j.$$

# Índice Gini para custos não unitários

$$C(i, i) = 0 ; \quad C(i, j) \geq 0, \quad i \neq j$$

$$\mathcal{G}(p(1|t), p(2|t), \dots, p(J|t)) = \sum_{i,j} C(i, j) p(i|t) p(j|t)$$

Compare com o slide 38...

# Poda da árvore

- Árvore com muitos níveis: perda de acurácia
  - inserção de atributos com pouco poder preditivo ou altamente correlacionados com outros em níveis superiores (*overfitting*)
  - nós inferiores suscetíveis a ruídos
- Árvore com poucos níveis
  - uso de uma pequena parte da informação disponível (generaliza demais - *underfitting*)
- Problema: encontrar um tamanho ideal

# Poda da árvore

- Duas abordagens:
  - **pré-poda**: regras de parada durante a subdivisão dos nós
  - **pós-poda**: construção da árvore completa para posterior poda das sub-árvores consideradas não-confiáveis

# Pré-poda da árvore

- Exemplos de critérios de parada:
  1. Se, para toda divisão  $s$  do nó  $t$ ,  $\Delta I(s, t) < \beta$ , onde  $\beta > 0$  é um parâmetro definido pelo usuário.
  2. Se o número de exemplos que incidir sobre  $t$  for inferior a um parâmetro  $n$ .
  3. Se a proporção dos exemplos incidentes no nó em relação ao número total de exemplos em  $E$  for inferior a um parâmetro  $p$ .
  4. Se a estimativa de erro (ou o custo de erro)  $r(t)$  naquele nó for menor do que um parâmetro  $r$ .

Alguns dos algoritmos que realizam a pré-poda são o REAL (Lauretto (1996)), o Cal5 (Müller & Wyszotzki (1994)) , o C4 (Quinlan et al. (1986)) e o Assistant-86 (Cestnik et al. (1987)).

E outros, como ID3 (Quinlan, 1986).

Obs: a implementação do CART no sklearn permite ambos.

# Pós-poda da árvore

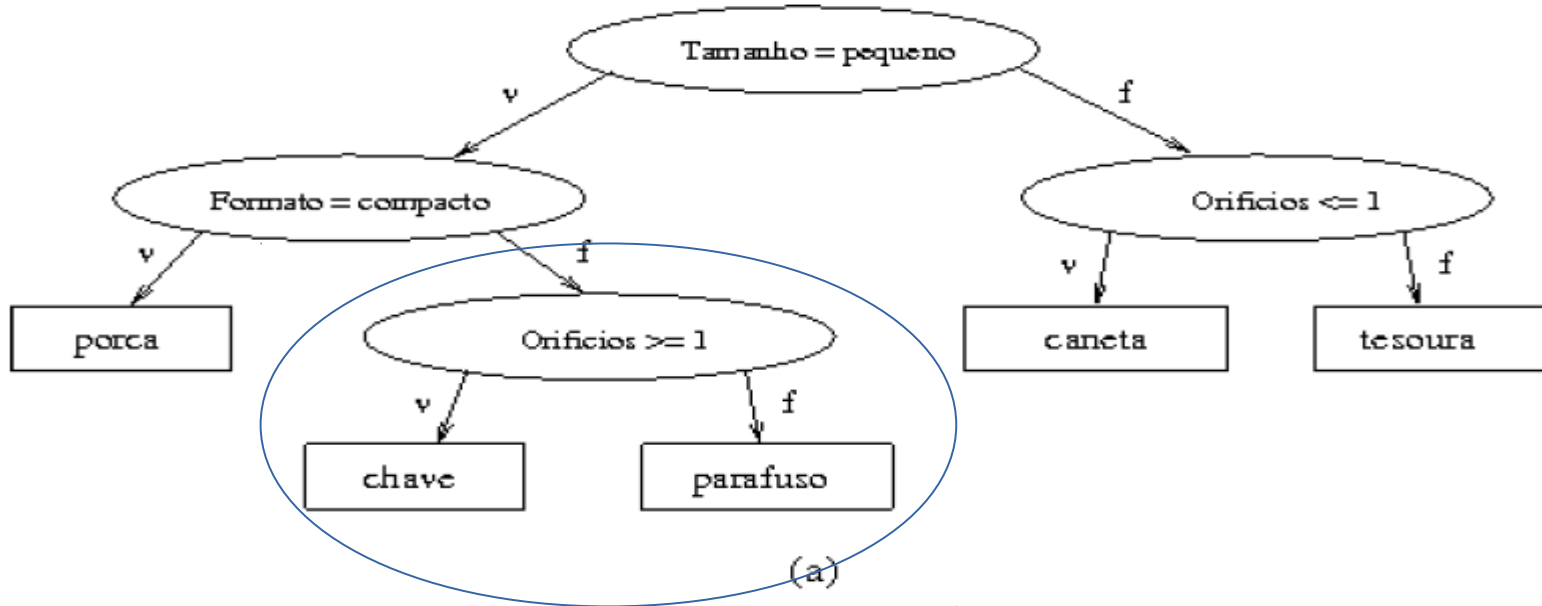
Dada uma árvore  $T$  e um nó interno  $t \in T$ , a *pós-poda* (ou simplesmente *poda*) do ramo  $T_t$  de  $T$  consiste em remover todos os descendentes próprios de  $t$ , declarando-o como nó terminal. Rotula-se  $t$  conforme a função  $classe(t)$  (definida anteriormente). A árvore podada desta forma será denotada por  $T - T_t$ .

Se  $T'$  é obtida de  $T$  através de podas sucessivas de ramos, então  $T'$  é denominada *sub-árvore podada* de  $T$  e é denotada por  $T' \preceq T$ .

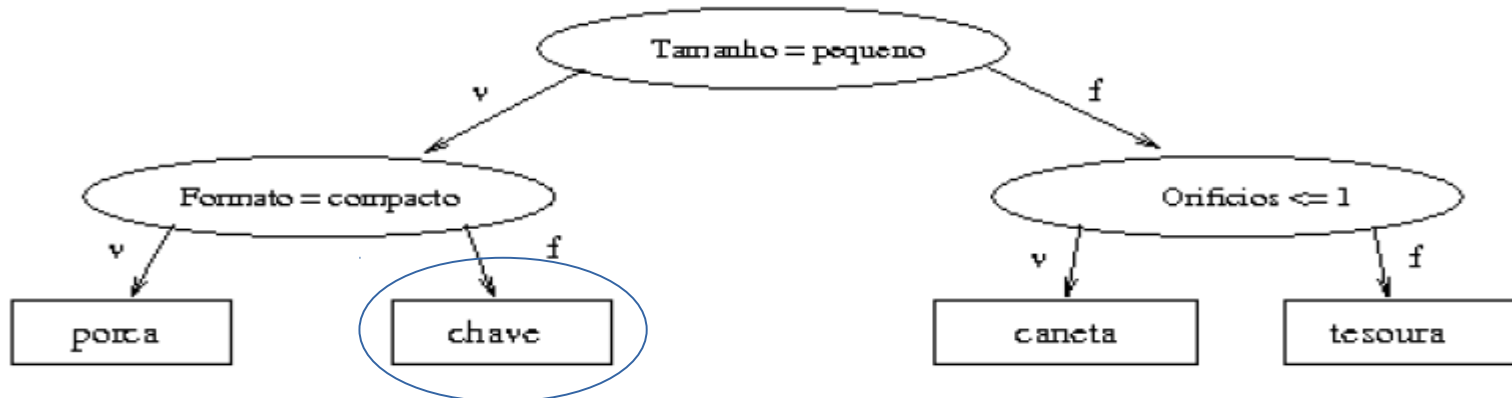


# Pós-poda da árvore - Exemplo

original



podada



# Poda por custo-complexidade

- Método mais conhecido, implementado no algoritmo CART (árvores binárias) - L. Breiman, J. Friedman, R. Olshen, and C. Stone. Classification and Regression Trees. Wadsworth, Belmont, CA, 1984.
- Dois estágios:
  - Estágio 1: geração de uma sequência de árvores  $T_0, T_1, \dots, T_K$ , onde  $T_0$  é a árvore original,  $T_{i+1}$  é obtida a partir de  $T_i$  (substituindo uma ou mais subárvores por folhas), e  $T_K$  é a árvore contendo apenas uma folha (a raiz original)
  - Estágio 2: seleção da melhor árvore da sequência que minimiza o custo de erro de classificação

# Poda por custo-complexidade

- Método mais conhecido, implementado no algoritmo CART (árvores binárias) - L. Breiman, J. Friedman, R. Olshen, and C. Stone. Classification and Regression Trees. Wadsworth, Belmont, CA, 1984.
- Dois estágios:
  - Estágio 1: geração de uma sequência de árvores  $T_0, T_1, \dots, T_K$ , onde  $T_0$  é a árvore original,  $T_{i+1}$  é obtida a partir de  $T_i$  (substituindo uma ou mais subárvores por folhas), e  $T_K$  é a árvore contendo apenas uma folha (a raiz original)
  - Estágio 2: seleção da melhor árvore da sequência que minimiza o custo de erro de classificação

# Poda por custo-complexidade - Estágio 1: obtenção das subárvores

- A árvore original ( $T_0$ ) não precisa ser construída exaustivamente
  - No lugar,  $T_{\max}$  (suficientemente grande), construída, por exemplo, usando um número mínimo de elementos por folha como critério de parada
- Para uma dada árvore  $T$ :
  - Complexidade de  $T$ : número de folhas ( $|F|$ )
  - $R(T)$  é o custo total de erro de classificação de  $T$  (slide 40)
  - $\alpha$  é o parâmetro de complexidade
  - Custo-complexidade:  $R_\alpha(T) = R(T) + \alpha |F|$
- Variando  $\alpha$  em  $[0; +\infty)$  eu obtenho sub-árvores de  $T_{\max}$  que minimizam  $R_\alpha$  (chamadas  $T(\alpha)$ )
  - Para valores  $\alpha_1, \alpha_2, \dots, \alpha_k$ , a árvore  $T_k$  é a que minimiza  $R_\alpha$  para  $\alpha$  em  $[\alpha_k; \alpha_{k+1})$

# Poda por custo-complexidade - Estágio 1: obtenção das subárvores

- $T_0 = T_{\max}$
- $T_1 = T(0)$ , ou seja, uma subárvore de  $T_{\max}$  que minimize  $R(T)$  apenas ( $\alpha = 0$ ) ( $T_1 = \operatorname{argmin}_T R(T)$ )
  - No entanto  $R(T_{\max}) \leq R(T)$ , qualquer  $T \leq T_{\max}$

**Proposição 6.1** *Seja  $T$  uma árvore binária. Dada uma folha  $t \in T$ , para qualquer divisão de  $t$  em  $t_v$  e  $t_f$  tem-se*

$$R(t) \geq R(t_v) + R(t_f).$$

- Portanto,  $T_1$  deve ser uma subárvore de  $T_{\max}$  tal que  $R(T_{\max}) = R(T)$
- Vamos pegar  $T_1$  como sendo **a menor** subárvore de  $T_{\max}$  tal que  $R(T_{\max}) = R(T)$

# Poda por custo-complexidade - Estágio 1: obtenção das subárvores

- Para encontrar  $T_1$  :

- $T = T_{\max}$

- repita:

- para  $t$  um nó interno de  $T$ , se  $R(t) = R(t_v) + R(t_f)$ ,

- $t_v$  e  $t_f$  filhos de  $t$ , pode o ramo  $Tt$  substituindo-o  
pelo nó  $t$

- até que não seja mais possível fazer podas

# Poda por custo-complexidade - Estágio 1: obtenção das subárvores

- Encontrando  $T_{k+1} = T(\alpha_{k+1})$  a partir de  $T_k = T(\alpha_k)$ , onde  $\alpha_{k+1} > \alpha_k$ :

Lembrando que estamos falando do custo-complexidade:

$$T_k = T(\alpha_k) = \operatorname{argmin}_T R_{\alpha_k}(T) = R(T) + \alpha_k |F|$$

$$T_{k+1} = T(\alpha_{k+1}) = \operatorname{argmin}_T R_{\alpha_{k+1}}(T) = R(T) + \alpha_{k+1} |F|$$

# Poda por custo-complexidade - Estágio 1: obtenção das subárvores

- Encontrando  $T_{k+1} = T(\alpha_{k+1})$  a partir de  $T_k = T(\alpha_k)$ , onde  $\alpha_{k+1} > \alpha_k$ :

Lembrando que estamos falando do custo-complexidade:

$$T_k = T(\alpha_k) = \operatorname{argmin}_T R_{\alpha_k}(T) = R(T) + \alpha_k |F|$$

$$T_{k+1} = T(\alpha_{k+1}) = \operatorname{argmin}_T R_{\alpha_{k+1}}(T) = R(T) + \alpha_{k+1} |F|$$

Supondo que eu já calculei  $T_k$



# Poda por custo-complexidade - Estágio 1: obtenção das subárvores

- Encontrando  $T_{k+1} = T(\alpha_{k+1})$  a partir de  $T_k = T(\alpha_k)$ , onde  $\alpha_{k+1} > \alpha_k$ :

Para todo nó interno  $t$  de  $T_k$  e seu respectivo ramo  $T_{k,t}$ , defina

$$R_\alpha(t) = R(t) + \alpha \quad (10)$$

$$R_\alpha(T_{k,t}) = R(T_{k,t}) + \alpha |\overline{T_{k,t}}|. \quad (11)$$

Note que  $R_\alpha(T_{k,t}) < R_\alpha(t)$  para todo nó interno de  $T_k$ , pois caso contrário  $T_k$  não seria minimal. Suponha agora que  $\alpha$  comece a subir de forma contínua. Enquanto  $R_\alpha(T_{k,t}) < R_\alpha(t)$  para cada  $t$ , teremos ainda  $T_k = T(\alpha)$ . No instante em que

$$R_\alpha(T_{k,t}) = R_\alpha(t) \quad (12)$$

para algum nó  $t$ , teremos então  $R_\alpha(T_k) = R_\alpha(T_k - T_{k,t})$  e  $T_k - T_{k,t}$  conterá menos folhas do que  $T_k$ ; logo,  $T_k \neq T(\alpha)$ . Nesse momento, o ramo  $T_{k,t}$  deverá ser podado.

# Poda por custo-complexidade - Estágio 1: obtenção das subárvores

As equações 10 e 11 fornecem o valor de  $\alpha$  para o qual a igualdade 12 ocorre:

$$\alpha = \frac{R(t) - R(T_{k,t})}{|\overline{T_{k,t}}| - 1}.$$

O ponto crítico  $\alpha_{k+1}$  será o menor valor de  $\alpha$  para o qual a igualdade 12 pode ocorrer. Ou seja,

$$\alpha_{k+1} = \min_{t \in \overline{T_k}^C} \frac{R(t) - R(T_{k,t})}{|\overline{T_{k,t}}| - 1}$$

onde  $\overline{T_k}^C$  é o conjunto de nós internos de  $T_k$ .

# Poda por custo-complexidade - Estágio 1: obtenção das subárvores

As equações 10 e 11 fornecem o valor de  $\alpha$  para o qual a igualdade 12 ocorre:

$$\alpha = \frac{R(t) - R(T_{k,t})}{|\overline{T_{k,t}}| - 1}.$$

O ponto crítico  $\alpha_{k+1}$  será o menor valor de  $\alpha$  para o qual a igualdade 12 pode ocorrer. Ou seja,

$$\alpha_{k+1} = \min_{t \in \overline{T_k}^C} \frac{R(t) - R(T_{k,t})}{|\overline{T_{k,t}}| - 1}$$

onde  $\overline{T_k}^C$  é o conjunto de nós internos de  $T_k$ .

Para obter a árvore  $T_{k+1}$ , execute o seguinte procedimento: seja  $t$  um nó interno de  $T_k$ ; se  $R_{\alpha_{k+1}}(t) = R_{\alpha_{k+1}}(T_{k,t})$ , pode o ramo  $T_{k,t}$ , substituindo-o pelo nó  $t$ . Repita este procedimento até que não seja mais possível nenhuma poda. A árvore resultante será  $T_{k+1}$ .

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

- Seleção da subárvore com menor custo de erro de classificação
- Problema?

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

- Seleção da subárvore com menor custo de erro de classificação
- Problema?  
Tmax é a de menor custo para a amostra de treinamento utilizada

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

- Seleção da subárvore com menor custo de erro de classificação
- Problema?  
Tmax é a de menor custo para a amostra de treinamento utilizada
- Solução:

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

- Seleção da subárvore com menor custo de erro de classificação
- Problema?  
Tmax é a de menor custo para a amostra de treinamento utilizada
- Solução:
  - 1) utilizar outra amostra  $E_A$  (de teste, ou de poda) para estimar adequadamente esse custo (com exemplos não utilizados na construção da árvore)

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

Seja  $T_k$  uma sub-árvore da seqüência. Submeta a árvore  $T_k$  ao conjunto de testes  $E_A$ , ou seja, utilize  $T_k$  para classificar cada uma das instâncias de  $E_A$ .

Denote por  $N^A$  a cardinalidade do conjunto  $E_A$ . Sejam  $N_j^A$  o número de instâncias da classe  $j$  em  $E_A$  e  $N_{ij}^A$  o número de instâncias de classe  $j$  em  $E_A$  que tenham sido classificados por  $T_k$  como classe  $i$ . Então, a probabilidade estimada de um objeto de classe  $j$  ser classificado por  $T_k$  como classe  $i$  será

$$Q(i|j) = N_{ij}^A / N_j^A.$$



# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

Denote por  $R(j)$  o custo esperado no erro de classificação dos objetos de classe  $j$ .  
 $R(j)$  será dado por

$$R(j) = \sum_{i=1}^J C(i, j)Q(i|j)$$

onde  $C(i, j)$  é o custo de erro.

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

Denote por  $R(j)$  o custo esperado no erro de classificação dos objetos de classe  $j$ .  $R(j)$  será dado por

$$R(j) = \sum_{i=1}^J C(i, j)Q(i|j)$$

onde  $C(i, j)$  é o custo de erro.

Finalmente, seja  $\pi(j)$  a probabilidade *a priori* de um objeto qualquer de  $E_A$  ser de classe  $j$ . A estimativa do custo da árvore  $T_k$  é dada por,

$$R^C(T_k) = \sum_{j=1}^J R(j)\pi(j).$$

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

Denote por  $R(j)$  o custo esperado no erro de classificação dos objetos de classe  $j$ .  $R(j)$  será dado por

$$R(j) = \sum_{i=1}^J C(i, j)Q(i|j)$$

onde  $C(i, j)$  é o custo de erro.

Finalmente, seja  $\pi(j)$  a probabilidade *a priori* de um objeto qualquer de  $E_A$  ser de classe  $j$ . A estimativa do custo da árvore  $T_k$  é dada por,

$$R^C(T_k) = \sum_{j=1}^J R(j)\pi(j).$$

Após calculada a estimativa de custo  $R^C(T_k)$  para cada sub-árvore  $T_k$  da seqüência, pode-se simplesmente escolher a sub-árvore

$$T_k^* = \arg \min_{1 \leq k \leq K} R^C(T_k).$$

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

- Seleção da subárvore com menor custo de erro de classificação
- Problema?  
Tmax é a de menor custo para a amostra de treinamento utilizada
- Solução:
  - 1) utilizar outra amostra  $E_A$  (de teste, ou de poda) para estimar adequadamente esse custo (com exemplos não utilizados na construção da árvore)
  - 2) menor subárvore com erro dentro de 1 erro padrão dos erros estimados por validação cruzada (regra 1-SE)

# Poda por custo-complexidade - Estágio 2: Escolha da melhor subárvore

- CART no Weka: validação cruzada (você informa o  $k$ )
- CART no sklearn: você só fornece um  $\alpha$



**Fim do vídeo 2**

**Treinamento de  
Árvores de Decisão**

# Vídeo 3

**Árvores de Decisão**  
**Outras questões**

# Missing values

- Muitas formas interessantes de lidar com isso:
  - “missing” como um valor possível do atributo (tanto no treinamento quanto na classificação)
  - Outras abordagens (em 3 fases):
    - Treinamento: na execução da função  $\text{score}(E,a)$  – escolha do atributo
    - Treinamento: na hora de uma instância escolher um ramo
    - Classificação



# Missing values - Treinamento: na execução da função $\text{score}(E,a)$ – escolha do atributo

- Ignore instâncias em que  $a$  é ausente
- Valor = moda (a nominal), mediana (a ordinal) ou média (a numérica) de todos os valores no nó  $t$
- Valor = moda (a nominal), mediana (a ordinal) ou média (a numérica) de todos os valores no nó  $t$  da mesma classe que as instâncias sendo analisadas
- Utilizar um peso para  $a$  baseado na proporção de *missing values*

# Missing values - Treinamento: na hora de uma instância escolher um ramo

- Ignore a instância
- Valor = moda (a nominal), mediana (a ordinal) ou média (a numérica) de todos os valores no nó  $t$
- Valor = moda (a nominal), mediana (a ordinal) ou média (a numérica) de todos os valores no nó  $t$  da mesma classe que a instância sendo analisada
- Instância segue por todos os ramos
- Instância  $x$  vai para o ramo que tem o maior número de instâncias da mesma classe que  $x$

# Missing values - Classificação

- Valor = moda (a nominal), mediana (a ordinal) ou média (a numérica) de todos os valores no nó  $t$
- Instância segue por todos os ramos, chegando-se a mais de uma folha (decide-se por votação ou por aquela que maximiza a probabilidade de uma classe)
- Instância  $x$  vai para o ramo que tem o maior número de instâncias da mesma classe que  $x$
- Para o processo no nó  $t$  e decide pela classe majoritária

# Dados desbalanceados

- Normalmente também um problema
- Alternativas:
  - Tratar no pré-processamento
  - Aumentar o custo das classes minoritárias (problema: quanto)
  - Usar um algoritmo indutor de árvore que lide com isso (ex: DDBT)

# “Implementações” de árvores de decisão

- Variação das funções vistas hoje levam a diferentes algoritmos de árvores de decisão
- Exemplos:
  - ID3: bem simples - não lida com atributos numéricos nem missing values, não faz poda, árvore *multiway* (Quinlan, 1986)
  - C4.5: evolução do ID3: discretiza dados numéricos, pré-poda (Quinlan, 2014)
  - CART (Classification And Regression Trees): árvores binárias, poda por custo-complexidade, classificação e regressão (Breiman et al, 1984)
  - REAL: pré-poda, discretiza dados numéricos reais, árvores binárias (Lauretto, 1996)
  - DDBT: REAL para dados desbalanceados (Frizzarini, 2013)
  - Outros ...

# Árvores de decisão no sklearn

- Baseado no CART, mas...
- Se usar valores default de parâmetros não faz poda alguma
- Dependendo dos valores faz pré-poda e/ou custo-complexidade
- Poda por custo-complexidade tem que definir o  $\alpha$
- `class_weight = balanced` para dados desbalanceados
- `max_features`: nr de features usadas em `score(E,a)` (default todas)
- Randomicidade inerente

# Calibração de parâmetros

- Há vários parâmetros a serem calibrados, mas um dos mais importantes parece ser o `max_depth`
- Artigos no edisciplinas
- Voltaremos a falar nisso com Random Forests

# Seleção de Características

- A seleção de características está embutida no aprendizado da árvore



# Características de Árvores de Decisão

- Método supervisionado ou não-supervisionado?
- 
-

# Características de Árvores de Decisão

- Método supervisionado ou não-supervisionado?

**Supervisionado!** Tanto a amostra de treinamento (para construção da árvore) quanto a de teste (para poda da árvore) devem ser rotuladas.

- 

-

# Características de Árvores de Decisão

- Método supervisionado ou não-supervisionado?  
**Supervisionado!** Tanto a amostra de treinamento (para construção da árvore) quanto a de teste (para poda da árvore) devem ser rotuladas.
- Método paramétrico ou não-paramétrico?
-

# Características de Árvores de Decisão

- Método supervisionado ou não-supervisionado?

**Supervisionado!** Tanto a amostra de treinamento (para construção da árvore) quanto a de teste (para poda da árvore) devem ser rotuladas.

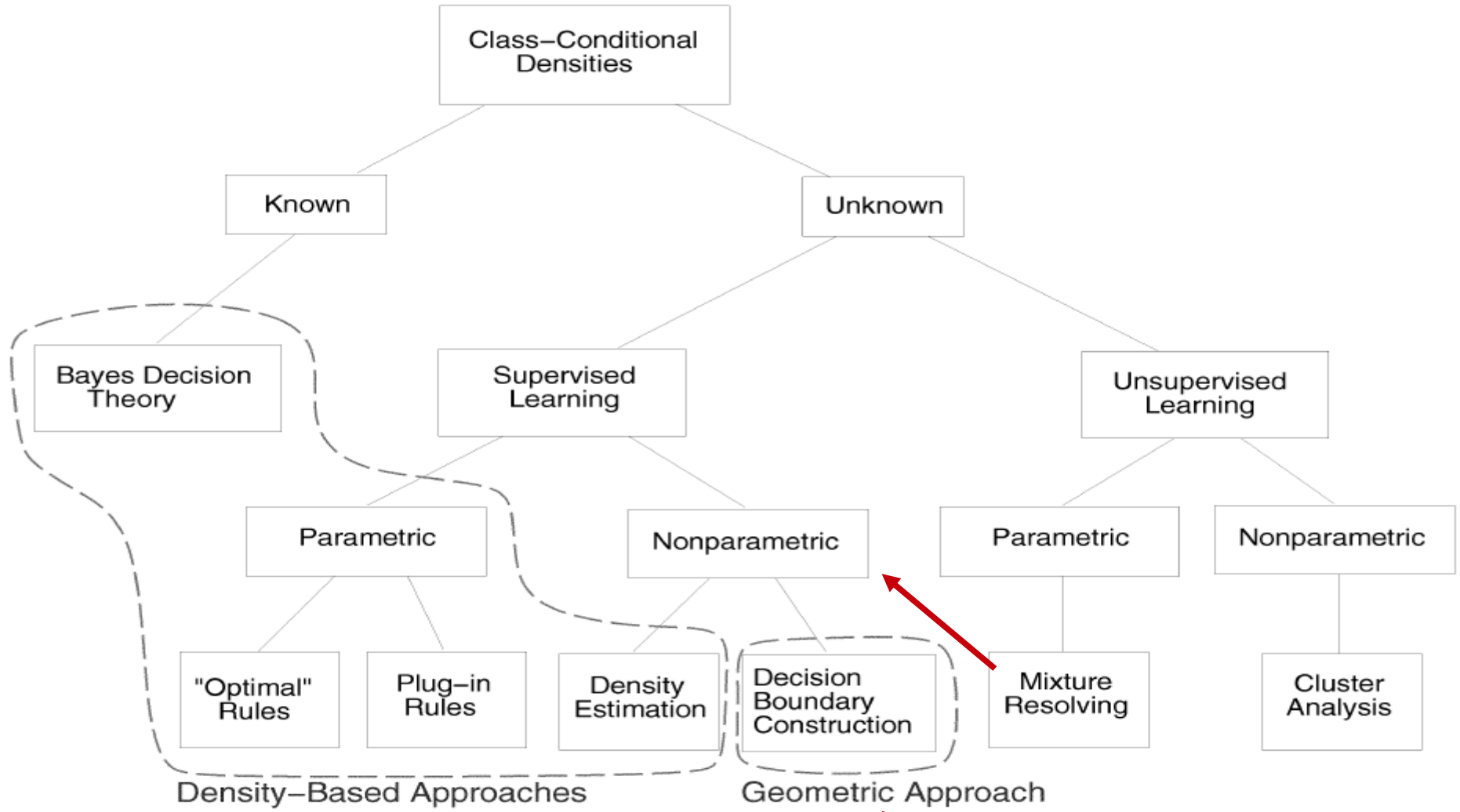
- Método paramétrico ou não-paramétrico?

**Não-paramétrico!** Não é assumida nenhuma família de distribuições para descrever o espaço nem a “cara” do classificador



# Características de Árvores de Decisão

- Método supervisionado ou não-supervisionado?  
**Supervisionado!** Tanto a amostra de treinamento (para construção da árvore) quanto a de teste (para poda da árvore) devem ser rotuladas.
- Método paramétrico ou não-paramétrico?  
**Não-paramétrico!** Não é assumida nenhuma família de distribuições para descrever o espaço nem a “cara” do classificador
- Também considerado **não-métrico**, por poder trabalhar com atributos nominais (categóricos)



# Algumas das principais vantagens

- Interpretabilidade Inclusive em relação a Random Forests  
Pode ser convertida em um conjunto de regras
- Lida com atributos numéricos e categóricos
- Já efetua automaticamente seleção de características (selecionador **embutido**)
- Por ser não-paramétrica, não assume nenhuma família de distribuição
- Conseguem lidar com *missing values*

# Algumas das principais desvantagens

- Alguns algoritmos só trabalham com atributos discretos (ID3, C4.5)
  - REAL trabalha com números reais
- Funciona bem quando há poucos atributos altamente relevantes, mas pode ter mais dificuldades se houver uma grande complexidade de interações
- **Instável** - tende a ser sensível à amostra de treinamento devido à sua natureza gulosa (ruído)



**Fim do vídeo 3**

**Árvores de Decisão**  
**Outras questões**

# Vídeo 4

## **Random Forests**

# Algumas das principais desvantagens

- Alguns algoritmos só trabalham com atributos discretos (ID3, C4.5)
  - REAL trabalha com números reais
- Funciona bem quando há poucos atributos altamente relevantes, mas pode ter mais dificuldades se houver uma grande complexidade de interações
- **Instável** - tende a ser sensível à amostra de treinamento devido à sua natureza gulosa (ruído)

# Alternativas para diminuir a instabilidade

- **Bagging**: várias árvores de decisão (comitê de classificadores - *ensembles*), cada uma treinada por uma amostra *bootstrap* (com reposição) de mesmo tamanho da amostra original (sorteio com reposição da amostra original)
  - classificação: classe mais “votada” pelas árvores
  - demora mais para treinar e classificar, mas o processo é facilmente paralelizável

# Alternativas para diminuir a instabilidade

- **Random Forests**: variação de *Bagging* (*ntree* ou *n\_estimators* árvores) na qual, no momento em que a árvore é construída, apenas um subconjunto aleatório (de *mtry* ou *max\_features* elementos) dos atributos participa da subdivisão de um nó
  - Mais estável que *Bagging*

# Random Forests

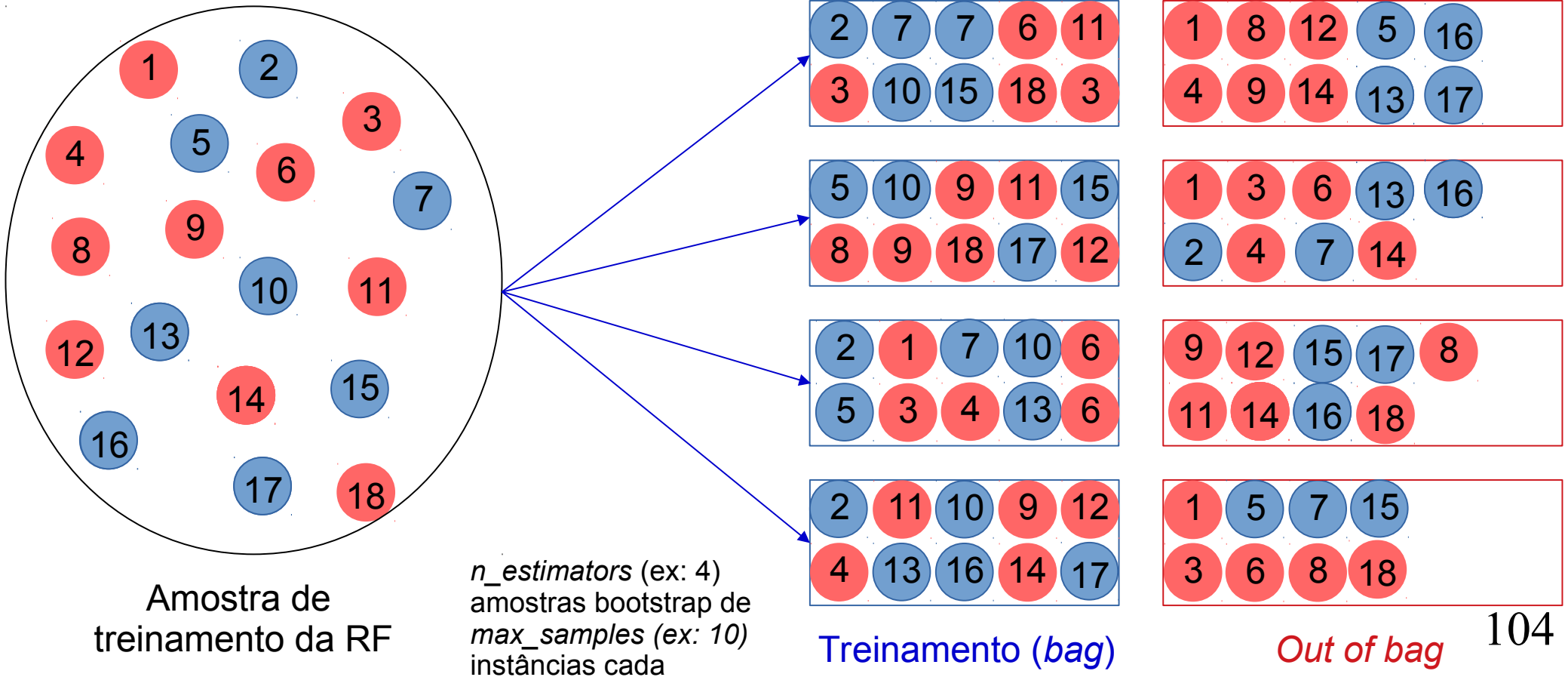
- Cada árvore é construída com um subconjunto aleatório da amostra de treinamento (amostras independentes, mas a partir da mesma distribuição), e usando um subconjunto aleatório de características → baixa correlação entre as árvores
- Baixa correlação entre as árvores + força preditiva de cada árvore → robustez da floresta

# Erro estimado e erro *out of bag*

- Erro estimado (holdout, validação cruzada, etc):
  - Treina a Random Forest (RF) com a amostra de treinamento ( $n\_estimators$  árvores)
  - Testa a RF com a amostra de teste (cada instância da amostra de teste é avaliada pelas  $n\_estimators$  árvores e classificada por votação pela maioria)
- Cada árvore dessa floresta, como é construída a partir de um subconjunto (aleatório) de exemplos de treinamento, pode ser testada com os exemplos restantes (*out of bag*)
- O treinamento de uma Random Forest já fornece uma estimativa do erro desse classificador: erro *out of bag*

# Erro ou score *out of bag*

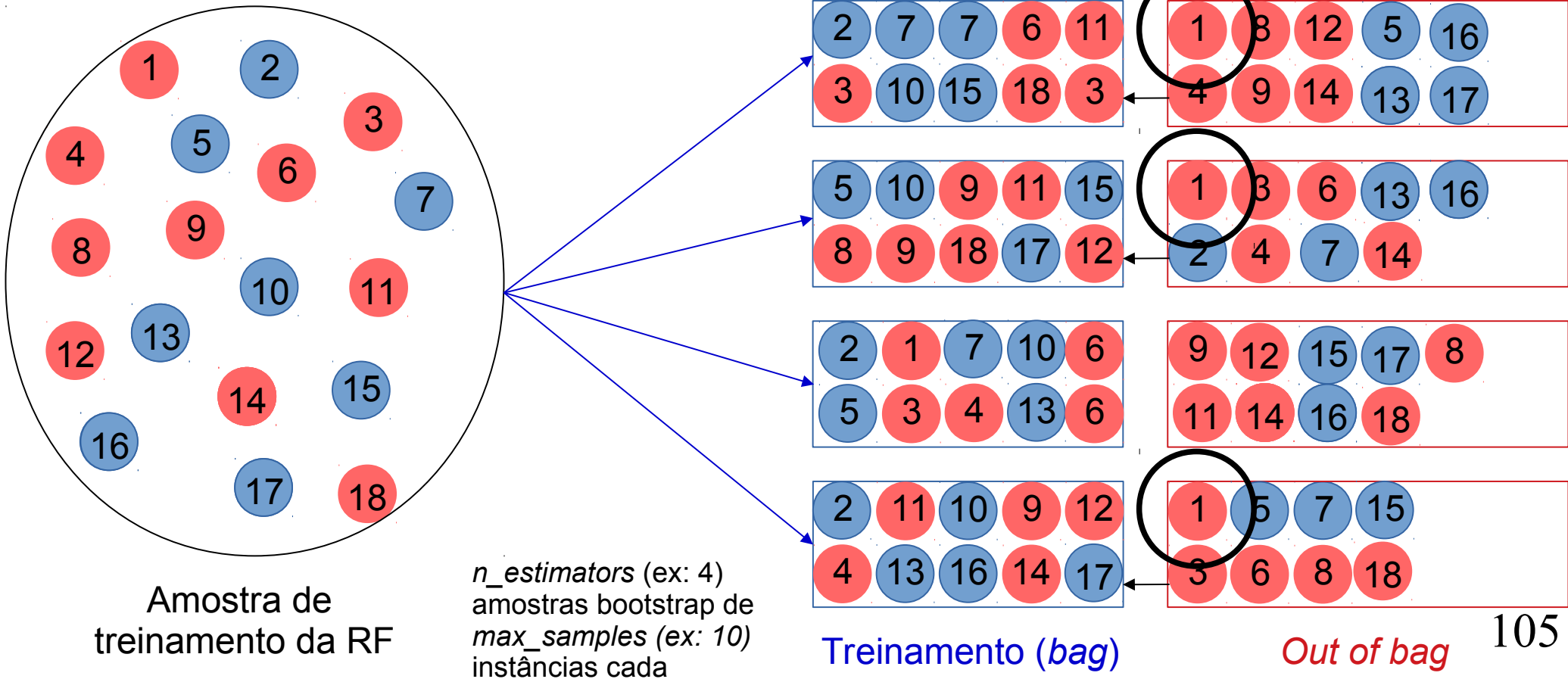
- erro *out of bag*** : taxa de erro da amostra de treinamento mas considerando que, para cada instância  $x$ , foram utilizadas apenas as árvores de decisão que não utilizaram  $x$  para sua construção





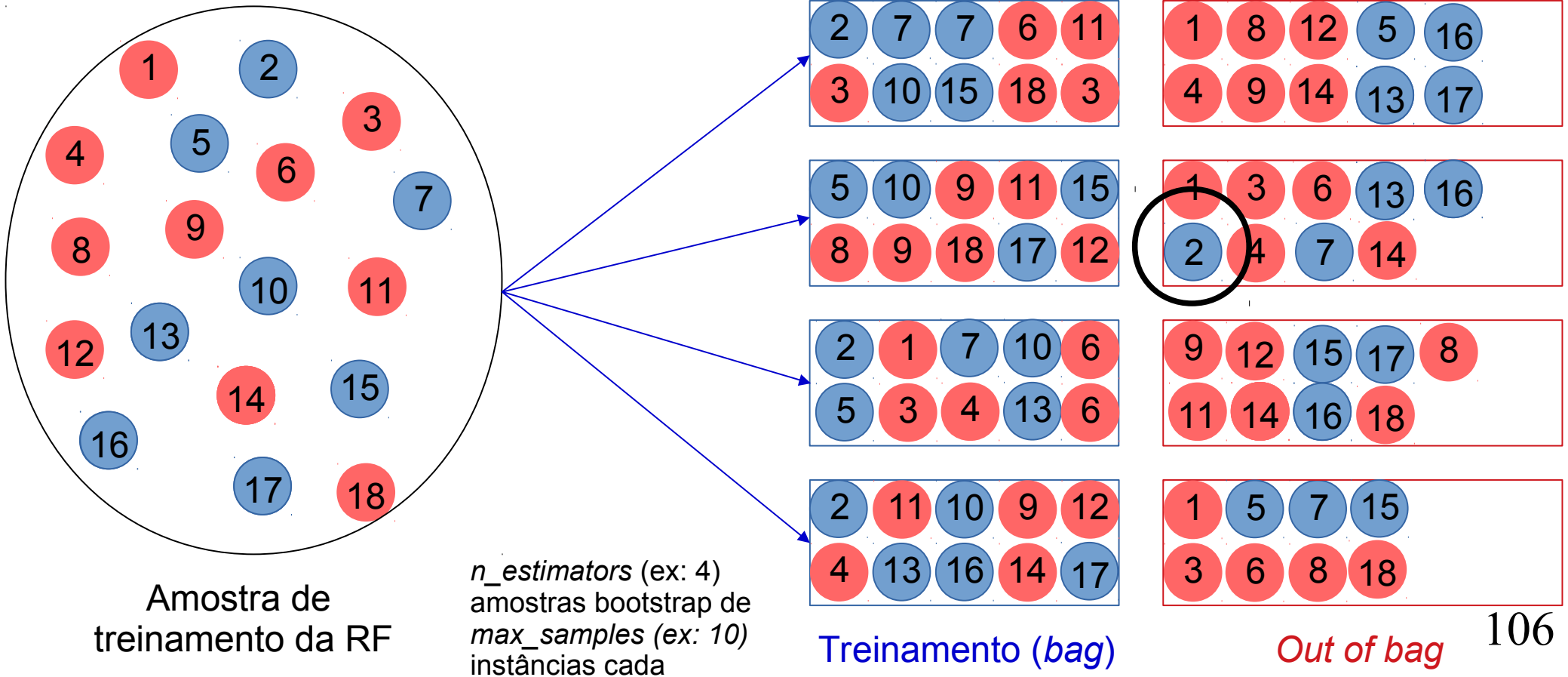
# Erro ou score *out of bag*

- erro *out of bag*** : taxa de erro da amostra de treinamento mas considerando que, para cada instância  $x$ , foram utilizadas apenas as árvores de decisão que não utilizaram  $x$  para sua construção



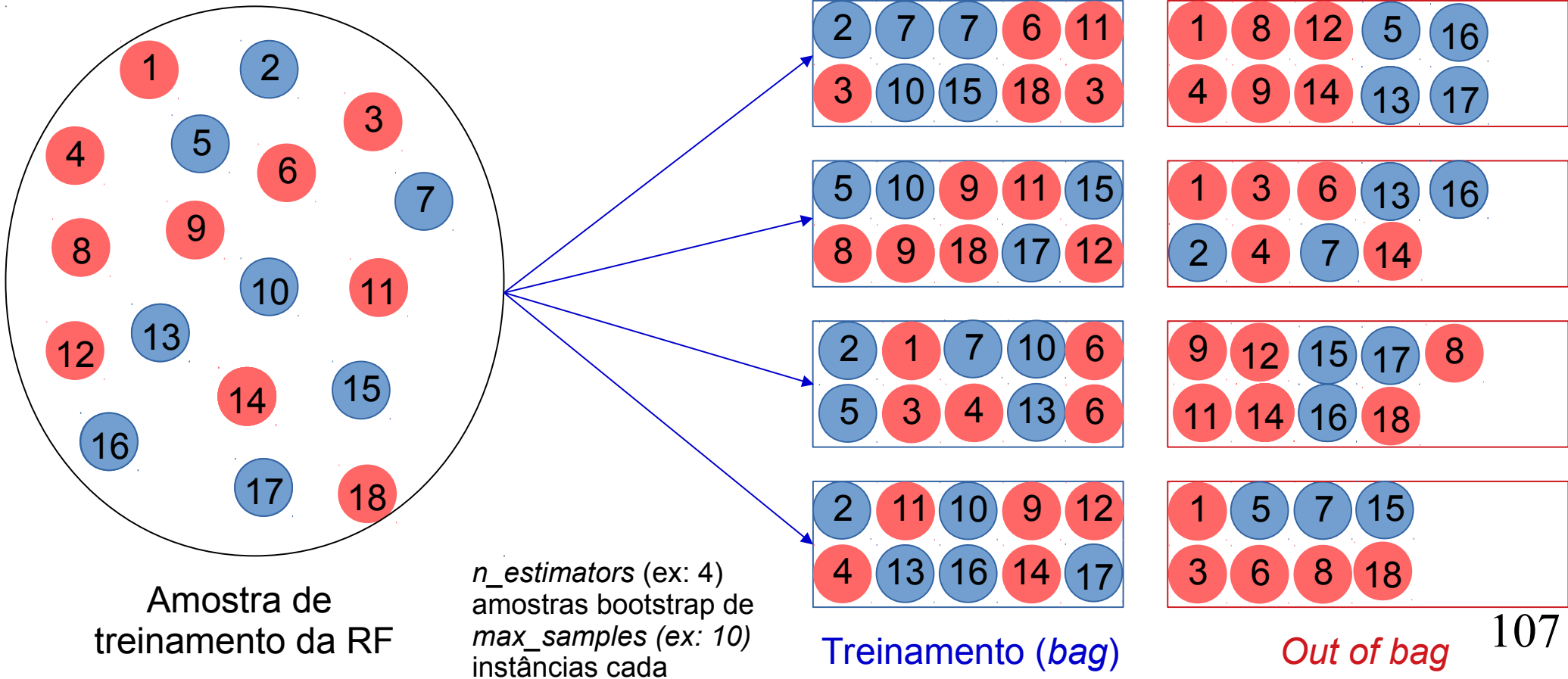
# Erro ou score *out of bag*

- erro *out of bag*** : taxa de erro da amostra de treinamento mas considerando que, para cada instância  $x$ , foram utilizadas apenas as árvores de decisão que não utilizaram  $x$  para sua construção



# Erro ou score *out of bag*

- erro *out of bag*** : taxa de erro da amostra de treinamento mas considerando que, para cada instância  $x$ , foram utilizadas apenas as árvores de decisão que não utilizaram  $x$  para sua construção



# Erro estimado x erro *out of bag*

- Erro estimado usa todas as árvores, o que torna o cenário mais próximo da realidade
- Porém para a estimativa do erro é necessário dividir a amostra original em treinamento e teste, o que também não corresponde à realidade (principalmente quando a amostra de treinamento for bastante diminuída, por ex validação cruzada com  $k = 3$ )
  - Por outro lado, o *out of bag* pode ser calculado utilizando a amostra original inteira
- Erro *out of bag* costuma superestimar o erro, mas o impacto parece não ser tão grande para calibração de parâmetros ;-)  
(Janitza, 2018)

# Importância das variáveis

- Para cada característica: score de importância baseada em *out of bag* (OOB)

- Para cada característica  $c$

Para cada árvore  $t$

Permuta os valores de  $c$  nos exemplos out of bag de  $t$   
Classifica esses exemplos usando  $t$

Com base nessas novas classificações calcula  $OOB_p$

Importância de  $c = (OOB_p - OOB) / OOB$

- Viés do tipo de variável (categóricas com poucos valores favorecidas)

# Importância das variáveis

- Para cada característica: score de importância baseada em *out of bag* (OOB)

- Para cada característica  $c$

Para cada árvore  $t$

Permuta os valores de  $c$  nos exemplos out of bag de  $t$   
Classifica esses exemplos usando  $t$

Com base nessas novas classificações calcula  $OOB_p$

Importância de  $c = (OOB_p - OOB) / OOB$

- Viés do tipo de variável (categóricas com poucos valores favorecidas)

Mas isso é diferente de um selecionador de características do tipo filtro...

# Calibração de parâmetros

- Há vários parâmetros a serem calibrados (praticamente os mesmos que os de árvores de decisão) mas um dos mais importantes é o `max_features` (chute inicial – raiz quadrada do nr de features)
- `max_depth` é um parâmetro, mas a ideia é que cada árvore seja o mais profunda possível (na verdade, folhas o mais puras possível) e sem poda

# Hyperparameters and tuning strategies for random forest

Philipp Probst<sup>1</sup> | Marvin N. Wright<sup>2</sup> | Anne-Laure Boulesteix<sup>1</sup>

WIREs Data Mining Knowl Discov. 2019;9:e1301.  
<https://doi.org/10.1002/widm.1301>

wires.wiley.com/dmkd

© 2019 Wiley Periodicals, Inc.

1 of 15

TABLE 1 Overview of the different hyperparameter of random forest and typical default values.  $n$  is the number of observations and  $p$  is the number of variables in the dataset

Hyperparameter	Description	Typical default values
$mtry$	Number of drawn candidate variables in each split	$\sqrt{p}$ , $p/3$ for regression
Sample size	Number of observations that are drawn for each tree	$n$
Replacement	Draw observations with or without replacement	TRUE (with replacement)
Node size	Minimum number of observations in a terminal node	1 for classification, 5 for regression
Number of trees	Number of trees in the forest	500, 1,000
Splitting rule	Splitting criteria in the nodes	Gini impurity, $p$ value, random



# Atividade 9

- Semelhante aos anteriores, usando Random Forests
- Parâmetros a serem calibrados:
  - `mtry / max_features` (o parâmetro mais sensível): raiz (quadrada) de  $n$ ,  $n$  sendo o número de características (testar outros)
  - `ntree = 500` (quanto maior melhor, depende do tempo disponível)

# Referências

- Notas do Prof. Marcelo Lauretto (edisciplinas)
- CLARK, A.; FOX, C.; LAPPIN, S. The Handbook of Computational Linguistics and Natural Language Processing. Ed. Wiley-Blackwell, 2010. Cap 7
- Quinlan, J. R. “Induction of decision trees,” Machine learning, vol. 1, no. 1, pp. 81–106, 1986
- Quinlan, J. R. C4. 5: programs for machine learning. Elsevier, 2014.
- Breiman, L.; Friedman, J. ;Olshen, R. and Stone, C. Classification and Regression Trees. Chapman & Hall (Wadsworth, Inc.), 1984.
- Lauretto, M. S. Árvores de classificação para escolha de estratégias de operação em mercados de capitais. Dissertação de mestrado, Instituto de Matemática e Estatística da Universidade de São Paulo, 1996.
- Frizzarini, C. Algoritmo para indução de árvores de classificação para dados desbalanceados. Dissertação de mestrado, Instituto de Matemática e Estatística da Universidade de São Paulo, 2013.
- Janitza, S.; Homung, R. On the overestimation of random forest’s out-of-bag error. PlosOne 18(8):e0201904

**Fim do vídeo 4**

**Random Forests**