



UNIVERSIDADE DE SÃO PAULO
ESCOLA SUPERIOR DE AGRICULTURA
“LUIZ DE QUEIROZ”
DEPARTAMENTO DE GENÉTICA
LGN0313 – Melhoramento genético



Controle genético e herdabilidade

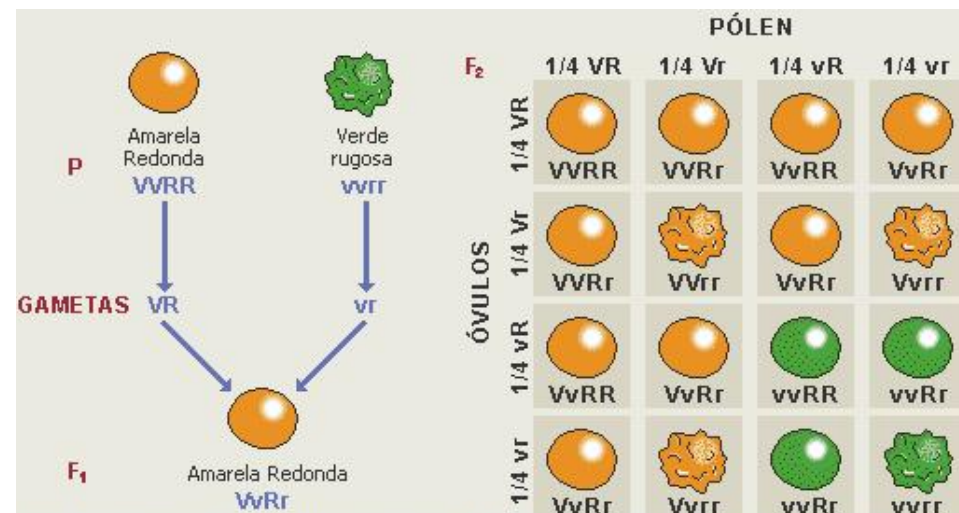
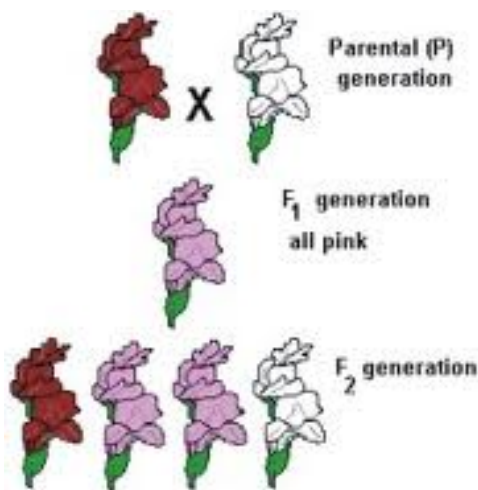
Prof. Roberto Fritsche-Neto

roberto.neto@usp.br

Piracicaba, 20 e 23 de março de 2018

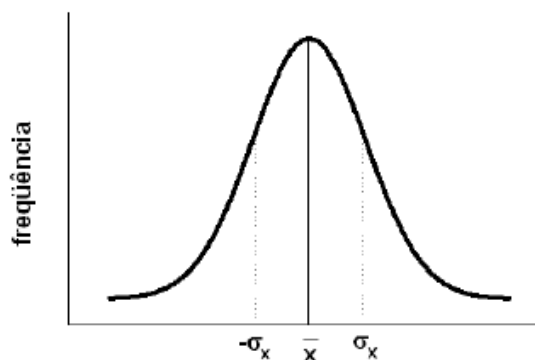
Caracteres qualitativos

- Controlados por um ou poucos genes
- Pouco afetados pelo ambiente
- Classes fenotípicas facilmente distinguíveis
- Segregações conhecidas: 3:1 ou 1:2:1; 9:3:3:1
- Estudos a nível de indivíduos
- Interpretação da herança - *proporções observadas nas descendências dos cruzamentos*



Caracteres quantitativos

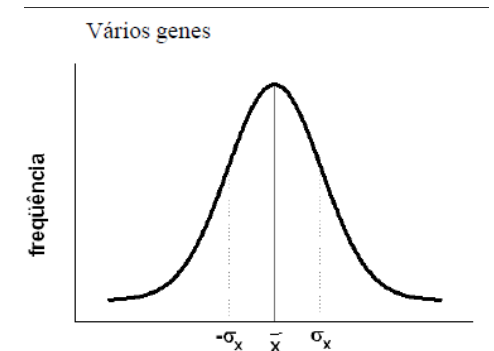
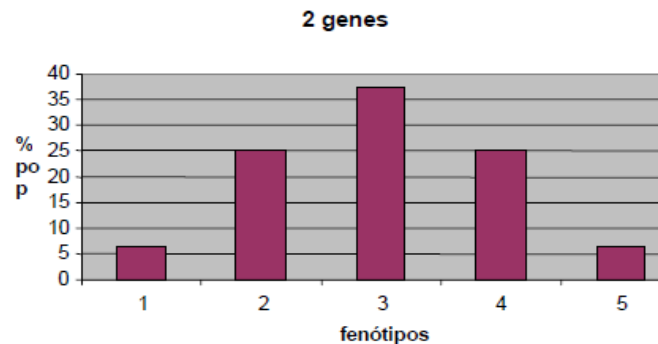
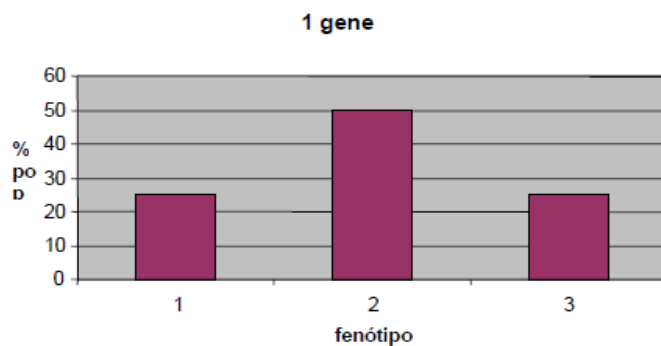
- Controlados por muitos genes, as classes não são facilmente distinguíveis - **distribuição contínua do fenótipo**



- Produtividade de grãos**
- Pesos, volumes e medidas: **kg, m, cm, g, m², ...**
- Muito afetados pelo ambiente**
- Estudo a nível de populações e baseado na estimação de parâmetros: *média, variâncias e covariâncias*

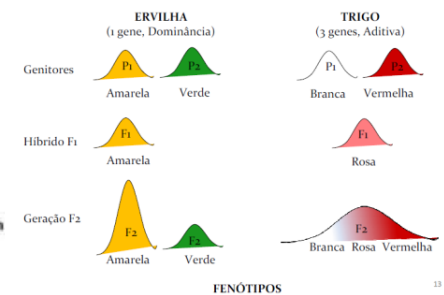
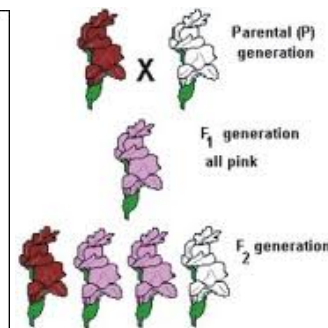
Quantitativos vs qualitativos

- Considere um caráter governado por um gene com dois alelos (*A* e *a*), que as frequências gênicas $p = q = 0,5$
- *A* confere 3 unidades no fenótipo e o *a* confere 1 unidade
- $B = 3$ e $b = 1$



- *Número de classes:*
 - número de locus
 - tipo de interação intralelica

		gametes	
		A 1/2	a 1/2
gametes	A 1/2	AA 	Aa 
	a 1/2	Aa 	aa 
		3 yellow : 1 green	



Variabilidade e efeitos gênicos

$$F = G + E \longrightarrow \sigma_F^2 = \sigma_G^2 + \sigma_E^2$$



$$G = A + D + I$$

- **Origem da variabilidade genética**
 - *Mutação – novos alelos*
 - *Segregação mendeliana e recombinação*
- **Interações intralélicas**
aditiva, dominância, dominância parcial e sobredominância
- **Desvio de dominância (d) - (espécie e caractere)**

Heterose

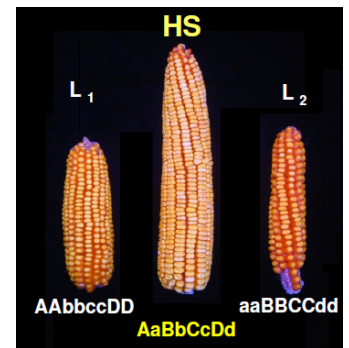
- Desempenho diferencial do F_1 em relação a média dos pais

$$H = F_1 - \left(\frac{P_1 + P_2}{2} \right)$$

- **Heterobeliose** - F_1 em relação ao pai superior

$$H = F_1 - P_s$$

- **Pode ser positiva ou negativa**
- Teoria da dominância (**repulsão**) - **exemplo do HS**
- **Componentes:** *d, divergência e complementaridade*



Endogamia (consanguinidade)

- Acasalamentos entre indivíduos aparentados
- **Autofecundação**
- Aumento da homozigose nos descendentes (**acumulativa**)
- Perda de vigor, frequência genotípica alterada, anomalias
- **F** = *coeficiente de Malécot* – probabilidade de dois alelos em um loco serem idênticos por descendência
$$F_I = \left(\frac{1}{2}\right)^n$$
- **Componentes:** *desvio de dominância e genes deletérios*



Herdabilidade (h^2)

- O fenótipo é o resultado da expressão gênica modificada pelo ambiente

$$F = G + E \quad \sigma_F^2 = \sigma_g^2 + \sigma_e^2$$

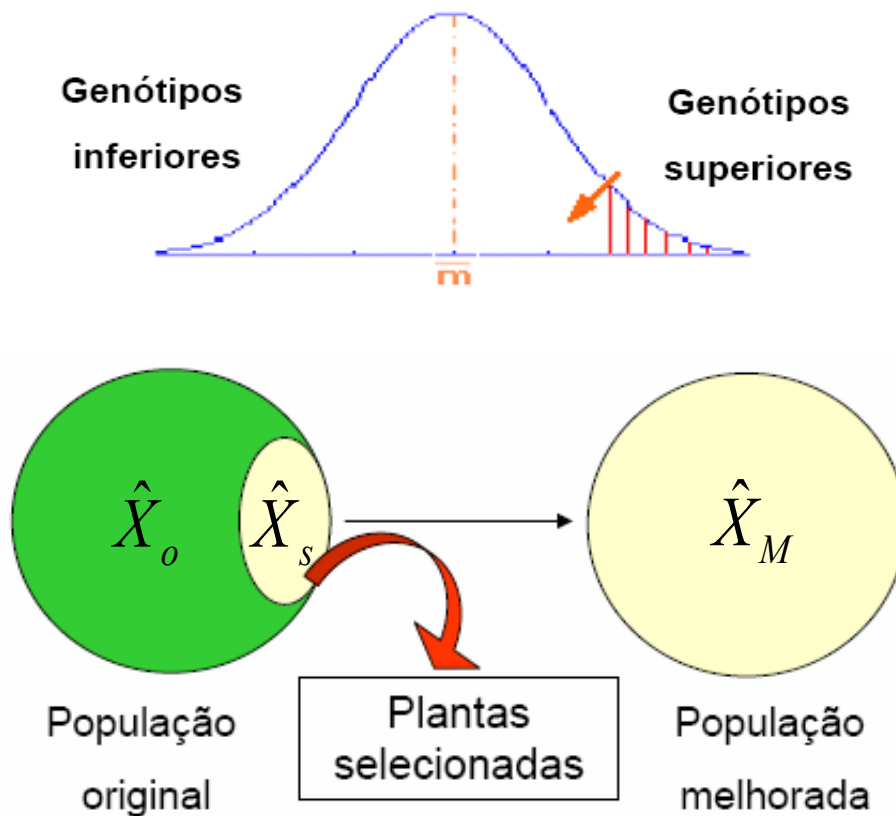
- h^2 expressa a porção genética (**herdável**) do fenótipo
- *Sentido amplo*: variância genotípica / fenotípica

$$h_g^2 = \frac{\sigma_g^2}{\sigma_g^2 + \sigma_e^2} \quad h_g^2 = \frac{\sigma_A^2 + \sigma_D^2 + \sigma_I^2}{(\sigma_A^2 + \sigma_D^2 + \sigma_I^2) + \sigma_e^2}$$

- *Sentido restrito*: variância aditiva / fenotípica
- **Transmitida para a próxima geração**

$$h_g^2 = \frac{\sigma_A^2}{\sigma_g^2 + \sigma_e^2} \quad h_g^2 = \frac{\sigma_A^2}{(\sigma_A^2 + \sigma_D^2 + \sigma_I^2) + \sigma_e^2}$$

Ganhos com a seleção



$$Ds = \hat{X}_s - \hat{X}_o$$

$$GS = Ds \cdot h_A^2$$

$$h_A^2 = 0.8$$

$$h_A^2 = 0.2$$

$$\hat{X}_M = \hat{X}_o + GS$$

Depende da herdabilidade e do diferencial de seleção

Referências

Borém, A, Miranda GV, Fritsche-Neto R (2017) (7ed.) **Melhoramento de plantas**. Editora UFV, Viçosa, 543p. (**Cap. 7**)