





Aula de Bioquímica I

Tema:

Micelas, Membranas e Transporte por membranas

Prof. Dr. Júlio César Borges

Depto. de Química e Física Molecular – DQFM Instituto de Química de São Carlos – IQSC Universidade de São Paulo – USP

E-mail: borgesjc@iqsc.usp.br





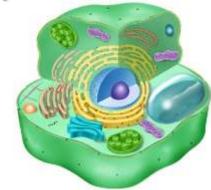


Membranas Biológicas

Membrana biológica → Célula → Auto-organização



- → Auto agregação dos lipídeos
- → Definem limites externos das células;
- → Controlam e regulam tráfego molecular;
- → Organizam processos de extração de energia e comunicação celular



Em eucariotos: compartimentalização - separação de processos e componentes

Principais características das membranas

- Flexibilidade → sem ligações covalentes entre as unidades
 - Autosselantes → permitem fusão e cisão
 - Permeabilidade seletiva a solutos polares
- Líquido bidimensional → livre movimentação lateral → mosaico fluido
- Proteínas de membranas → transporte, organização da membrana, sinalização,
- membranas diferentes → composição diferenciada → especialização funcional (proteínas principalmente)
- possui assimetria molecular → "lateralização" → diferentes lipídios e proteínas na face interna e externa





Agregados lipídicos

Glicerofosfolipídeos, esfingolipídeos e esteróis

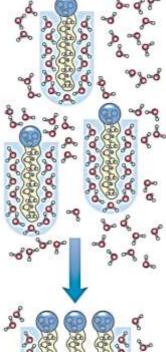
Insolúveis em água \Rightarrow formam agregados lipídicos em H_2O

Agrupam porções hidrofóbicas entre si e os grupos hidrofílicos interagem com a H_2O circundante

Agrupamento entre os lipídeos: colapso hidrofóbico

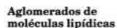
- \rightarrow reduz superfície hidrofóbica exposta a H₂O
- \rightarrow minimiza n° de moléculas de H_2O ordenada na interface
 - → aumento da entropia





Dispersão de lipídeos em água

As moléculas de lipídeo forçam as moléculas de água circundantes a se tornarem altamente ordenadas.



Somente as porções lipídicas das extremidades do aglomerado forçam o ordenamento das moléculas de água. Menos moléculas de água são ordenadas, e a entropia aumenta.



Todos os grupos hidrofóbicos são afastados da água; a superficie ordenada de moléculas de água é minimizada, e a entropia aumenta mais.







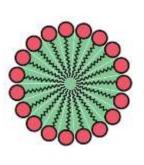
Agregados lipídicos: Micelas

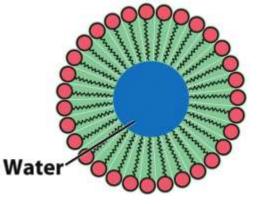
- → Agregados globulares cujas cadeias de hidrocarbonetos estão excluídas da fase aquosa
 - → Monocamada de moléculas anfifilicas
 - O tamanho e forma da molécula anfifilica dita o tamanho e forma da micela
 - Influencia do envelope de Van der Waals
 - → Molécula anfifilica com 1 cauda de hidrocarboneto

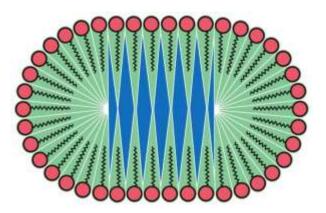
Ácidos graxos, lisofosfolipídios e SDS

- → Forma cônica do envelope de Van der Waals
- → A água no interior desestabiliza a micela → limita tamanho da micela e número de moléculas por aglomerado lipídico













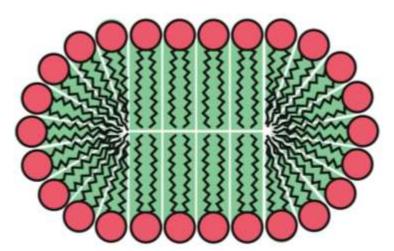


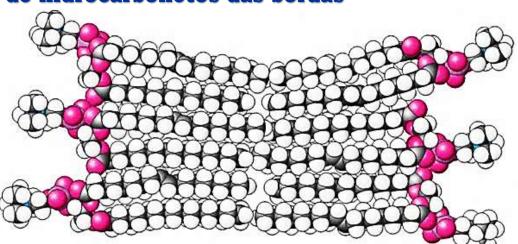
Agregados lipídicos: Bicamadas

Moléculas anfifilicas com duas caudas de hidrocarbonetos

Glicerofosfolipídeos e esfingofosfolipídeos

- → Aumenta o raio de Van der Waals
- → Envelope retangular ou em bastão
- → Evita formação de espaços de água
- → Micelas achatadas ou discoides → bicamadas lipídicas
 - Espessura de ~50-60 Å
- Cadeias de hidrocarbonetos distendidas → cerne hidrofóbico
 - Tensionamento nas de hidrocarbonetos das bordas















3 tipos de agregados lipídicos em meio aquoso

Micelas:

Estruturas esféricas;

Regiões hidrofóbicas ⇒ porção

interna

Ex.: Ác. Graxos

Bicamada:

2 camadas monolipídicas ⇒

lâmina bidimensional

ightarrow Bordas das regiões hidrofóbicas

em contato com a $H_2O \Rightarrow$

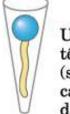
instabilidade

Vesículas:

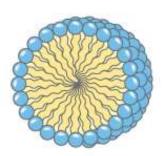
Elimina exposição de regiões hidrofóbicas a H_2O ;

Compartimento interno aquoso

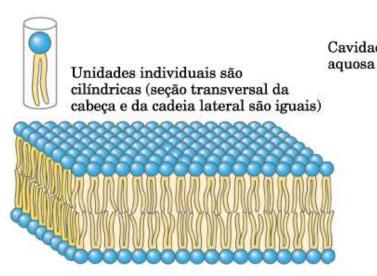
Precursores 1ª célula ≈ vesícula



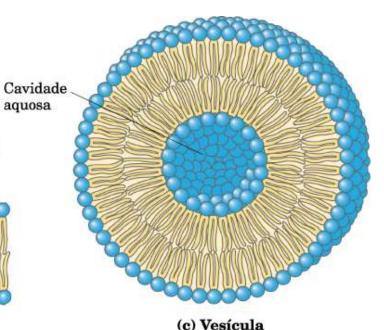
Unidades individuais têm a forma de cunha (seção transversal da cabeça maior do que a da cadeia lateral)



(a) Micela



(b) Bicamada



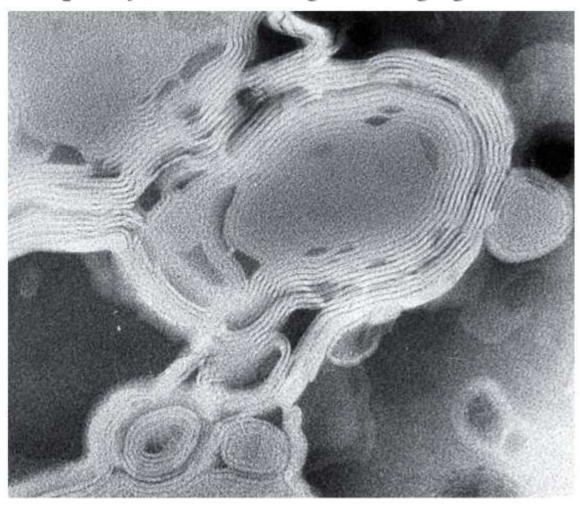


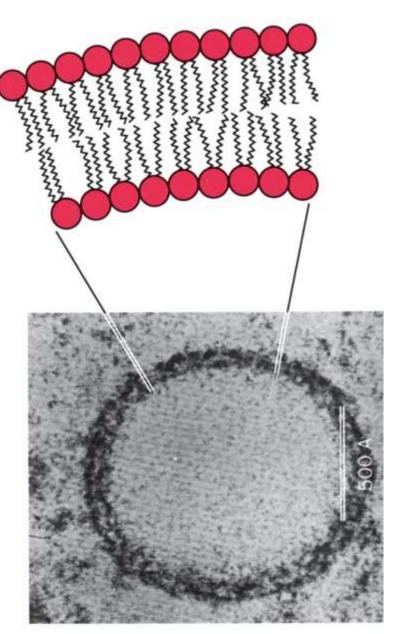




Bicamada lipídica

Vesícula fosfolipídica multilamelar Lipossomas Aplicações como drug delivery systems











Universidade de São Paulo Propriedades das Membranas Biológicas

Impermeáveis: maioria dos solutos polares e carregados

Permeáveis: compostos apolares

- → 50 a 80 Å de espessura
 - → Depende do tamanho:
- 1) cadeia de hidrocarboneto (~15 Å x 2);
 - 2) cabeça polar ($\sim 15 \text{ Å} \times 2$)
- 3) da presença de proteínas de membranas nas faces
 Aparência trilaminar → microscopia

Bicamada da membrana

Modelo do Mosaico Fluido

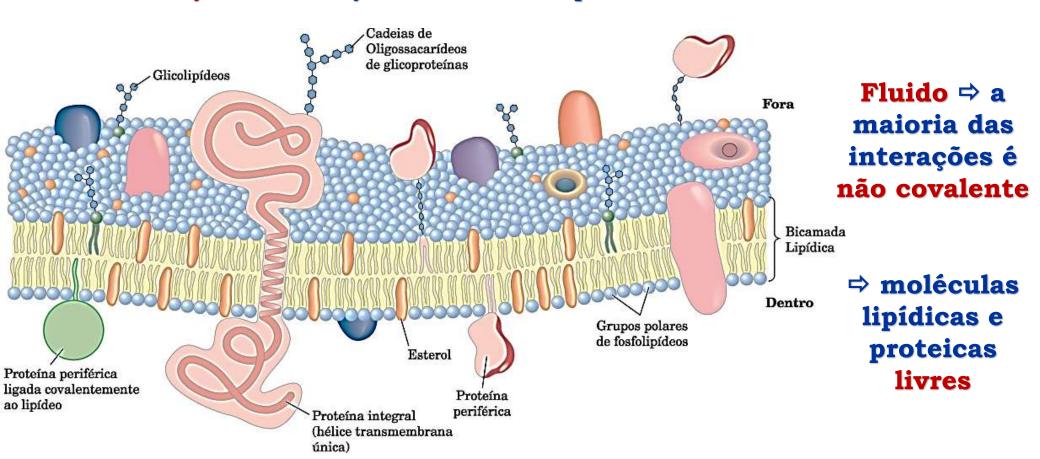






Modelo do mosaico fluido

- → Bicamada formada pelos fosfolipídios;
- \rightarrow Proteínas embebidas na bicamada \rightarrow interações hidrofóbicas
- projetam-se para um lado da membrana ou tem domínios em ambos os lados;









Composição das Membranas Biológicas

- → Componentes comuns a todas as membranas
- → Componentes exclusivos com funções específicas

Componentes moleculares: proteínas, lipídeos e carboidratos

Proteínas e lipídeos polares: proporção varia de acordo com o tipo de membrana

diversidade de funções biológicas

Carboidratos: glicoproteínas e glicolipídeos

Principais componentes das membranas plasmáticas em vários organismos

	Componentes (% por peso)			_	
	Proteína	Fosfolipídeo	Esterol	Tipo de esterol	Outros lipídeos
Bainha de mielina humana	30	30	19	Colesterol	Galactolipídeos, plasmalogênios
Fígado de camundongo	45	27	25	Colesterol	_
Folha do milho	47	26	7	Sitosterol	Galactolipídeos
Levedura	52	7	4	Ergosterol	Triacilgliceróis, ésteres de esteril
Paramécio (protista ciliado)	56	40	4	Estigmasterol	_
E. coli	75	25	0	_	_

Nota: Os valores não totalizam 100% em nenhum dos casos, pois há outros componentes além de proteínas, fosfolipídeos e esteróis; as plantas, por exemplo, têm altos níveis de glicolipídeos.







Bicamada lipídica

Eritrócito

30 Å de espessura

Distribuição assimétrica ⇒ lipídeos nas

membranas

Lipídeos contendo colina ⇒ lâmina

externa

Fosfatidilserina

Fostidiletanolamina ⇒ lâmina interna

Fosfaditilinositol

Mudanças na distribuição entre as lâminas

⇒consequências biológicas

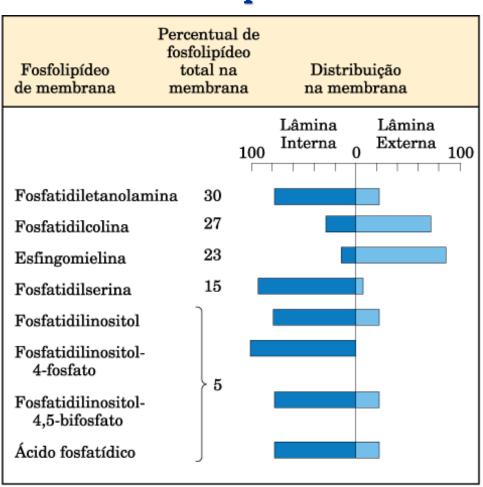
Ex.: Fosfatidilserina ⇒ lâmina externa ⇒

plaqueta exerce seu papel na formação do

coágulo sanguíneo;

Fosfatidilserina ⇒ lâmina externa ⇒ morte celular programada

Distribuição assimétrica de fosfolipídios







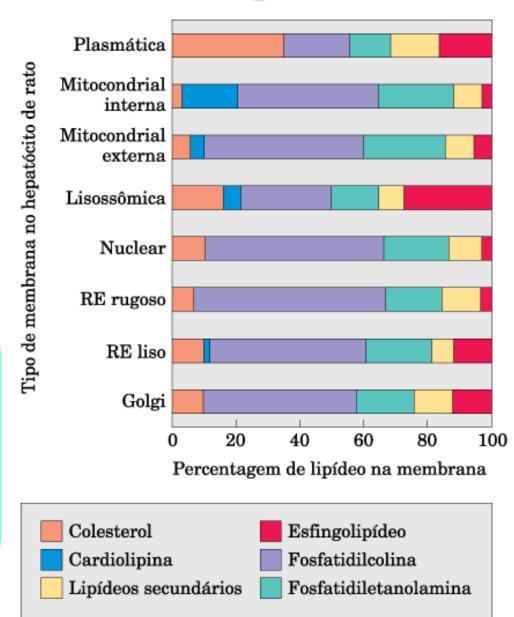


Composição das Membranas Biológicas

A <u>especialização funcional</u> de cada <u>tipo de membrana</u> aparece refletida na sua <u>composição</u> lipídica <u>única</u>

Composição proteica:

Maior variedade Especialização funcional Ligação covalente ⇔ carboidratos ⇔ lipídeos









Proteínas integrais de membrana Firmemente associadas a bicamada lipídica:

- interações hidrofóbicas
- -transmembrana ou ancoradas;
- Requerem solventes orgânicos, detergentes ou caotrópicos para retirada.

Proteínas periféricas de membrana

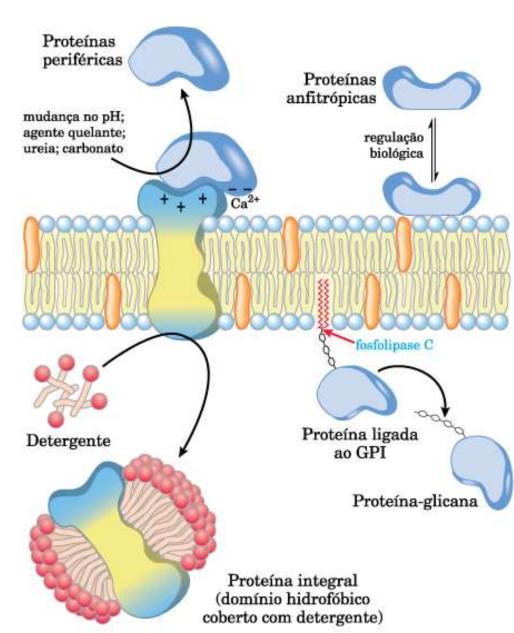
Associam-se fracamente a membrana:

- interações eletrostáticas e ligações de hidrogênio com domínios hidrofílicos de proteínas integrais ou cabeça polar dos lipídios
- São mais facilmente removidas nas membranas (NaCl 1 M, agentes quelantes, alterações no pH);
 - São estáveis em solução aquosa.

Proteínas anfitrópicas

Encontradas tanto no citosol quanto em associações com membranas

- Regulação alostérica ou covalente

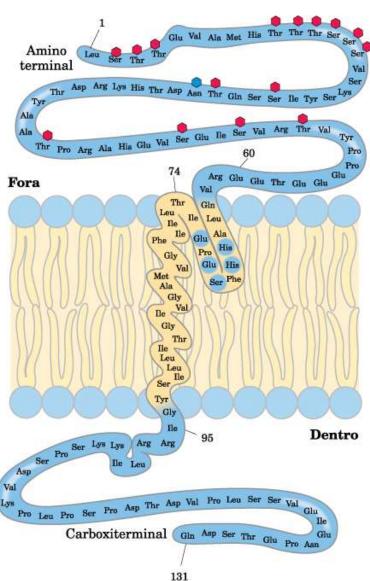








Topologia das proteínas



Muitas proteínas atravessam a bicamada

Glicoproteína de eritrócito ⇒ GLICOFORINA

N-terminal → superficie externa

C-terminal → projeta-se para o interior da célula

* Domínios hidrofílicos

Resíduos 75 a 93 -> aa. Hidrofóbicos

→ Segmento transmembrana

*** Domínios glicosilados são encontrados invariavelmente na face extracelular da membrana





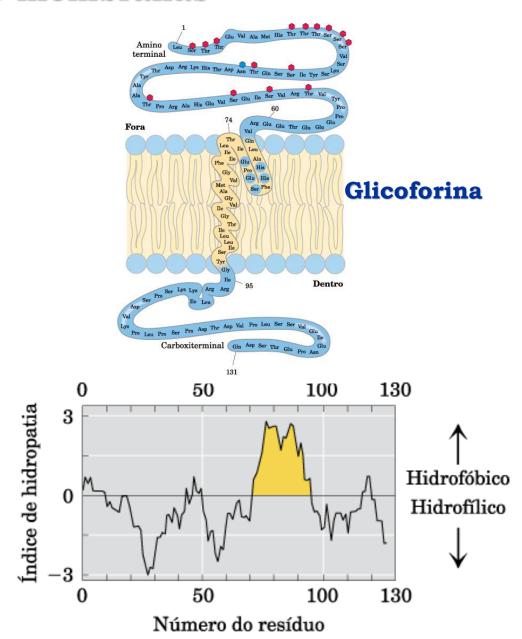


A topologia de um proteína integral de membrana pode ser prevista a partir da sua sequência de aminoácidos

Estruturas helicoidais: hélice a de ~20-25 resíduos hidrofóbicos (Ala, Ile, Leu, Val e Phe) é suficiente para atravessar a bicamada hidrofóbica de 30 Å

Em algumas espécies 20 a 30% de todas as proteínas são proteínas integrais de membrana

Índice de hidropatia ou hidrofobicidade Soma das energia livre de transferência dos resíduos de aminoácidos em janelas de sequências de aminoácidos



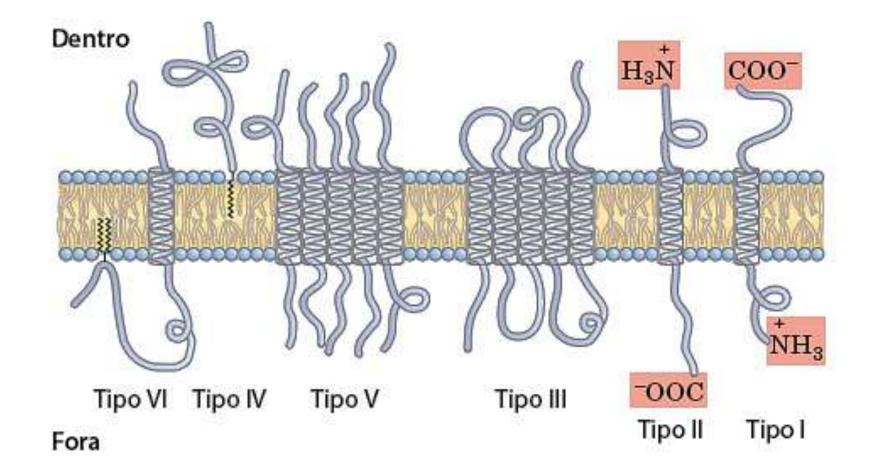






Proteínas integrais de membrana

- → Distribuição assimétrica específica na membrana → sem movimentos ponta-cabeça
- → As relações espaciais dos domínios das proteínas na bicamada lipídica se enquadram em seis categorias





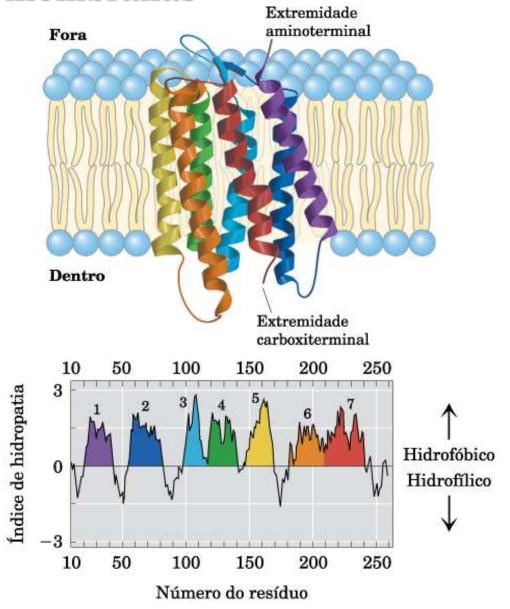


ituto de Quimica de São Ca

Proteinas de membranas

Bacteriorodopsina Bomba de prótons acionada pela luz Halobacterium salinarum

- ⇒Possui 7 sequências internas muito hidrofóbicas;
 - ⇒ Atravessa 7 x a bicamada;
 - 7 segmentos (20 resíduos) α
 helicoidais;
 - ⇒ Atravessa a membrana de forma aproximadamente perpendicular;

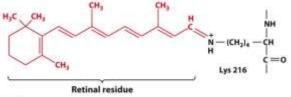


(b) Bacteriorrodopsina

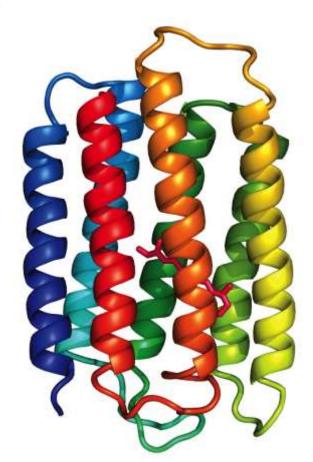








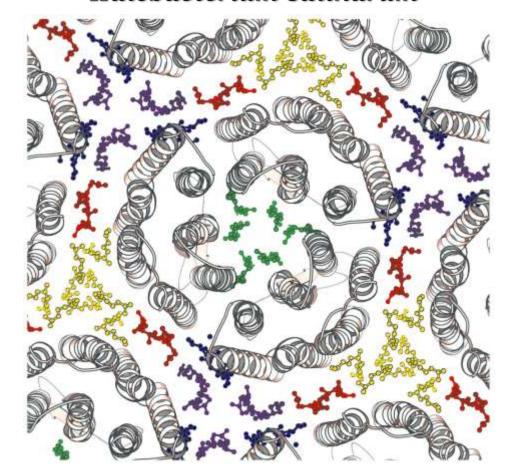
Pigner 19-34 In code Milloy & Const. Str., All Codes Inserved.



Bacteriorodopsina

Bomba de prótons acionada pela luz

Halobacterium salinarum





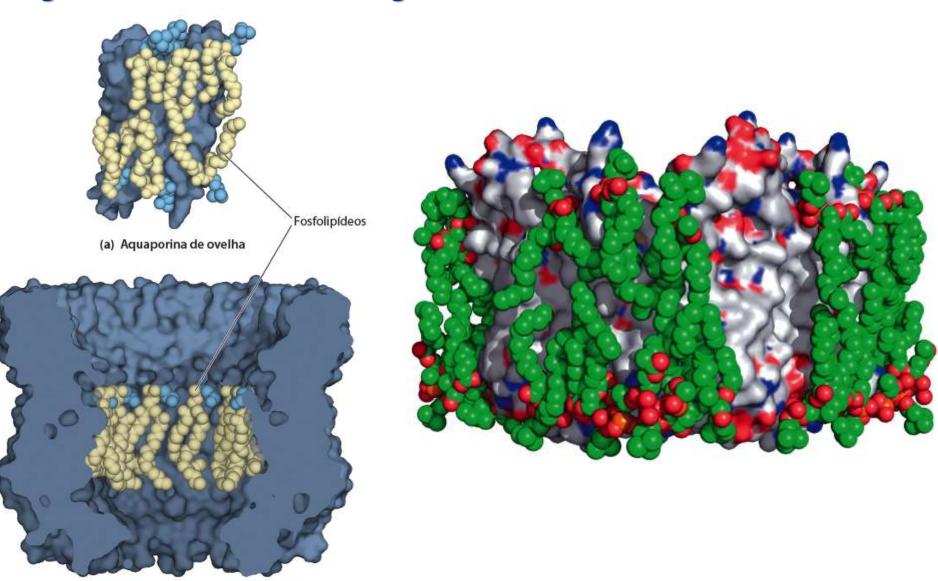
(b) Vo da ATPase do tipo V





Proteinas de membranas

Segmentos transmembrana interagem fortemente com o cadeia de hidrocarboneto









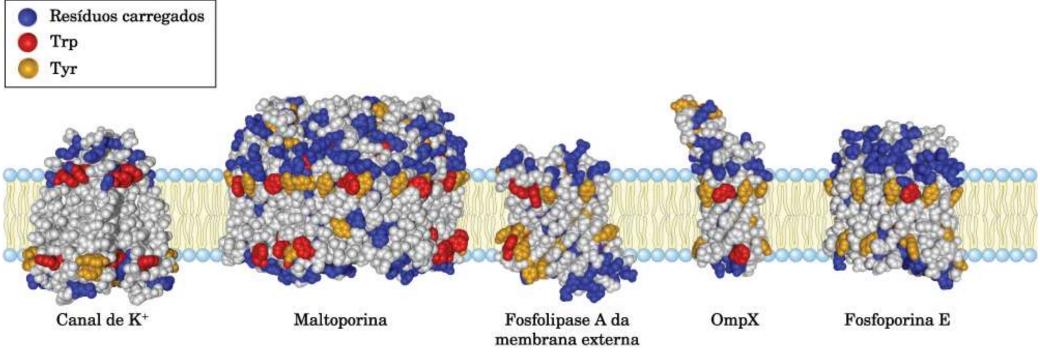
Localização relativa dos aminoácidos

Resíduos de Tyr e Trp > interface entre lipídeos e água

As cadeias laterais atuam como âncoras na interface da membrana

Regra do positivo-dentro

Resíduos positivamente carregados de Lys, Arg e His ocorrem mais comumente na face citoplasmática da membrana



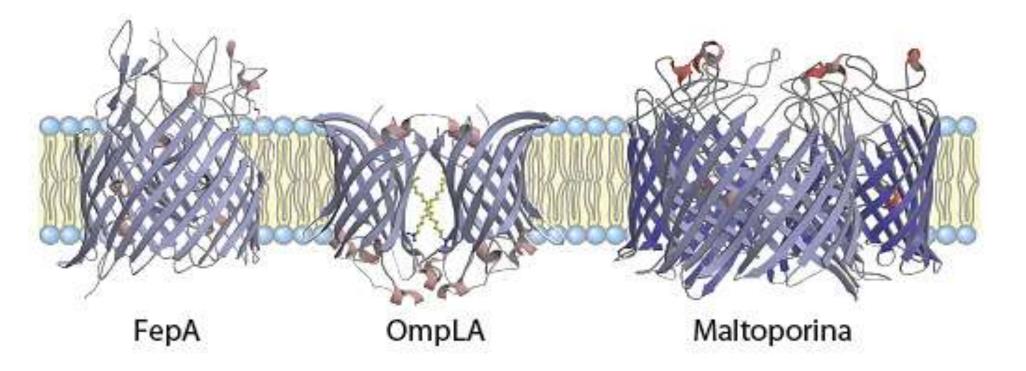






Proteinas de membrana em barril β

- 20 ou mais segmentos transmembrana formam folhas β que formam um cilindro
- 7 a 9 resíduos na conformação β são necessários para atravessar a membrana 1 vez;
 - Cada segundo resíduo que atravessa a membrana é hidrofóbico
- Cadeias laterais aromáticas são comumente encontradas na interface lipídeo-proteína
 - A análise de hidropatia não se aplica como visto para hélices transmembrana





CH₂

Cys

COO-

 H_3N

CH2

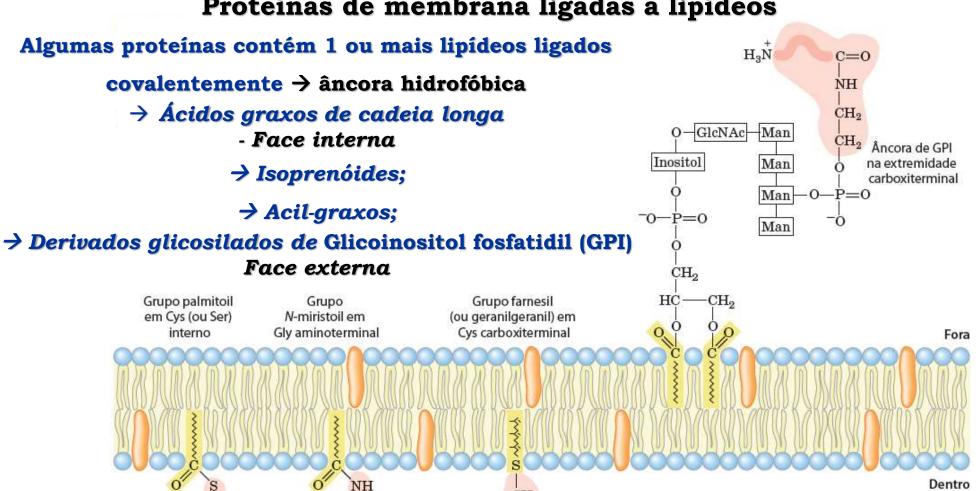
o=c





Proteinas de membranas

Proteínas de membrana ligadas a lipídeos



CH₂

CH

OCH,

COO

NH

NHa

→ Interações eletrostáticas e hidrofóbicas contribuem para a associação com a membrana

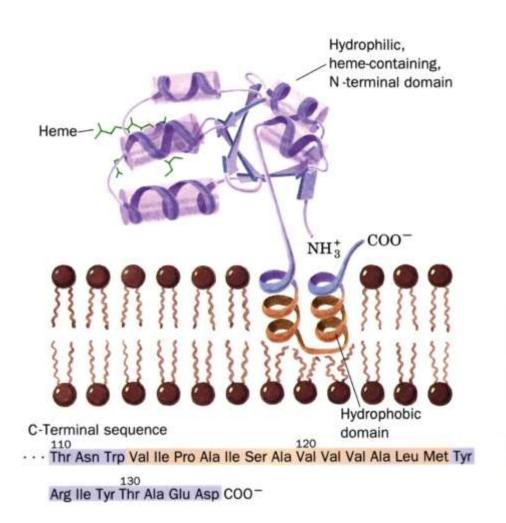


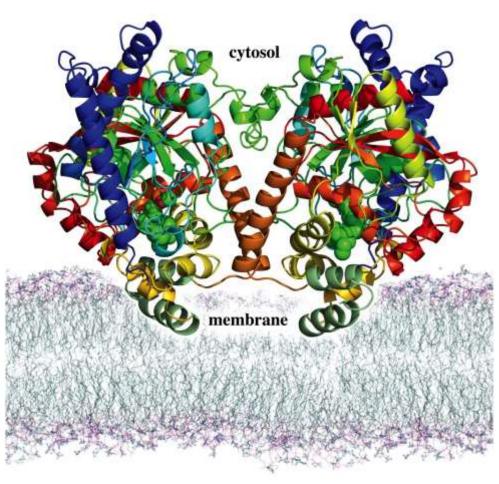




Proteínas integrais de membranas

Proteínas monotópicas: interagem com uma das faces da bicamada lipídica





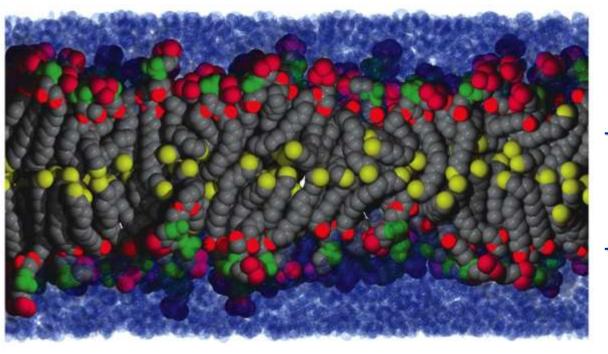






Flexibilidade da membrana garante integridade e evita vazamentos

Mobilidade Lipídica Modelo da bicamada lipídica em um dado instante Sistema fluídico



- → Movimento constante entorno das ligações C—C
- → As cadeias são livres para dobrarem
 e entrelaçarem
- → O grupo metil terminal de uma face está mergulhada na face oposta
- → Interior apresenta alta viscosidade





Instituto de Química de São Carlos

Paracristalino

Dinâmica de membranas

Característica marcante de membranas biológicas

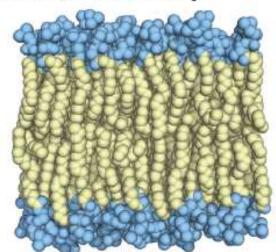
⇒ FLEXIBILIDADE

Mudar de forma sem perder sua integridade e gerar vazamento

A estrutura e a flexibilidade da bicamada lipídica dependem dos tipos de lipídeos presentes e mudam com a temperatura

Transição gel → fluido

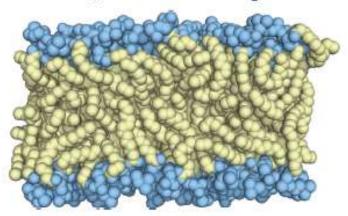
(a) Estado líquido ordenado Lo



O calor produz movimento térmico das cadeias laterais (transição $(L_o \rightarrow L_d)$.

(b) Estado líquido desordenado L_d

Muda dimensão





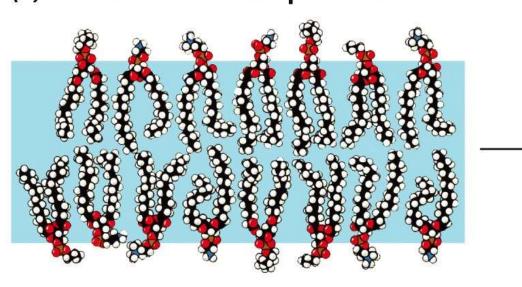




Fase gel: estado líquido ordenado

Estado líquido desordenado/estado fluido

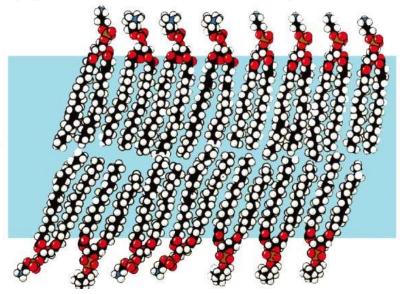
(a) Above transition temperature



Acima da temperatura de transição

- → Alta mobilidade
- → Alta Fluidez
- → Estado de Cristal líquido
- Ordenados em algumas direções
- Desordenados em outras

(b) Below transition temperature



Abaixo da temperatura de transição

- → Baixa mobilidade
- → Baixa Fluidez
- → Estado de gel sólido
- → Bicamada mais espessa







Mobilidade Lipídica

Fluidez da Bicamada lipídica depende da temperatura

- → A temperatura de transição aumenta com:
 - 1) o tamanho da cadeia de carbono
- 2) o grau de saturação da cadeia de carbono
- → A fluidez da membrana é regulada por enzimas e depende das condições ambientais.
- Bactérias crescidas em temperaturas diferentes tem membrana com mesma fluidez devido a composição entre cadeia de hidrocarbonetos insaturados/saturados
 - → Ajuste necessário para o funcionamento de proteínas na bicamada lipídica

Composição de ácidos graxos de células de E. coli cultivadas a diferentes temperaturas

		Porcentagem dos ácidos graxos totais [®]					
	10°C	20℃	30°C	40°C			
Ácido mirístico (14:0)	4	4	4	8			
Ácido palmítico (16:0)	18	25	29	48			
Ácido palmitoleico (16:1)	26	24	23	9			
Ácido oleico (18:1)	38	34	30	12			
Ácido hidroximirístico	13	10	10	8			
Razão entre insaturados e saturados [†]	2,9	2,0	1,6	0,38			

Fonte: Dados de Marr, A.G. & Ingraham, J.L. (1962) Effect of temperature on the composition of fatty acids in Escherichia coli. J. Bacteriol 84, 1260.

^{*} A composição exata de ácidos graxos depende não apenas da temperatura de crescimento, mas também do estágio de crescimento e da composição do meio de crescimento.

[†]Razões calculadas como porcentagem total de 16:1 mais 18:1 dividido pela porcentagem de 14:0 mais 16:0. O ácido hidroximirístico foi omitido deste cálculo.

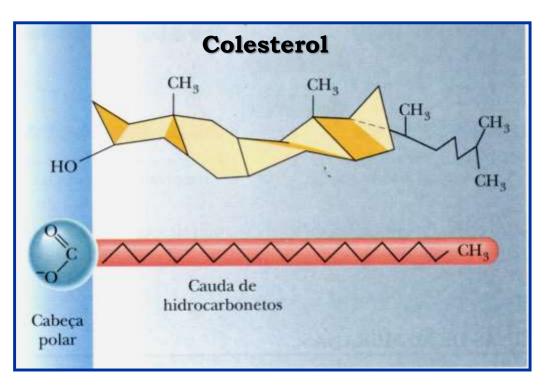






Mobilidade Lipídica

→ Os esteróis modulam a fluidez da membrana



→ O sistema de anéis esteroides rígidos reduz a mobilidade lipídica

→ Efeito paradoxal

- Com hidrocarbonetos saturados → ↓
 empacotamento → ↑ flexibilidade
- Com hidrocarbonetos insaturados → ↑
 empacotamento → ↓ flexibilidade
- → Aumenta a faixa de temperatura da fase de transição → dificulta a cristalização
- → Em membranas, o colesterol se associa preferencialmente com esfingolipídios formado "balsas" com mobilidade reduzida em relação a vizinhança





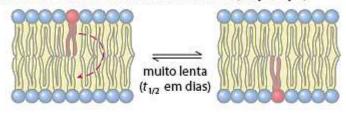


Movimentos lipídicos na bicamada

> responsável pela assimetria e lateralização de lipídios na membrana

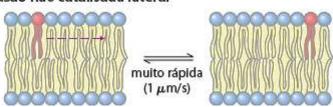
Movimento ponta-cabeça ou flip-flop Ocorrem muito lentamente – $t_{1/2}$ = dias Ocorre na minoria das membranas Termodinamicamente desfavorável

(a) Difusão não catalisada transbicamada ("flip-flop")



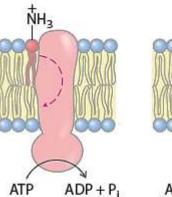
Difusão lateral no plano Ocorre de modo muito rápido Fluido bidimensional Movimento segue balsas de biomoléculas

(b) Difusão não catalisada lateral

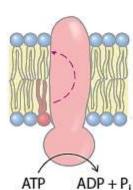


Movimento facilitado por enzimas Flipases Flopases Flip-flopases → papel importante na apoptose

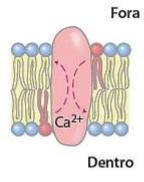
(c) Traslado transbicamada catalisado



Flipase (ATPase tipo P) move PE e PS da lâmina externa para a citosólica



Flopase (Transportador ABC) move fosfolipídeos da lâmina citosólica para a externa



Flip-flopase move lipídeos nas duas direções, para o equilíbrio



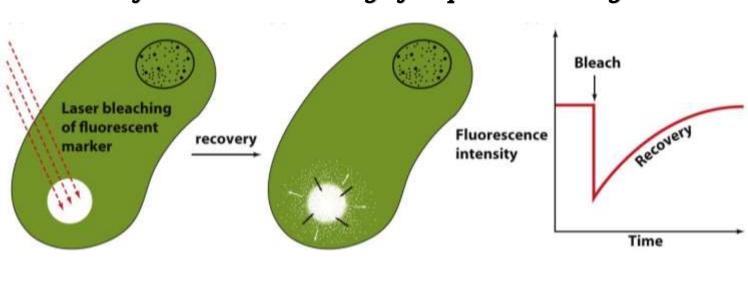


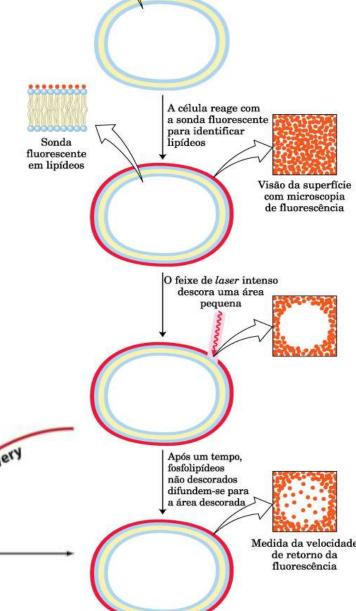
Movimentos lipídicos:

Difusão lateral de lipídeos e proteínas Movimento browniano na face da bicamada → 1 μm/seg

Experimentos de fluorescência capazes de medir a velocidade de difusão de lipídeos e proteínas na bicamada lipídica

FRAP - fluorescence recovery after photobleaching





Célula



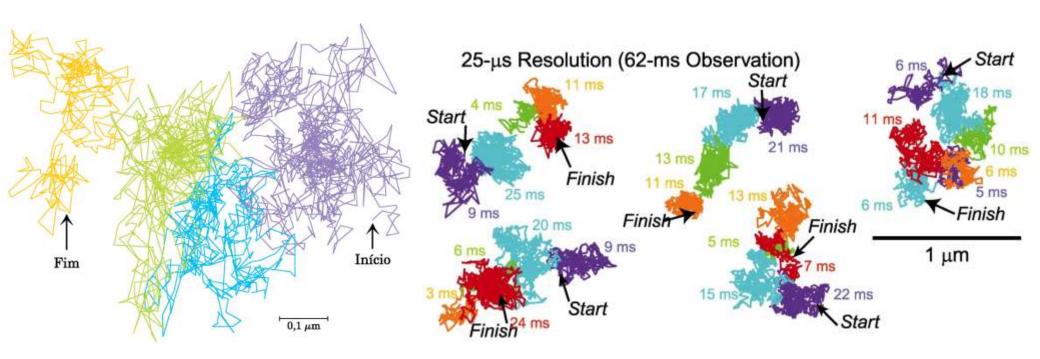




Movimentos individuais de lipídios

Rastreamento de partícula única

- → Acompanha o movimento de uma molécula lipídica na membrana plasmática em uma escala de tempo muito menor
 - → Movimento de lipídios de membrana é limitado por "cercas"

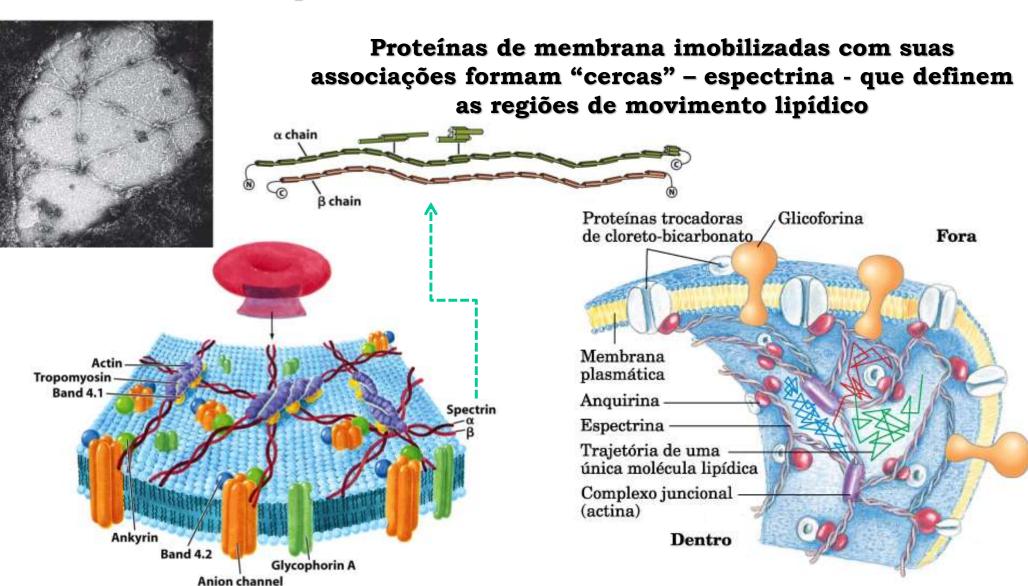








O citoesqueleto – estrutura e flexibilidade celular

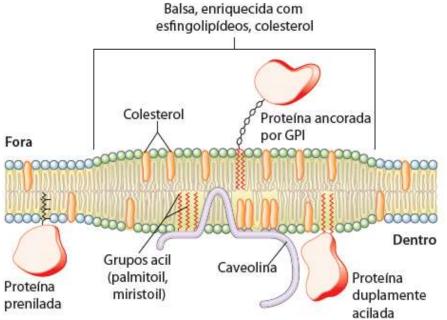


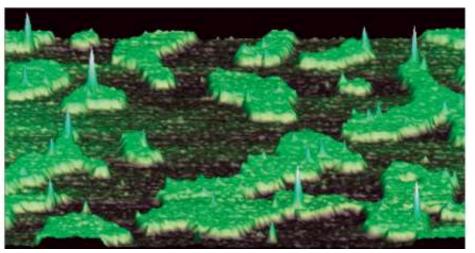






Balsas lipídicas





Microdomínios colesterol-esfingolipídeo

Interação preferencial devido ao tamanho da cadeia hidrocarboneto maior e saturada do esfingolipídio em comparação ao glicerolipídio

Formam Balsas

→ mais espessas e mais ordenadas que os domínios vizinhos (ricos em glicerofosfolipídeos → oceano flexível)

Ricas em proteínas integrais de membrana

- → ancoradas por GPI ou duplamente aciladas
 - → maior afinidade por colesterol

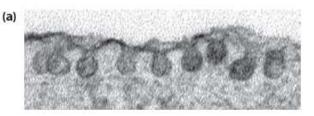
50 nm de diâmetro

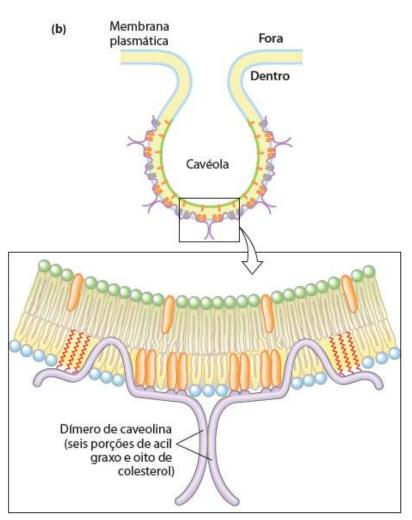
- → Aumento da probabilidade de interação produtiva entre as proteínas numa mesma balsa
- → Retirada de colesterol → sem balsas → redução da sinalização mediada por receptores











Caveolina

Formação de cavéolas: pequenas invaginações da membrana plasmática;

Forman Balsas incomuns

Várias funções celulares

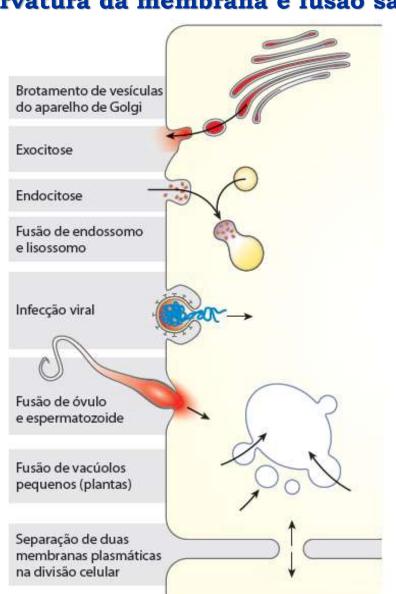
Tráfego celular e transdução de sinal

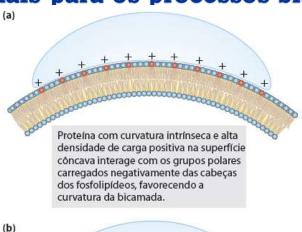


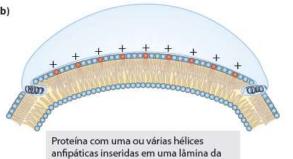




Curvatura da membrana e fusão são essenciais para os processos biológicos







Proteína com uma ou várias hélices anfipáticas inseridas em uma lâmina da bicamada aglomera os lipídeos daquele lado, forçando a membrana a curvar-se.



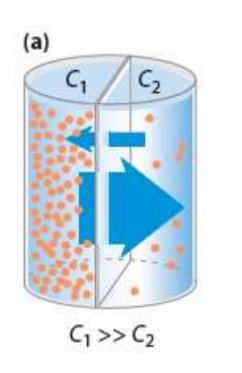




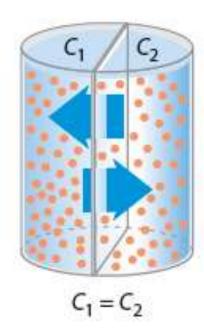


O soluto carregado e não-carregado

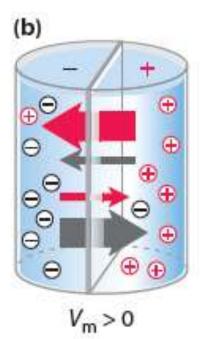
O movimento através da membrana acontece até alcançar equilíbrio químico entre os compartimentos



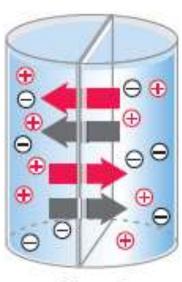
Antes do equilíbrio Fluxo efetivo



No equilíbrio Não há fluxo efetivo



Antes do equilíbrio



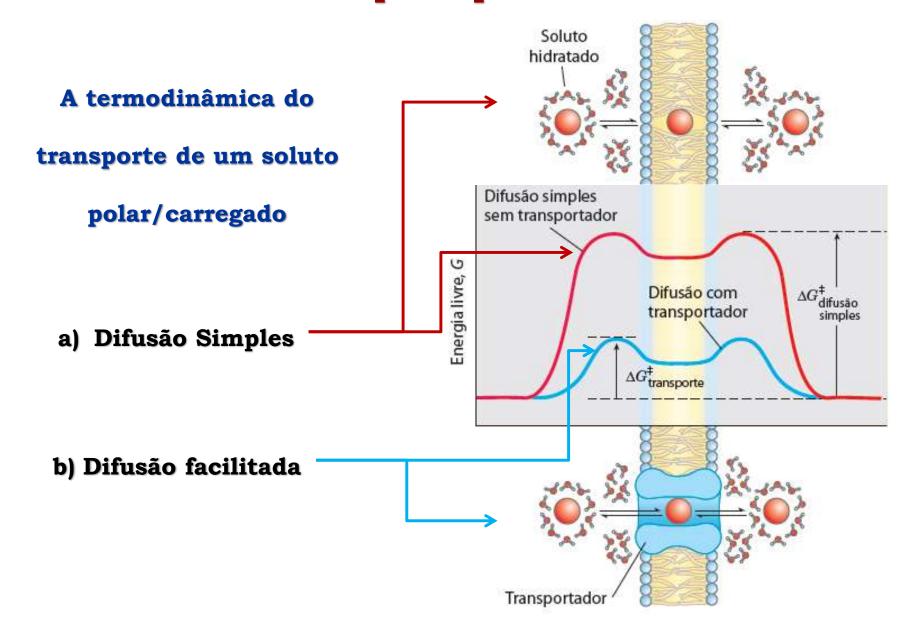
 $V_{\rm m} = 0$

No equilíbrio













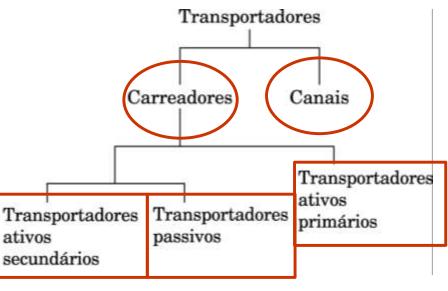
tituto de Química de São Car

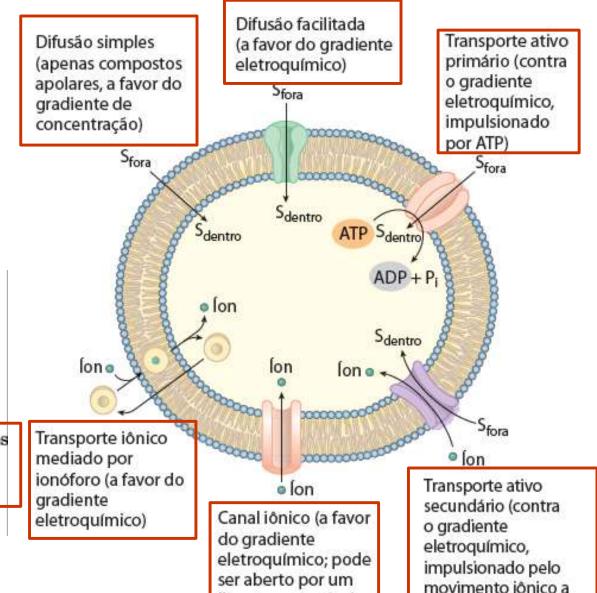
favor de seu gradiente)

Transporte por membranas

Mecanismos

- → Difusão simples
- → Difusão facilitada
- Requer transportadores





ligante ou um (on)







Tipos de sistemas de transporte

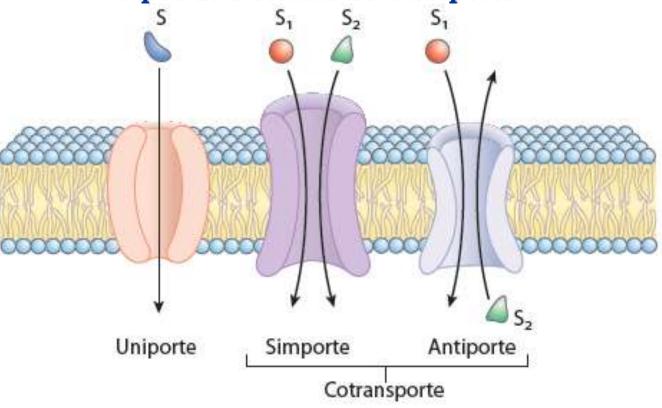


FIGURA 11-34 Três classes gerais de sistemas de transporte. Os transportadores diferem no número de solutos (substratos) transportados e na direção na qual cada soluto se move. Exemplos dos três tipos de transportadores são discutidos no texto. Observe que essa classificação não informa se esses processos requerem energia (transporte ativo) ou se são independentes de energia (transporte passivo).

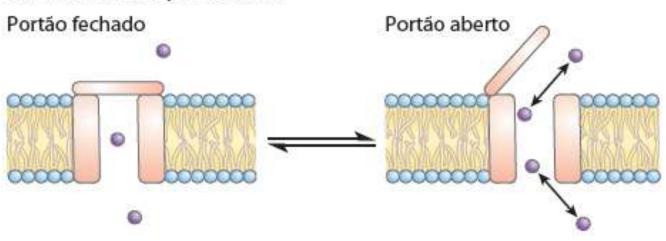






Canais e transportadores: são milhares de genes identificados

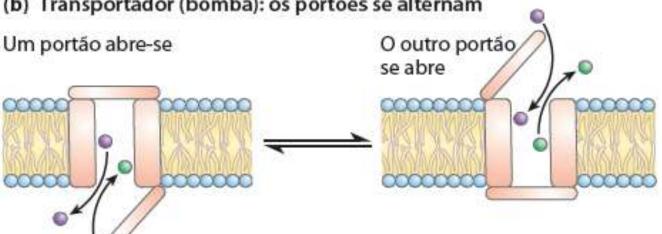
(a) Canal iônico: portão único



Canais iônicos

- Possuem baixa especificidade por algum ion
- Operam com velocidades próximas ao limite da difusão
 - Não sofrem saturação
 - Transporte a favor do gradiente eletroquímico

(b) Transportador (bomba): os portões se alternam



Transportadores

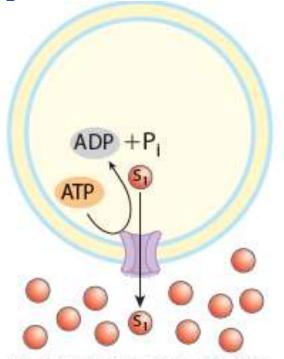
- Possuem alta especificidade
 - Operam com velocidades muito abaixo ao limite da difusão
 - São saturáveis pelas suas moléculas alvo
- Podem ser Passivos ou Ativos



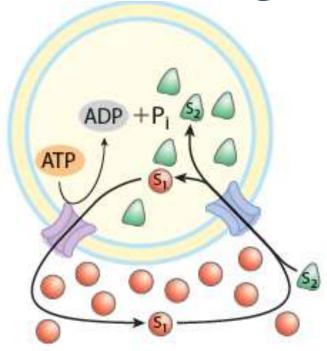




O transporte ativo: 2 modelos diferentes ambos com gasto de ATP



(a) Transporte ativo primário



(b) Transporte ativo secundário

primário, a energia liberada pela hidrólise de ATP impulsiona o movimento de soluto (S₁) contra o gradiente eletroquímico. (b) No transporte ativo secundário, o gradiente de um íon X (S₁) (geralmente Na⁺) se estabelece por transporte ativo primário. O movimento de X (S₁) a favor de seu gradiente eletroquímico provê agora energia para impulsionar o cotransporte de um segundo soluto (S₂) contra seu gradiente eletroquímico.







Uniporte: transporte de glicose

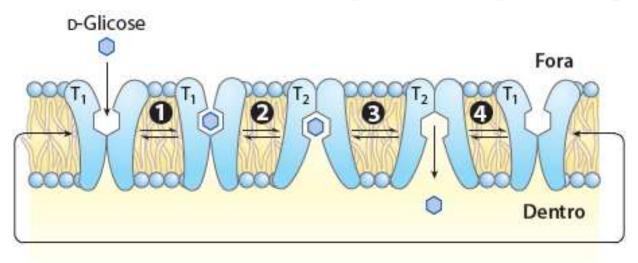
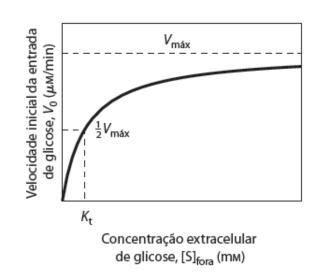
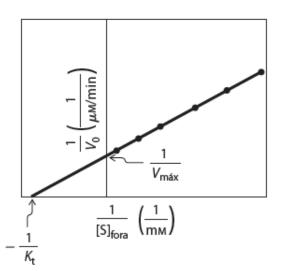


FIGURA 11-32 Modelo de transporte de glicose para dentro do eritrócito pelo GLUT1. O transportador existe em duas conformações: T₁, com o sítio de ligação de glicose exposto na superfície externa da membrana plasmática, e T₂, com o sítio de ligação exposto na superfície interna. O transporte de glicose ocorre em quatro passos. ① A glicose do plasma sanguíneo se liga ao sítio estereoespecífico em T₁; isso reduz a energia de ativação para ② uma mudança conformacional a partir de glicose_{fora}. T₁ para glicose dentro. T₂, efetuando a passagem transmembrana da glicose. ③ A glicose é liberada de T₂ para o citoplasma, e ④ o transportador retorna à conformação T₁, pronto para transportar outra molécula de glicose.





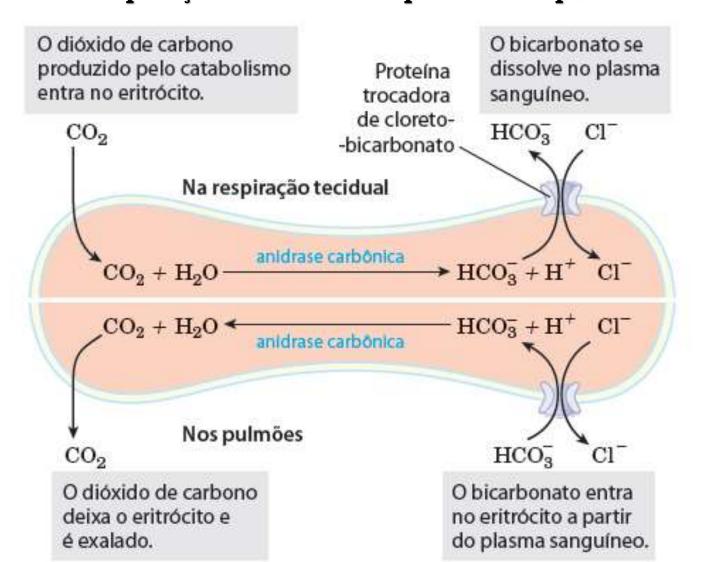
(a)







Sistema Antiporte: transporte de bicarbonato e cloreto Comparações entre tecido periférico e pulmões

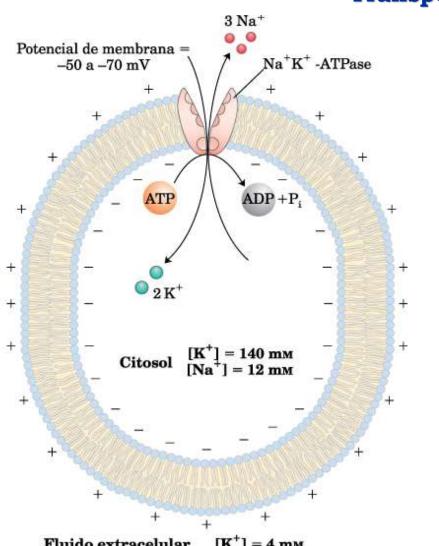








Transporte ativo



Fluido extracelular $[K^+] = 4 \text{ mM}$ ou plasma sanguíneo $[Na^+] = 145 \text{ mM}$

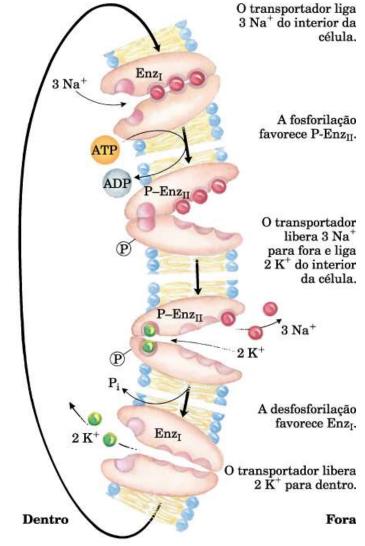
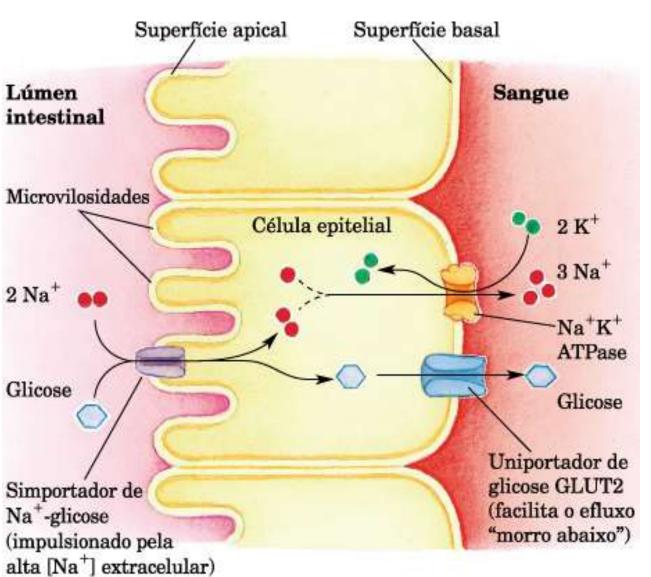


FIGURA 11-37 Mecanismos postulados de Na⁺K⁺-ATPase.









Transporte ativo

FIGURA 11-44 Transporte de glicose em células epiteliais do intestino. A glicose é cotransportada com Na⁺ para dentro da célula epitelial através da membrana plasmática apical. Ela se desloca ao longo da célula para a superfície basal, onde passa para o sangue via GLUT2, um uniportador passivo de glicose. A Na⁺K⁺ATPase continua a bombear Na⁺ para fora para manter o gradiente de Na⁺ que impulsiona a captação de glicose.







Transporte de água: aquaporina

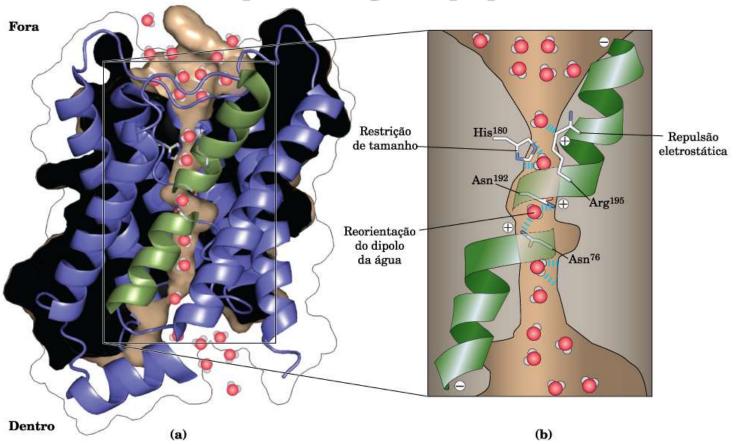


FIGURA 11-46 Aquaporina. A proteína é um tetrâmero de subunidades idênticas, cada qual com um poro transmembrana. (a) Um monômero da aquaporina de espinafre SoPIP2;1 (derivado do PDB ID 2B5F), visto no plano da membrana. As hélices formam um poro central, e dois segmentos helicoidais curtos (em verde) contêm as sequências Asn-Pro-Ala (NPA), encontradas em todas as aquaporinas que formam parte do canal de água. (b) Esse desenho de aquaporina 1 bovina (derivado do PDB ID 1J4N) mostra que o poro (em marrom; preenchido com moléculas de água mostradas em vermelho e branco)

se estreita em His¹⁸⁰ para um diâmetro de 2,8 Å (aproximadamente o tamanho da molécula de água), limitando a passagem de moléculas maiores do que H₂O. A carga positiva de Arg¹⁹⁵ repele cátions, incluindo o H₃O⁺, impedindo sua passagem pelo poro. As duas hélices curtas mostradas em verde estão orientadas com seus dipolos carregados positivamente apontando para o poro, de forma a forçar a molécula de água a se reorientar à medida que o atravessa; isso quebra as cadeias de hidrogênios ligadas nas moléculas de água, impedindo a passagem de prótons pelo "salto de prótons" (veja a Fig. 2-13).







Junção comunicante em organismos multicelulares

- → permite livre transito de solutos pequenos entre células
 - Papel nutricional

- Papel na comunicação

