

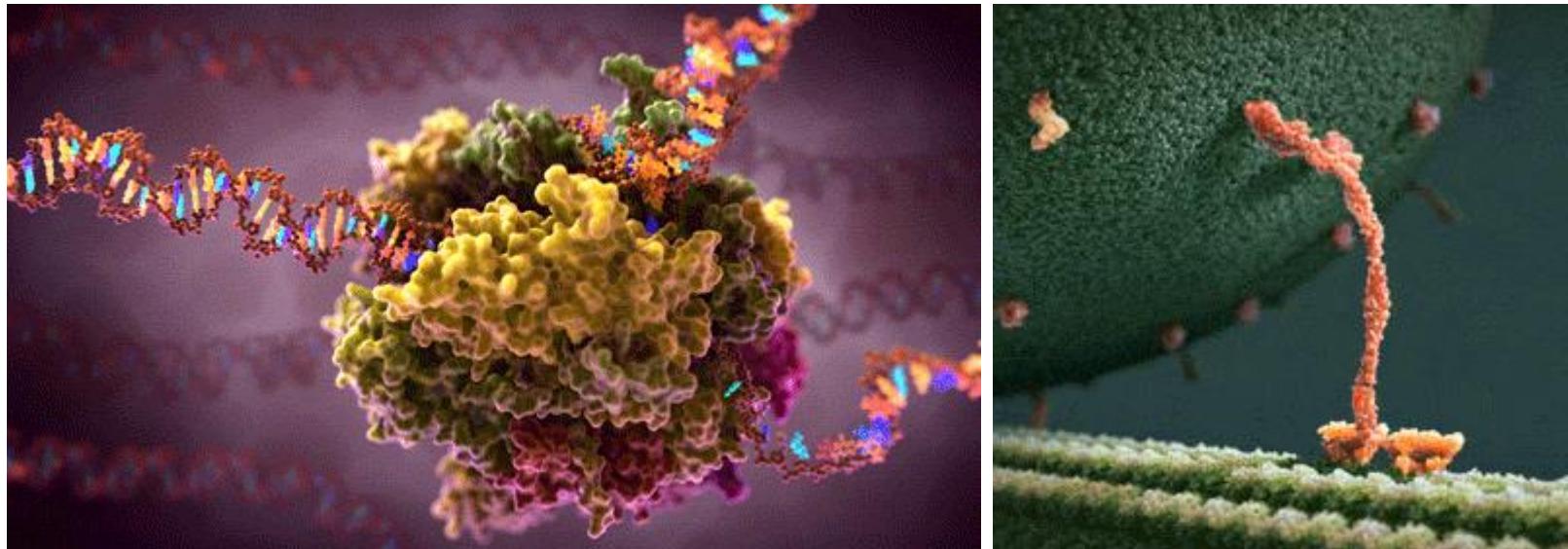
# **BASES TEÓRICAS DA DOSAGEM DE BIOMOLÉCULAS**



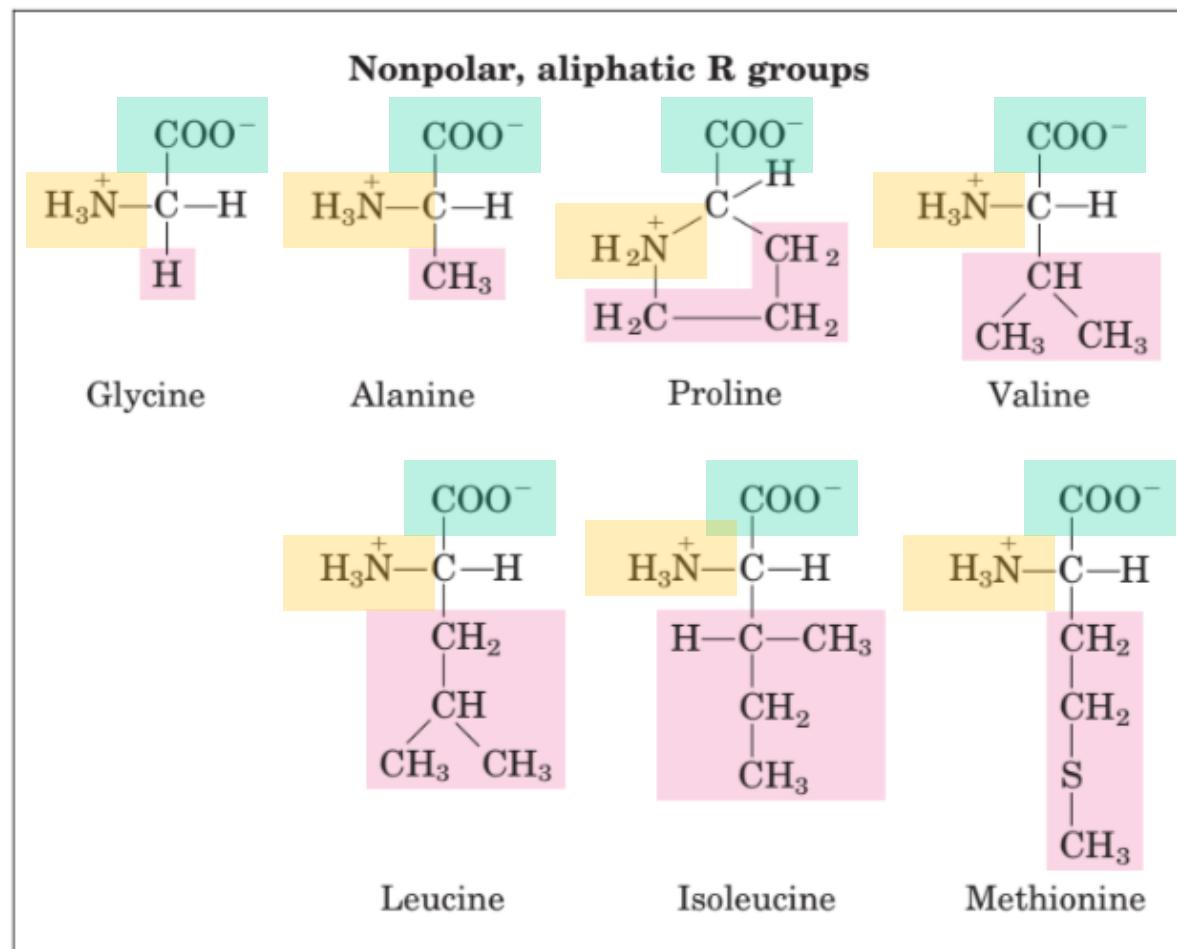
Qual é o frasco que contém a solução mais concentrada?  
Como medir ?

# PROTEÍNAS

**São as biomoléculas com a maior diversidade de estrutura e função, e são o componente mais abundante das células.**

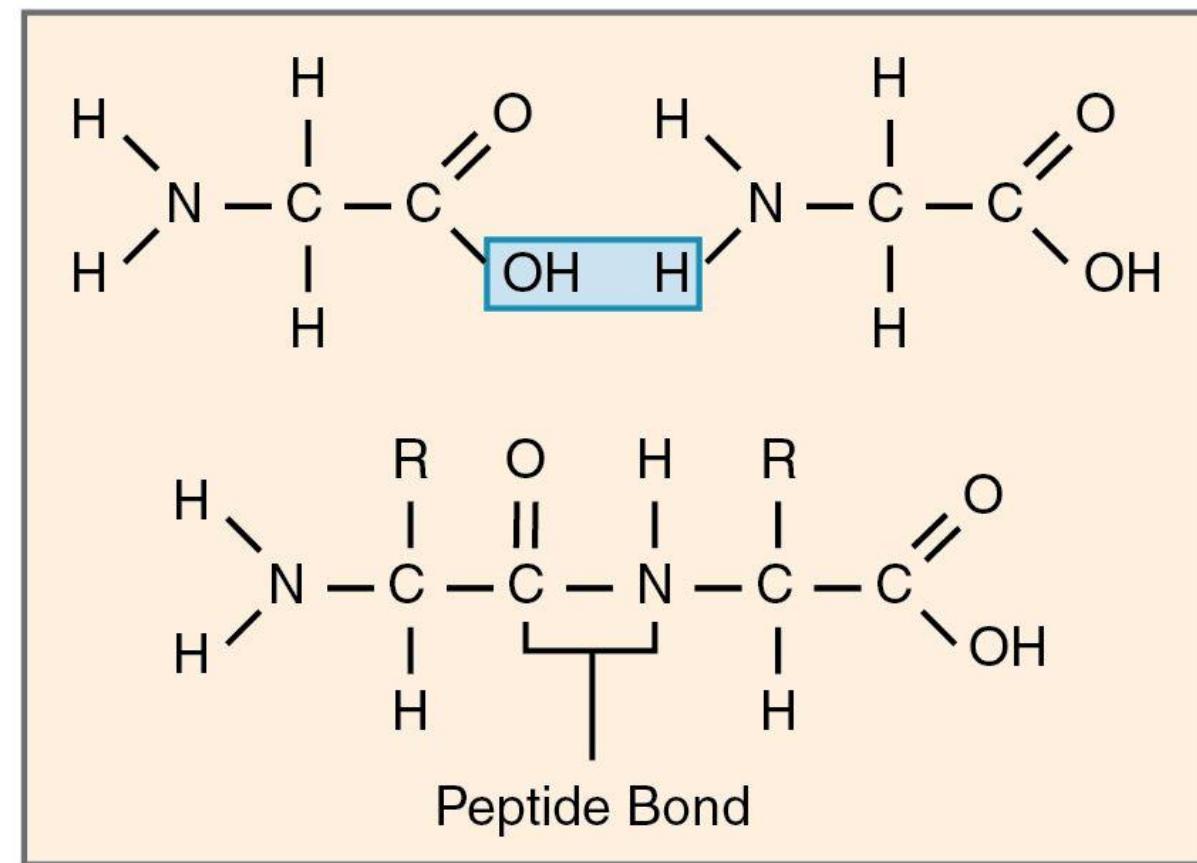


# AMINOÁCIDOS



# DETECÇÃO E DOSAGEM DE PROTEÍNAS

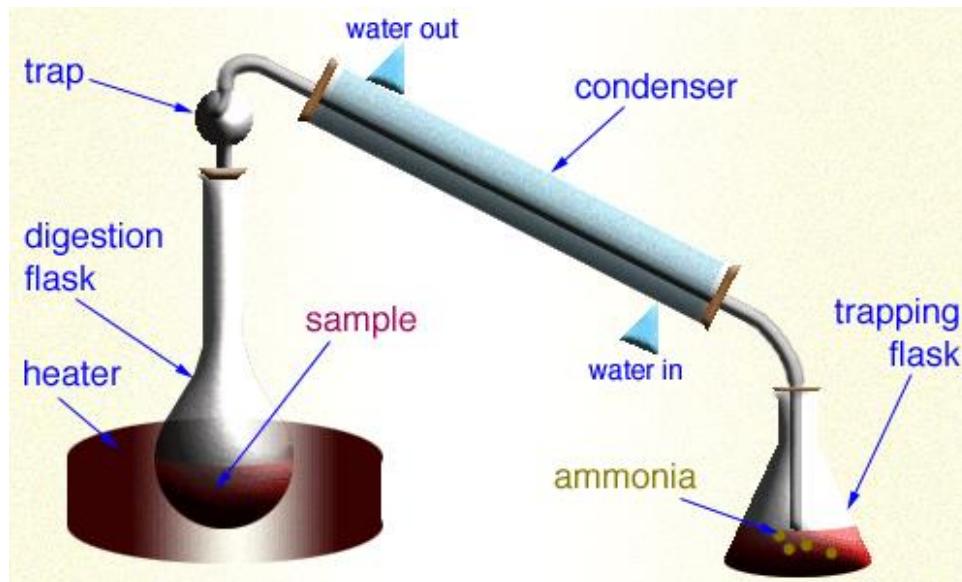
Proteínas: heteropolímeros de aminoácidos unidos por ligações peptídicas.



# 1. Método Kjeldahl



**Desvantagens:** quantidade, erro, quantifica indiretamente a quantidade de proteína, de acordo com a quantidade de Nitrogênio na amostra.



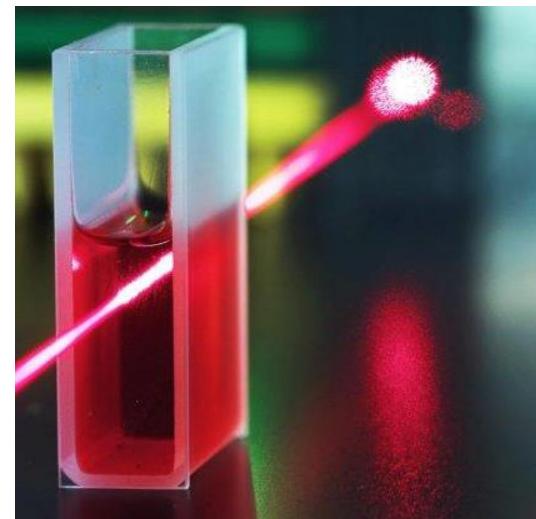
# LEI LAMBERT BEER

$$A = \epsilon \cdot C \cdot L$$

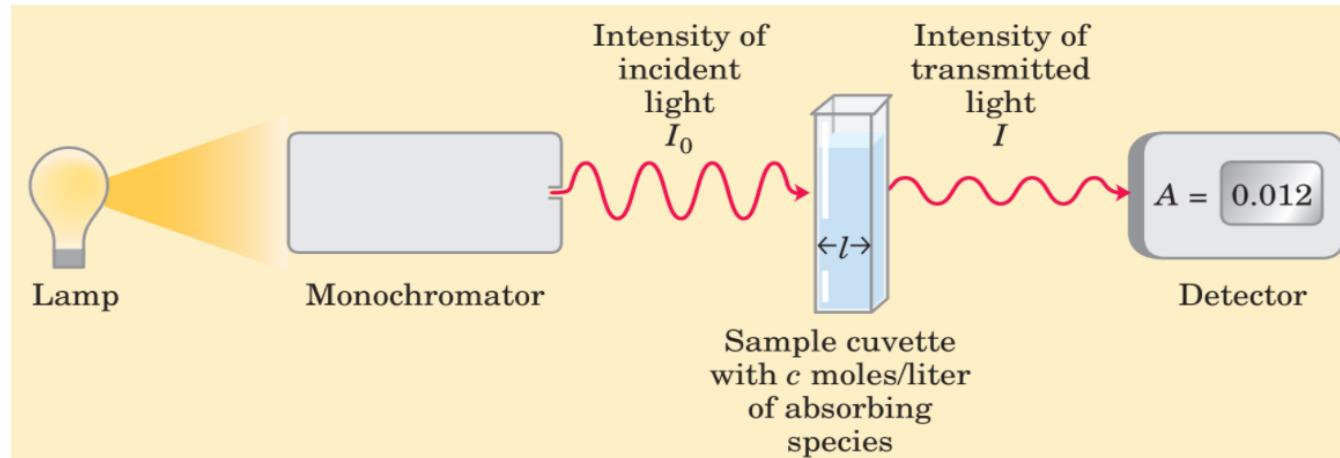
Absorbância

Coeficiente de absorvidade molar  
 $M^{-1} \text{ cm}^{-1}$

$\text{cm}^{-1}$



# O ESPECTROFOTOMETRO



## **Tipos de dosagem de proteínas através de espectrofotometria**

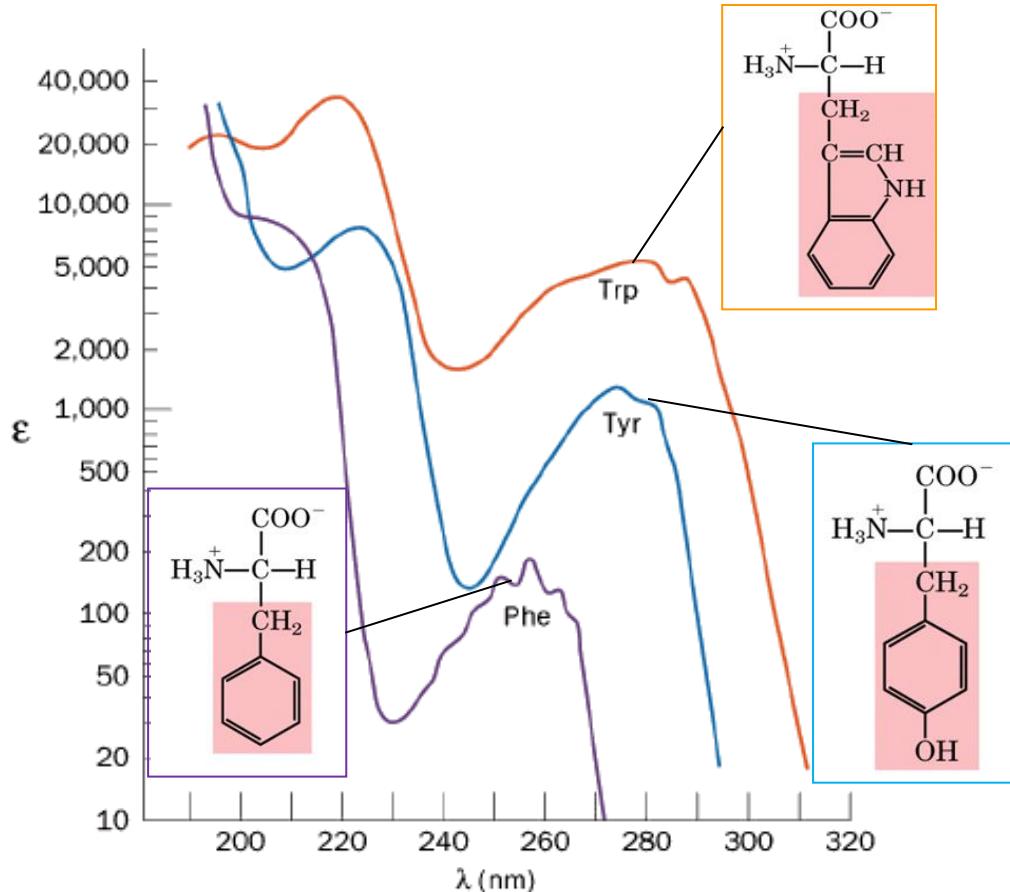
**da ligação peptídica (210-220 nm)**

**de grupos presentes nas cadeias laterais dos aminoácidos que a constituem (aromáticos, p. ex., a ~ 280 nm)**

**de produtos coloridos resultantes de reações entre a proteína e compostos químicos específicos (400-700 nm)**

## 2. Absorção de luz UV

Cadeias laterais contendo aromáticos absorvem luz em  $\lambda$  280nm.  
A absorbância de uma proteína dependerá do seu conteúdo de Tyr, Phe e Trp, sem modificar químicamente a amostra.



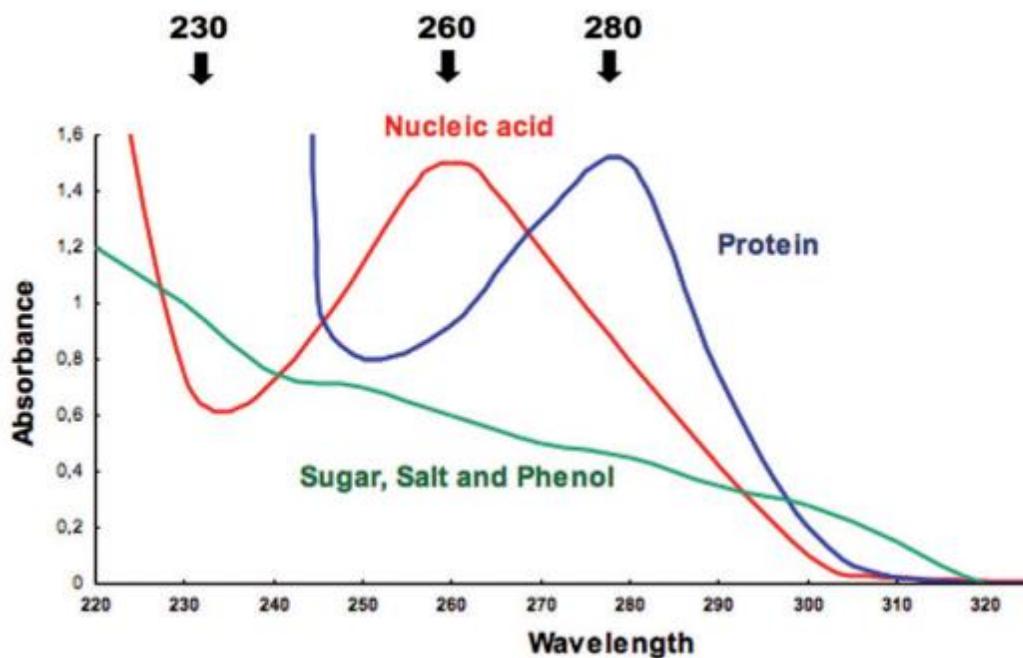
### Desvantagem:

Para a quantificação de uma proteína sem o uso de referências é necessário conhecer a sua sequência de aminoácidos (calcular o  $\epsilon$ ).

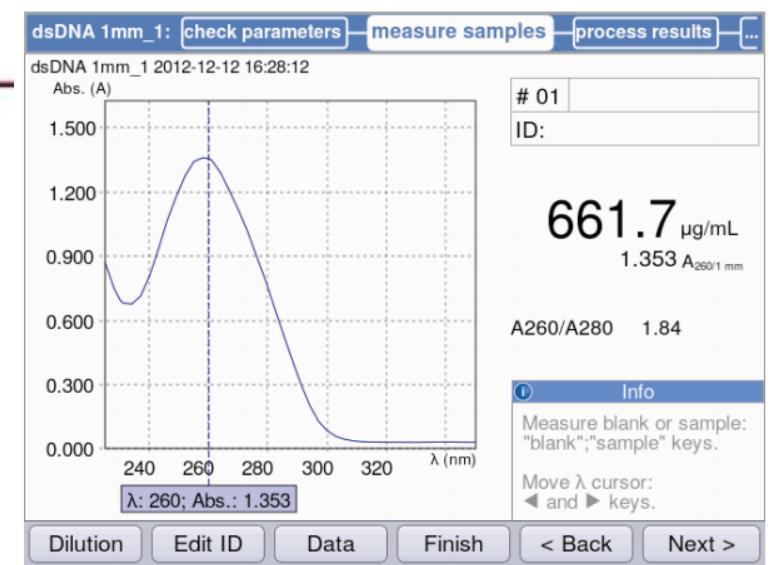
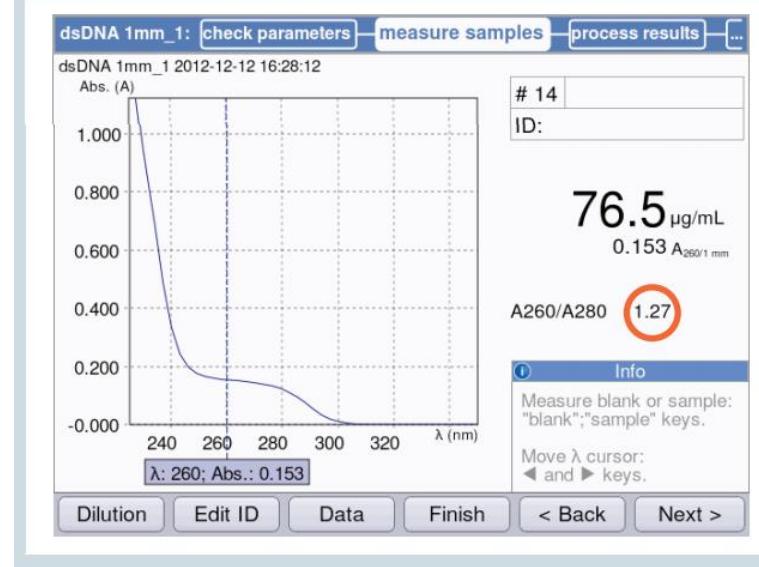
Compostos que absorvem em  $\lambda$  280 nm interferem.

A diferença de conteúdo de aminoácidos aromáticos entre o padrão e a amostra pode introduzir erros na quantificação.

## 2. Absorção de luz UV

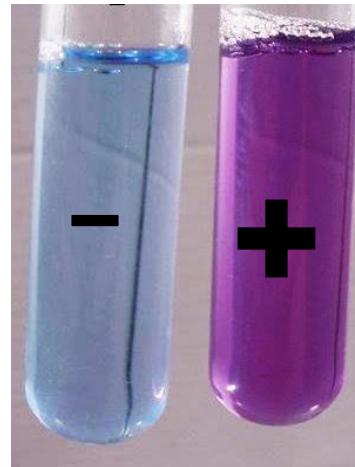
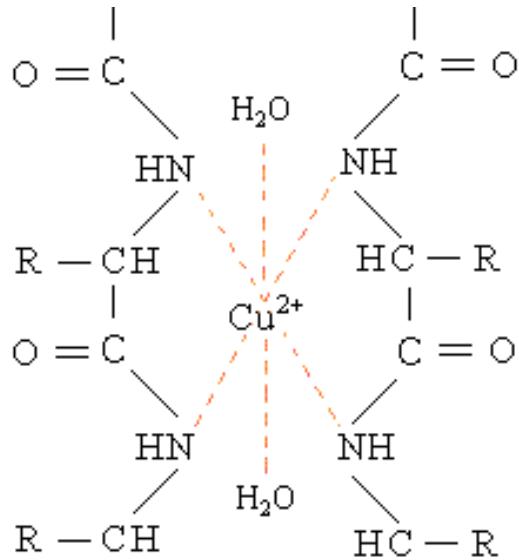


$$A_{260}/A_{280} = 1,8 - 2,0$$



### 3. Reação de Biureto

Baseia-se em uma reação entre  $\text{CuSO}_4$  e os grupos amino da proteína em meio alcalino. É um método específico para proteínas. O produto desta reação (um cátion  $\text{Cu}^{+2}$  coordenado com 4 grupos amino) absorve em  $\lambda = 540\text{nm}$ .

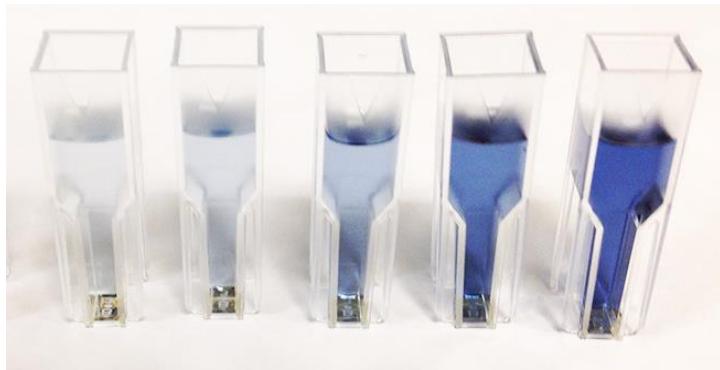


**Desvantagens:** a) baixa sensibilidade ( $> 1 \text{ mg prot.}$ )  
b) somente para proteínas simples

## 4. Reagente de Folin-Ciocalteu – Método de Lowry

Após a reação do Biureto, o complexo formado e as Cys, Tyr e Trp, sofrem uma reação de oxido-redução com o Reagente de Folin (mistura de ácidos fosfotúngstico e fosfomolibdico).  
**Sensibilidade 0.01 – 1 mg / mL.**

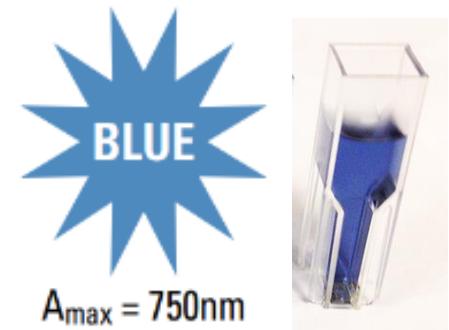
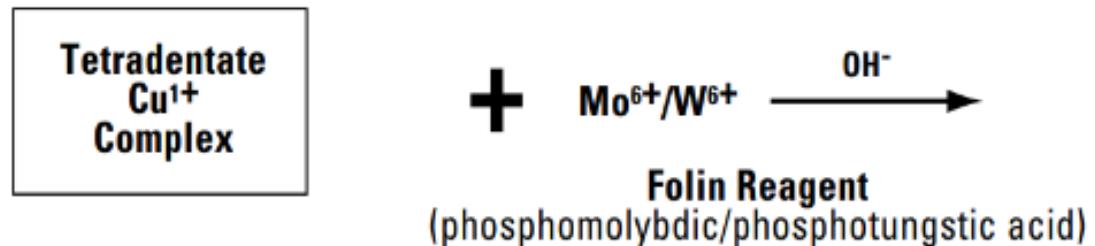
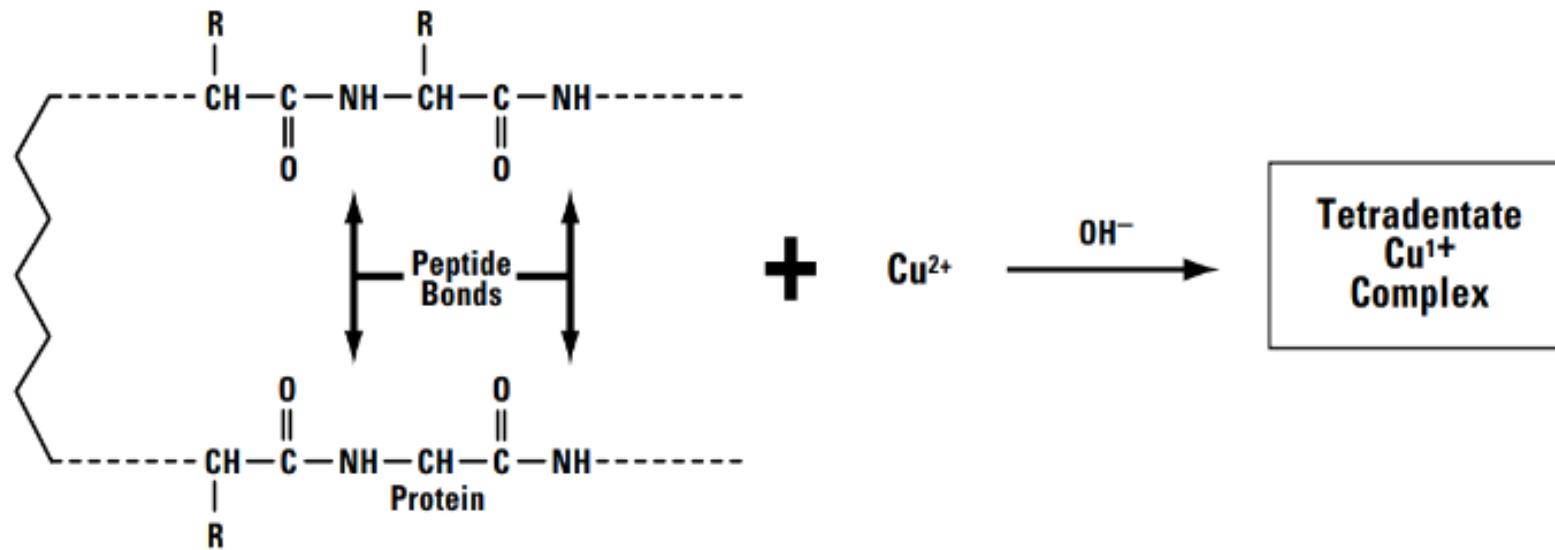
A presença do complexo tetradente reduz uma (reagente de Folin) formando tungstato e **molibdato**, os quais absorvem em  $\lambda$  720 – 750nm.



Desvantagem:

- 1) a quantidade de produto colorido formado é fortemente dependente da quantidade de Asn, Trp e His presentes na proteína.
- 2) apresenta um grande número de interferentes (fenóis, p.ex.)

## 4. Reagente de Folin-Ciocalteu – Método de Lowry



## 5. Método de BCA (bicinchoninic acid)

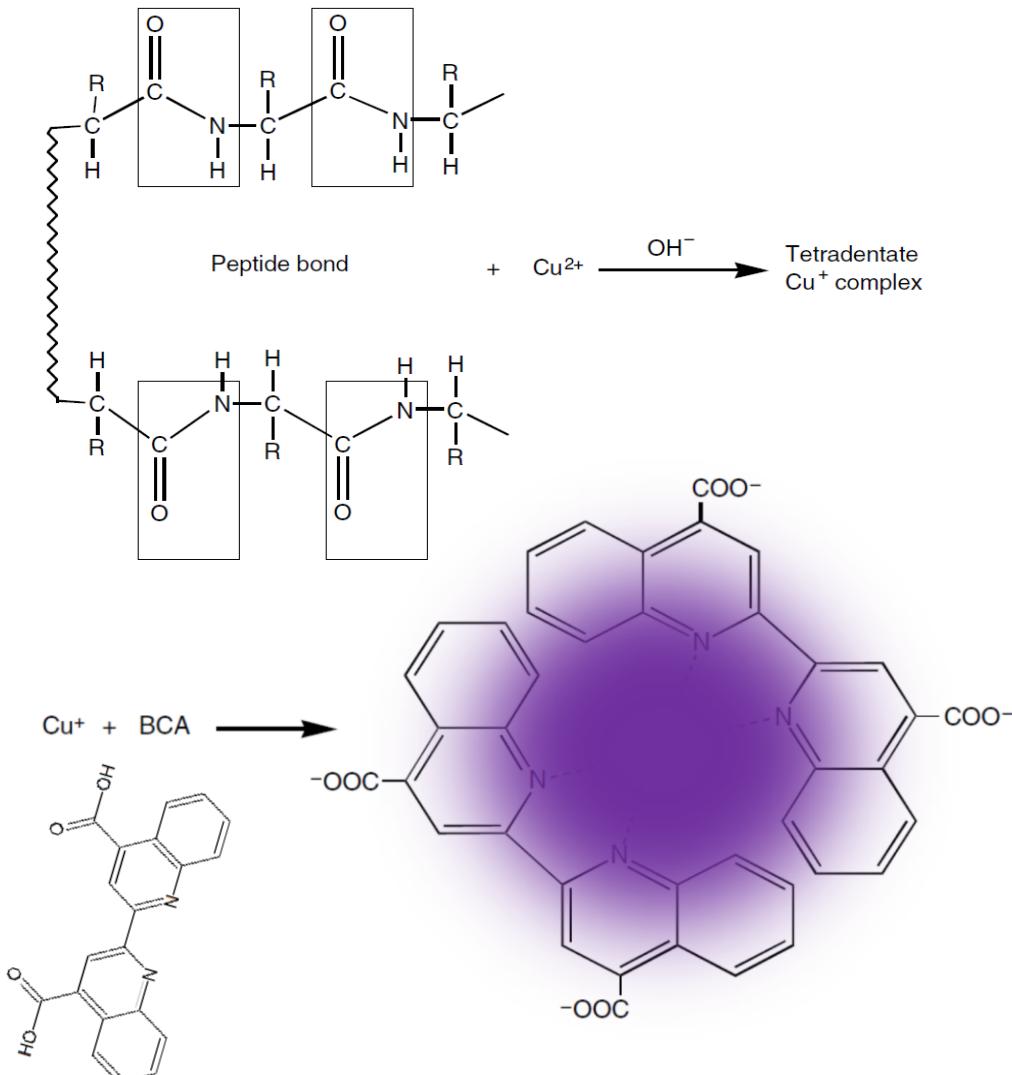
Começa com a formação do complexo entre cátion  $\text{Cu}^{+2}$  e a proteína,

Esse complexo cuproso reage com o BCA (2 moléculas por íon cuproso) o qual pela sua vez forma uma cor violeta que pode ser medida a  $\lambda$  562 nm

sensibilidade 0,5 µg/mL.

**Desvantagens:**  
alguns compostos como  
fructose e lactose podem  
interferir na leitura.

**A coloração não se mantém  
estável por muito tempo.**

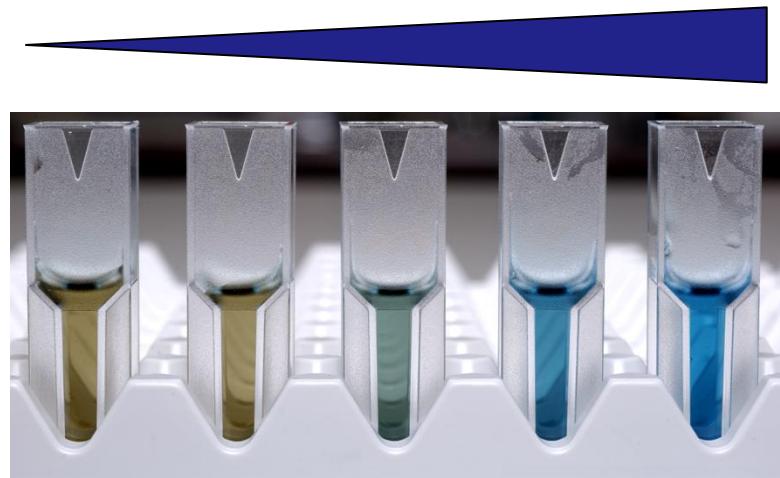


## 6. Reagente de Bradford (Comassie Brilliant Blue G-250)

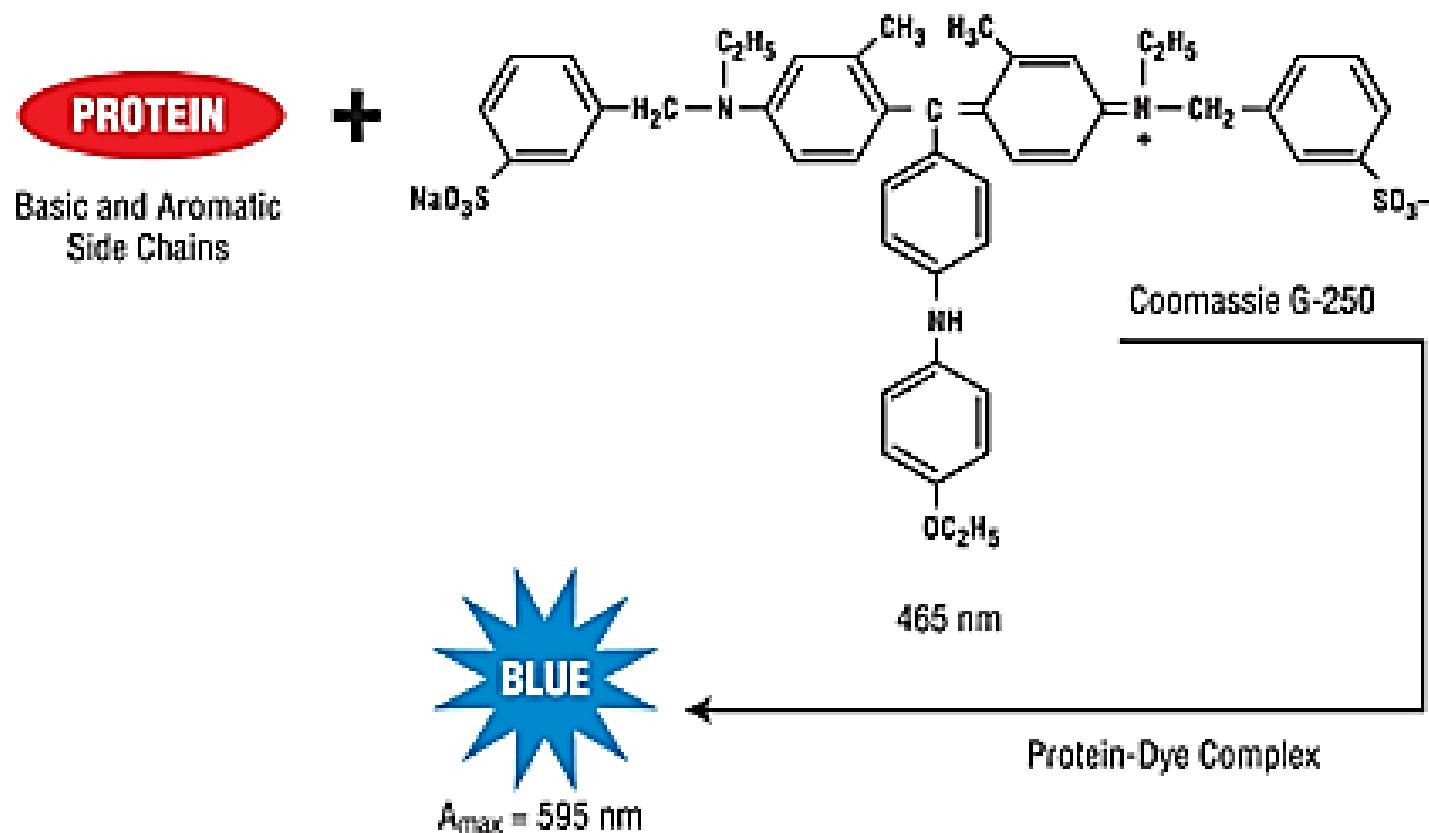
Este corante forma complexos com proteínas por meio de interações iônicas com aminoácidos básicos e interações de van der Waals. A formação do complexo proteína-CBBG altera o espectro de absorção do corante, mudando o seu máximo de absorção de  $\lambda$  465 nm para 595 nm. < 5  $\mu\text{g/mL}$ .

### **Desvantagens:**

- a) o corante não liga igualmente em todas as proteínas.
- b) lipídeos, fenóis, polissacarídeos e glicerol interferem neste método.



## 6. Reagente de Bradford (Comassie Brilliant Blue G-250)



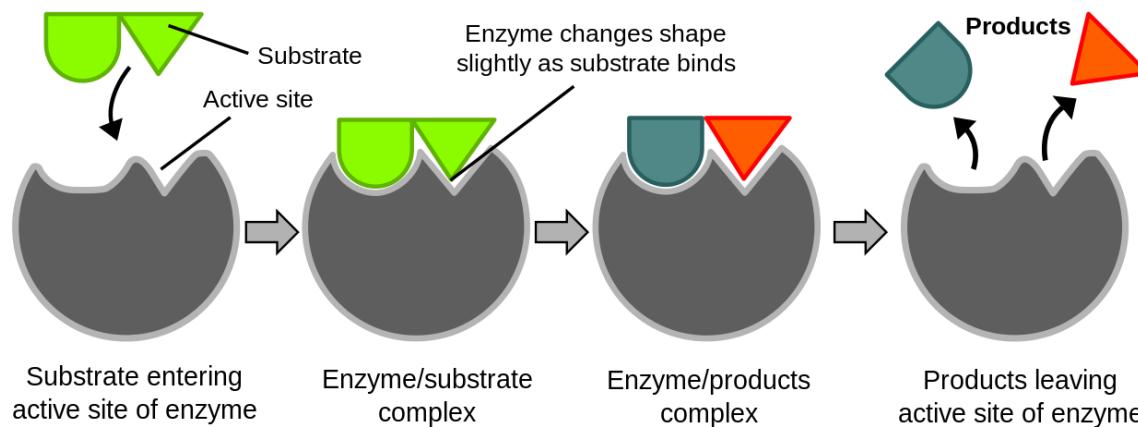
# E SE A PROTEÍNA TAMBÉM FOR ENZIMA?

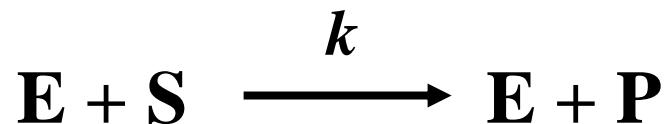
Enzimas são catalisadores biológicos.

Apresentam especificidade em relação aos produtos e reagentes



A presença de uma enzima específica pode ser detectada através da ocorrência da reação (*formação do produto a partir de substrato específico*)



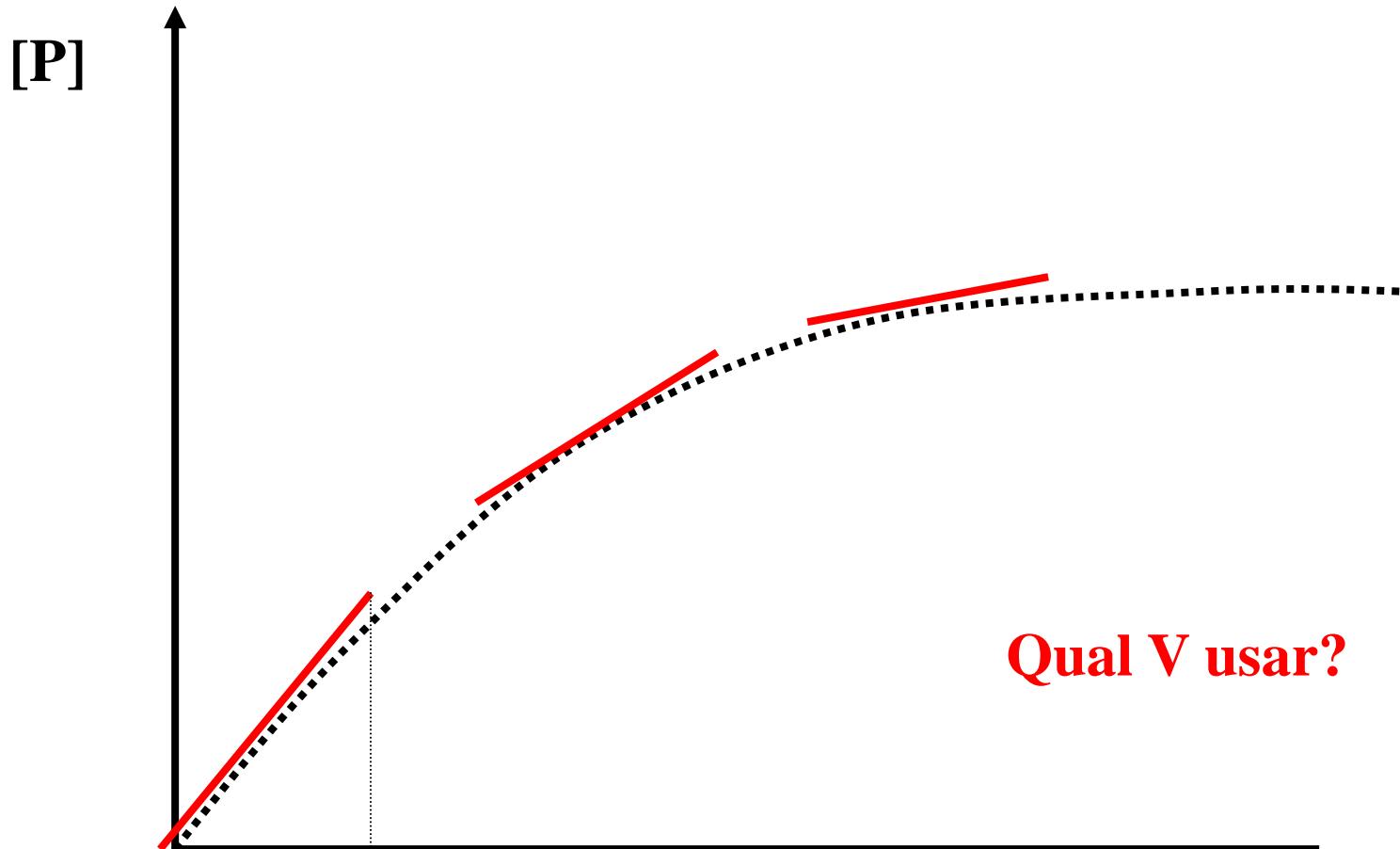


**Como quantificar a enzima?**

$$v = k [E] [S]$$

Assim, se  $[S] \sim$  constante, a velocidade é diretamente proporcional a concentração de enzima

$$V = \Delta[P]/\Delta t$$

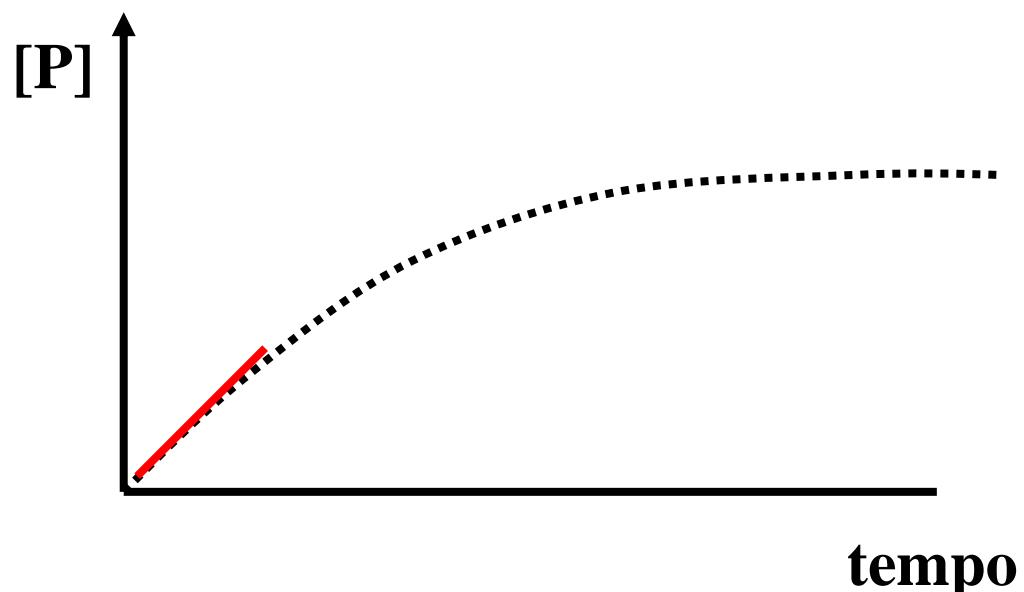


*inclinação* =  $\Delta y/\Delta x$

tempo

$$v = k [E] [S]$$

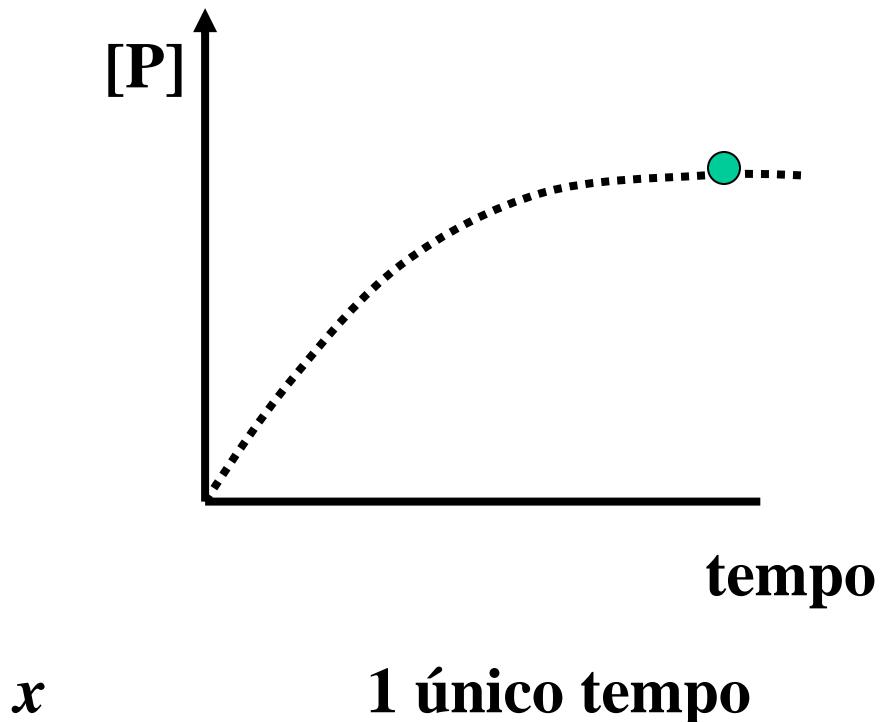
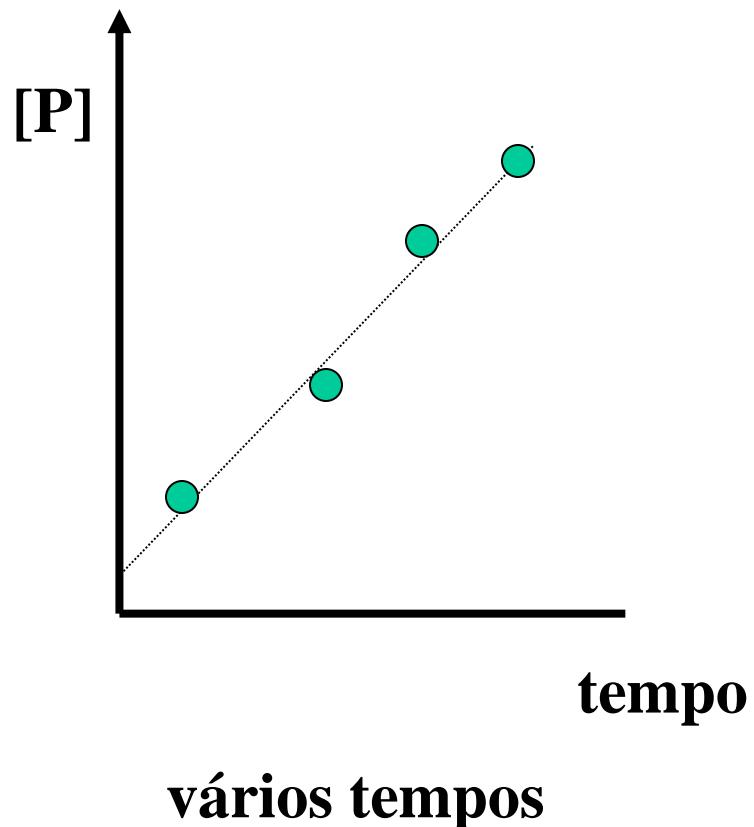
Assim, se  $[S] \sim$  constante (igual à inicial; muito S e pouca E saturada), a velocidade é diretamente proporcional a concentração de enzima



Se menos de 5% de S for consumido, podemos assumir  $v \sim$  constante ( $v_0$ )

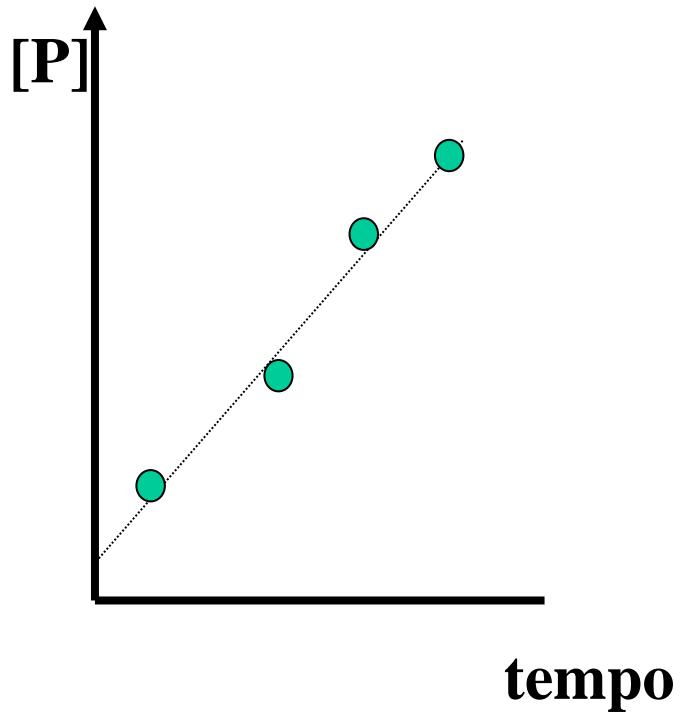
## Medida de velocidade inicial

Construir uma curva de  $[P]$  x tempo e verificar se é linear.



$$y=mx + b$$

$m = \text{inclinação} = \text{velocidade média}$



$$y=mx+b$$

$m = \text{inclinação} = \text{produto produzido/tempo} = \text{Velocidade inicial} = \mathbf{\text{Unidade enzimática.}}$

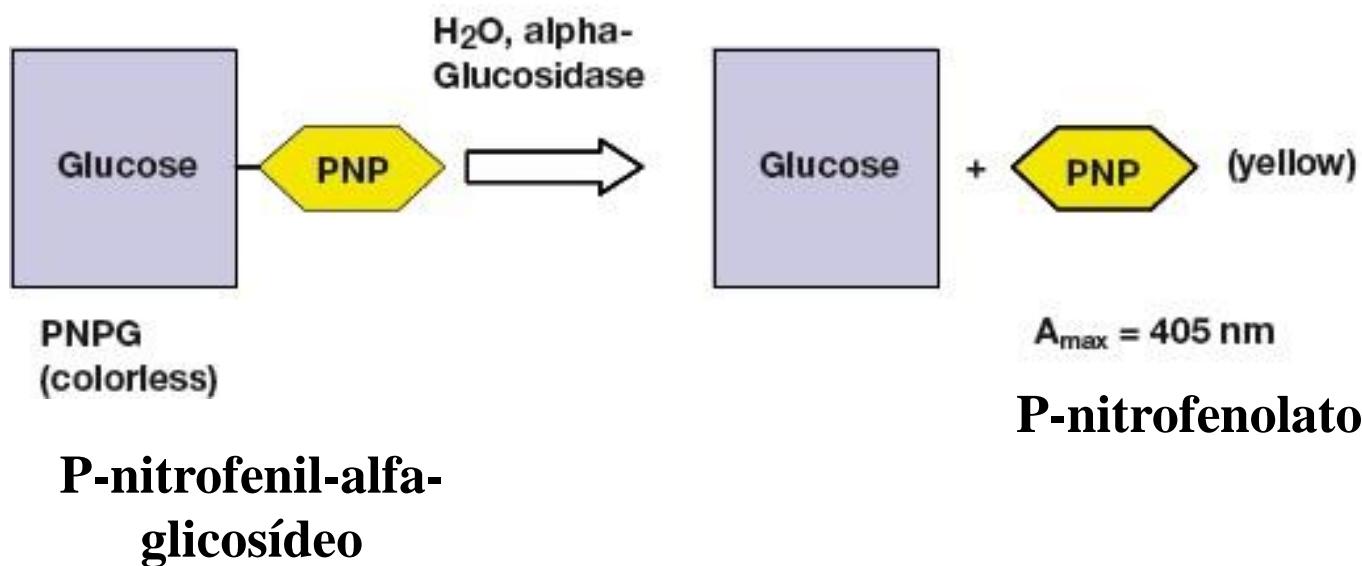
**1 U de atividade enzimática corresponde a formação de 1 micromol de produto/min**

**1 U = 1  $\mu\text{mol P / min}$**

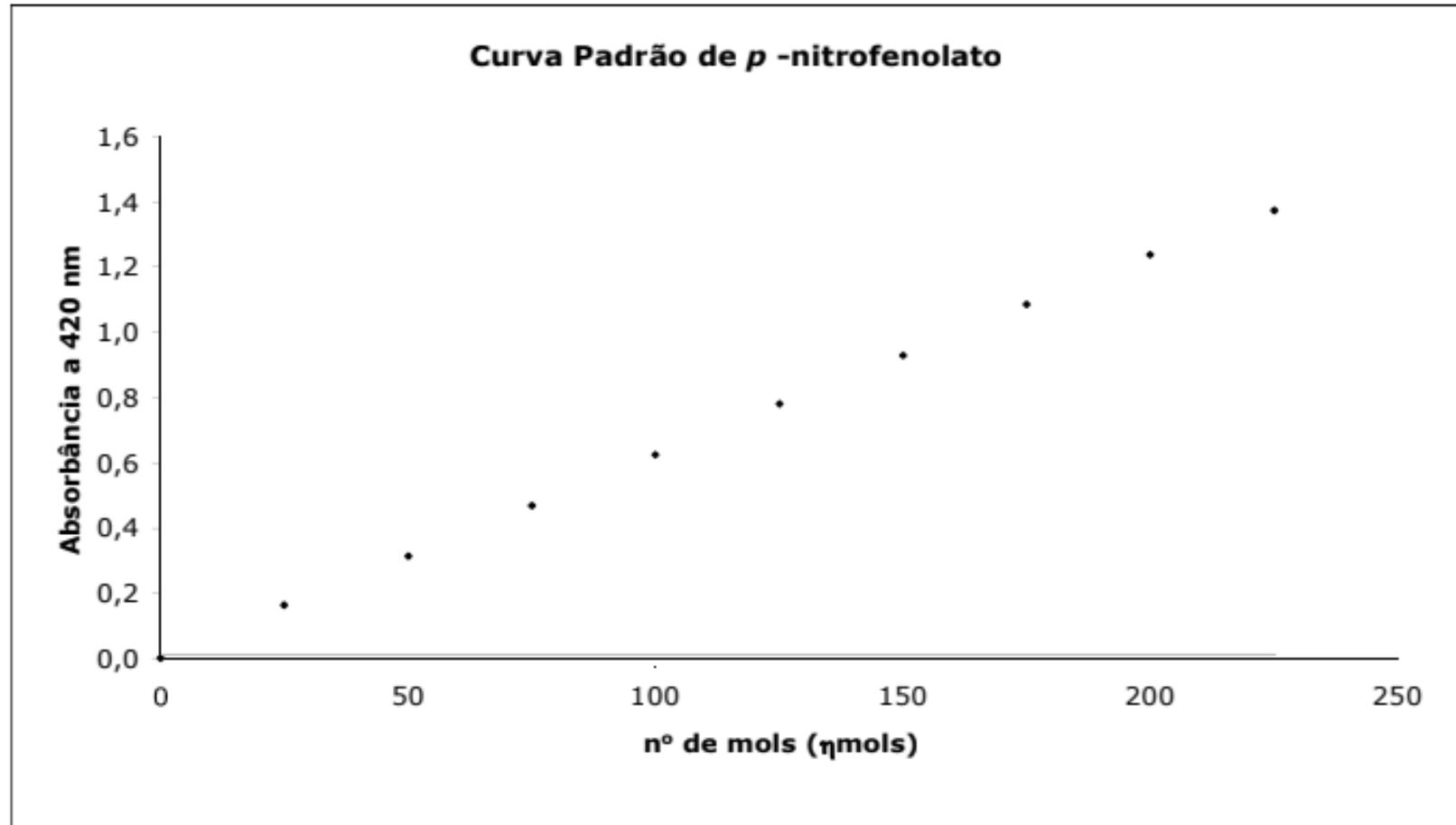
# Determinação da Atividade Enzimática do lisado

## a- Glicosidase

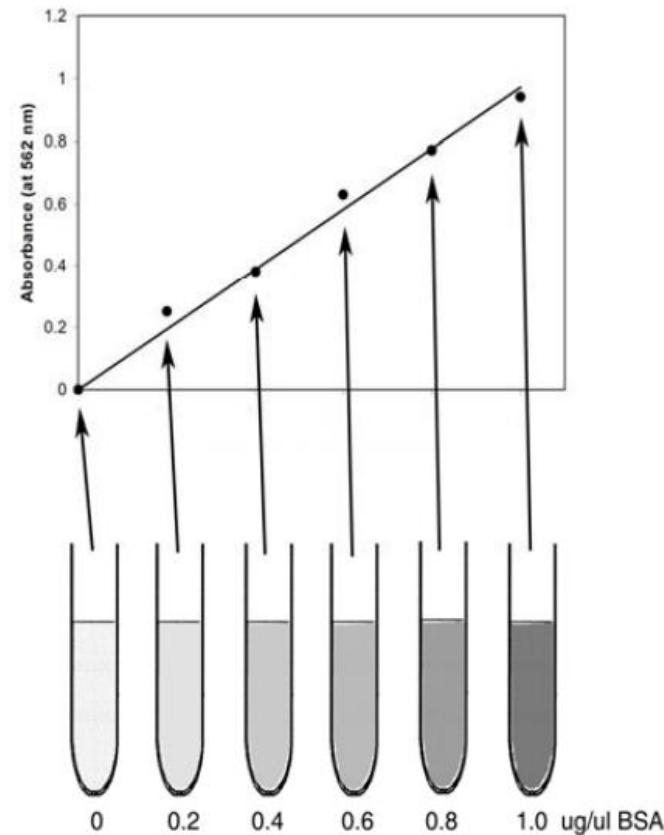
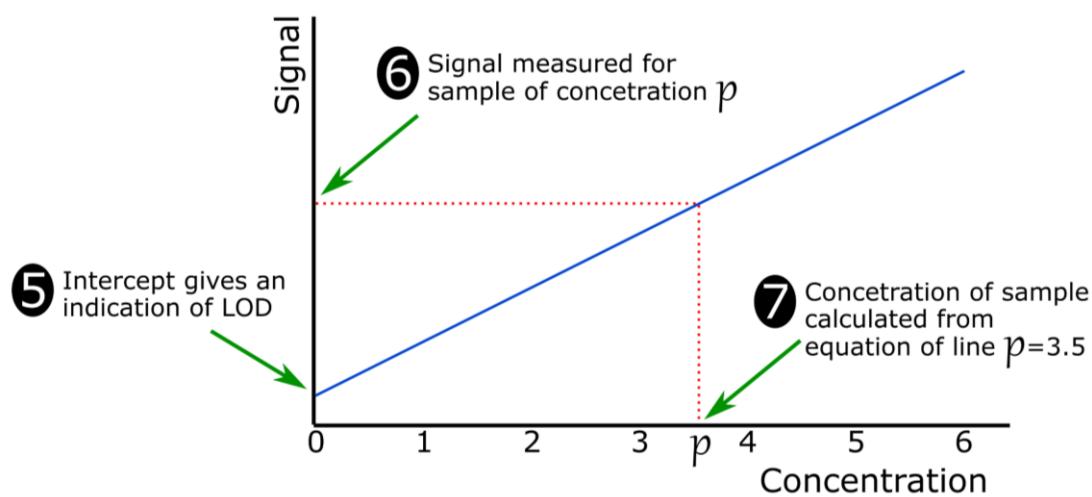
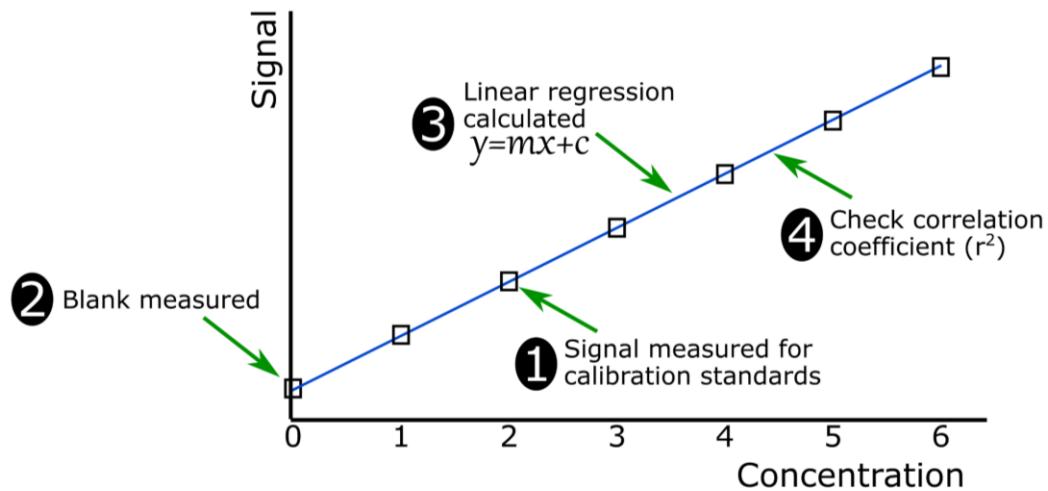
Hidrolise das ligações glicosídicas em açúcares complexos



# Curva padrão p-nitrofenolato para determinar a atividade da $\alpha$ - Glicosidase



# Curva padrão ou curva de calibração



# Referências

Proteins – Structure and Molecular Properties, Thomas E. Creighton, Segunda edição – 1993 -Capítulo 1

M. M. Bradford (1976). Anal. Biochemistry 72, 248 – 254 ([Comassie Blue](#))

G. L. Peterson (1979). Anal. Biochemistry 100, 201 – 220 ([Reagente de Folin](#))

S.C. Gill e P.H. von Hippel (1989). Anal.Biochemistry 182, 319 – 326. ([Absorção na região de luz UV](#))

H. Ahmed (2005). Principles and reactions of protein extraction, purification and characterization ([todos os métodos](#))

Lehninger principles of biochemistry. 3rd. ed. New York: Worth Publishers, 2000. 1152p. il.

Livro de bioquímica básica (Anita Marzzoco e Bayardo B. Torres).