BMM-0271: Microbiologia básica

Genética de procariotos

Robson Francisco de Souza. Ph.D robfsouza@gmail.com LEEP: Laboratório de Estrutura e Evolução de Proteínas ICB/USP – 2016

Tópicos

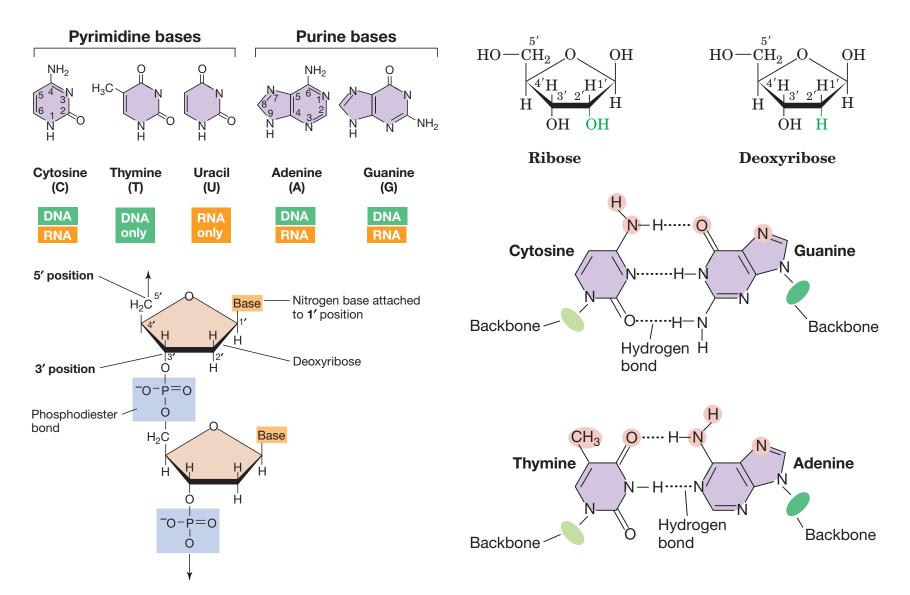
Genomas de procariotos

- Composição e estrutura química do DNA
- Organização dos genomas e estrutura dos genes em procariotos
- Replicação, reparo e recombinação

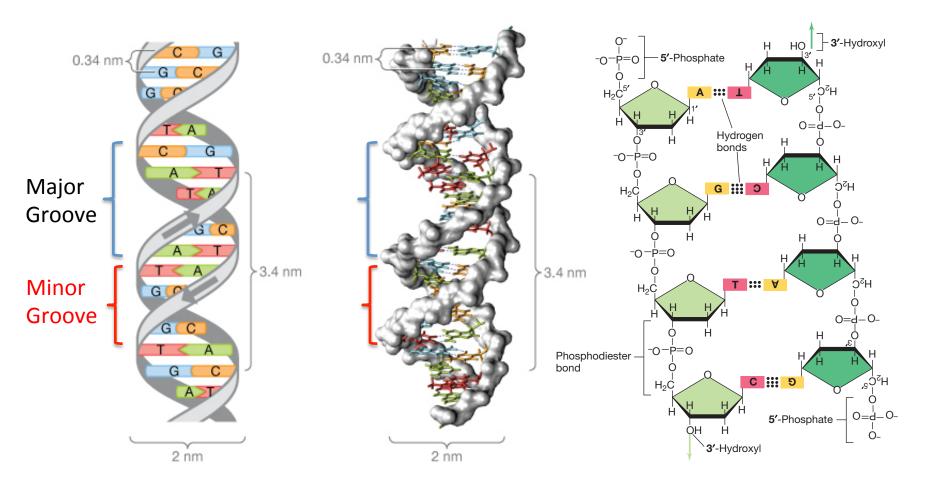
• Origens da diversidade genética

- Mutação
 - Mecanismos
 - Isolamento
- Rearranjos cromossômicos e transposição
- Tranferência lateral de genes
 - Transformação
 - Transdução
 - Conjugação

Composição dos ácidos nucléicos



Estrutura do DNA



Organização dos genomas e estrutura dos genes em procariotos

Genoma: tipos de moléculas

Organismo	Elemento	Ácido nucléico	Descrição
Procarioto	Cromosomo	DNA dupla fita	A maioria é circular, muito longo
Eucarioto	Cromosomo	DNA dupla fita	Maioria linear, extremamente longo
Todos	Plasmídeo*	DNA dupla fita	Relativamente curto, linear ou circular
Mitocondria ou cloroplasto	Genoma	DNA dupla fita	Pequeno ou médio, geralmente circular
Vírus	Genoma	DNA ou RNA, fita dupla ou simples	Relativamente curto, circular ou linear

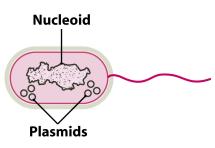
* Plasmídeos são muito raros em eucariotos

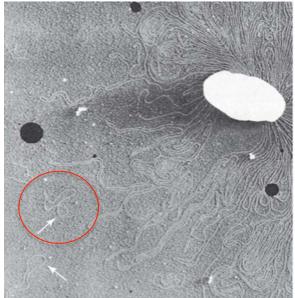
Cromossomos

- Codificam genes essenciais para o organismo
- Codificam os genes necessários para replicação e segregação

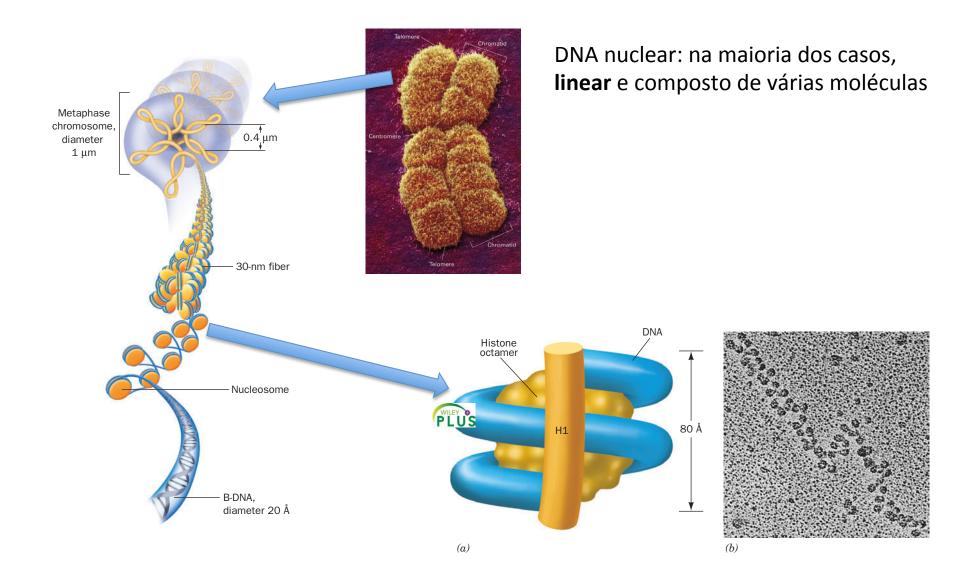
Plasmídeos

- Usam as polimerases do cromosomo
- Controlam seu número na célula
- Codificam genes para segregação



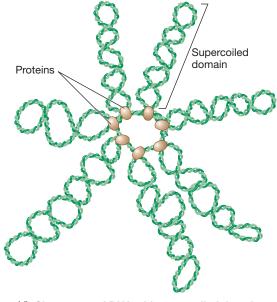


DNA: cromossomos em eucariotos



DNA: cromossomos





(d) Chromosomal DNA with supercoiled domains

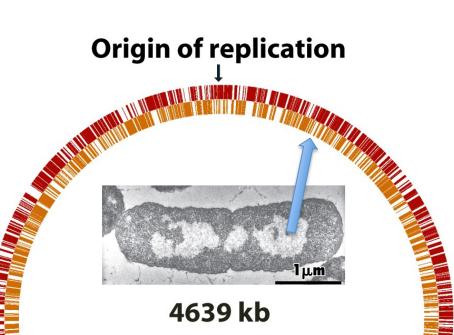
Procariotos

- Cromossomos lineares ou circulares (maioria)
- Organizados e compactados

Cromossomos de procariotos

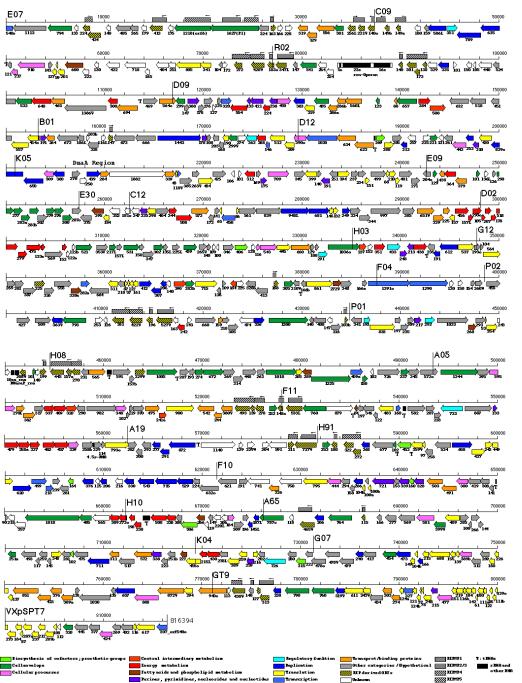
>gi|49175990|ref|NC_000913.2| Escherichia coli str. K-12 substr. MG1655, complete genome

AGCTTTTCATTCTGACTGCAACGGGCAATATGTCTCTGTGTGGATTAAAAAAAGAGTGTCT GATAGCAGCTTCTGAACTGGTTACCTGCCGTGAGTAAATTAAAATTTTATTGACTTAGGTC ACATCCATGAAACGCATTAGCACCACCATTACCACCACCATCACCATTACCACAGGTAACG GTGCGGGCTGACGCGTACAGGAAACACAGAAAAAAGCCCGCACCTGACAGTGCGGGCTTTT TTTTTCGACCAAAGGTAACGAGGTAACAACCATGCGAGTGTTGAAGTTCGGCGGTACATCA TGAAAAAACCATTAGCGGCCAGGATGCTTTACCCAATATCAGCGATGCCGAACGTATTTTT GCCGAACTTTTGACGGGACTCGCCGCCGCCCAGCCGGGGTTCCCGCTGGCGCAATTGAAAA CTTTCGTCGATCAGGAATTTGCCCAAATAAAACATGTCCTGCATGGCATTAGTTTGTTGGG GCAGTGCCCGGATAGCATCAACGCTGCGCTGATTTGCCGTGGCGAGAAAATGTCGATCGCC ATTATGGCCGGCGTATTAGAAGCGCGCGGTCACAACGTTACTGTTATCGATCCGGTCGAAA AACTGCTGGCAGTGGGGGCATTACCTCGAATCTACCGTCGATATTGCTGAGTCCACCCGCCG TATTGCGGCAAGCCGCATTCCGGCTGATCACATGGTGCTGATGGCAGGTTTCACCGCCGGT AATGAAAAAGGCGAACTGGTGGTGCTTGGACGCAACGGTTCCGACTACTCTGCTGCGGTGC CTGCGACCCGCGTCAGGTGCCCGATGCGAGGTTGTTGAAGTCGATGTCCTACCAGGAAGCG ATGGAGCTTTCCTACTTCGGCGCTAAAGTTCTTCACCCCCGCACCATTACCCCCATCGCCC AGTTCCAGATCCCTTGCCTGATTAAAAATACCGGAAATCCTCAAGCACCAGGTACGCTCAT TGGTGCCAGCCGTGATGAAGACGAATTACCGGTCAAGGGCATTTCCAATCTGAATAACATG GCAATGTTCAGCGTTTCTGGTCCGGGGATGAAAGGGATGGTCGGCATGGCGGCGCGCGTCT TTGCAGCGATGTCACGCGCCCGTATTTCCGTGGTGCTGATTACGCAATCATCTTCCGAATA CAGCATCAGTTTCTGCGTTCCACAAAGCGACTGTGTGCGAGCTGAACGGGCAATGCAGGAA GAGTTCTACCTGGAACTGAAAGAAGGCTTACTGGAGCCGCTGGCAGTGACGGAACGGCTGG CCATTATCTCGGTGGTAGGTGGTGGTGGTGGGATCTCGGCGGAAATTCTT TGCCGCACTGGCCCGCGCCAATATCAACATTGTCGCCATTGCTCAGGGATCTTCTGAACGC TCAATCTCTGTCGTGGTAAATAACGATGATGCGACCACTGGCGTGCGCGTTACTCATCAGA TGCTGTTCAATACCGATCAGGTTATCGAAGTGTTTGTGATTGGCGTCGGTGGCGTTGGCGG CGTGTCTGCGGTGTTGCCAACTCGAAGGCTCTGCTCACCAATGTACATGGCCTTAATCTGG AAAACTGGCAGGAAGAACTGGCGCAAGCCAAAGAGCCGTTTAATCTCGGGCGCTTAATTCG CCTCGTGA...

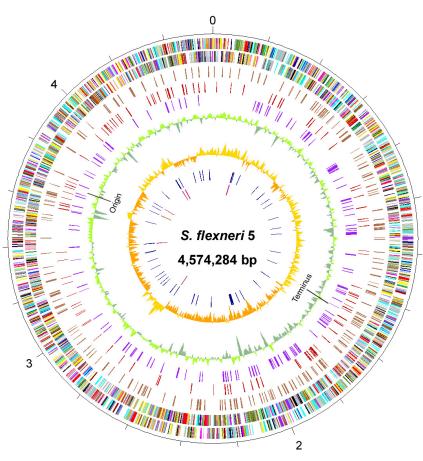


Genoma de *E. coli*

ORFs: fita leading (vermelho) e lagging (laranja) Gene Map of the *Mycoplasma pneumoniae* Genome



Genomas completos: exemplos



Complete genome sequence of Shigella flexneri 5b and comparison with Shigella flexneri 2a. **BMC Genomics** (2006) 7:173

Streptomyces

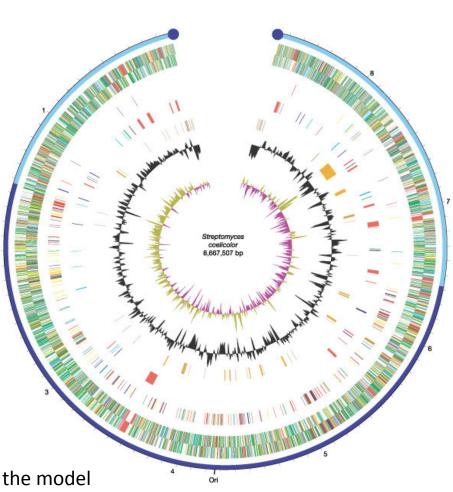
https://www.kegg.jp

Table 1 General features of the chromosome

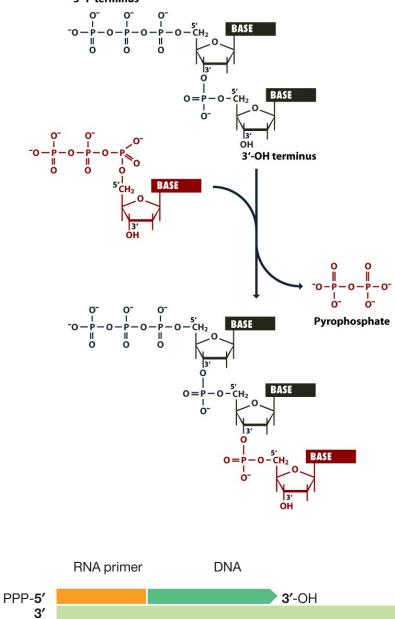
Component of chromosome	Property
Total size	8,667,507 bp
Terminal inverted repeat	21,653 bp
G + C content	72.12%
Coding sequences	7,825
of which pseudogenes	55
Coding density	88.9%
Average gene length	991 bp
Ribosomal RNAs	$6 \times (16S - 23S - 5S)$
Transfer RNAs	63
Other stable RNAs	3

The outer scale is numbered anticlockwise (to correspond with a previously published map) in megabases and indicates the core (dark blue) and arm (light blue) regions of the chromosome. Circles 1 and 2 (from the outside in), all genes (reverse and forward strand, respectively) colour-coded by function (black, energy metabolism; red, information transfer and secondary metabolism; dark green, surface associated; cvan, degradation of large molecules; magenta, degradation of small molecules; yellow, central or intermediary metabolism; pale blue, regulators; orange, conserved hypothetical; brown, pseudogenes; pale green, unknown; grey, miscellaneous); circle 3, selected 'essential' genes (for cell division, DNA replication, transcription, translation and amino-acid biosynthesis, colour coding as for circles 1 and 2); circle 4, selected 'contingency' genes (red, secondary metabolism; pale blue, exoenzymes; dark blue, conservon; green, gas vesicle proteins); circle 5, mobile elements (brown, transposases; orange, putative laterally acquired genes); circle 6, G + C content; circle 7, GC bias ((G -C/G + C), khaki indicates values >1, purple <1). The origin of replication (Ori) and terminal protein (blue circles) are also indicated.

Bentley, S.D. et al. (2002) Complete genome sequence of the model actinomycete Streptomyces coelicolor A3(2). Nature, 417, 141–7.

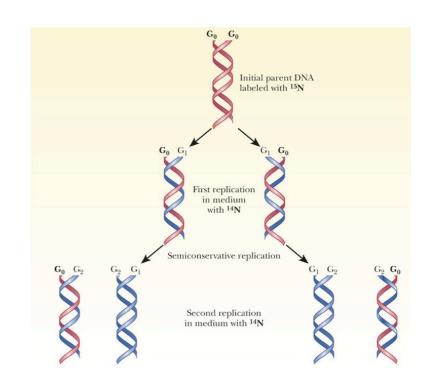


Replicação, reparo e recombinação



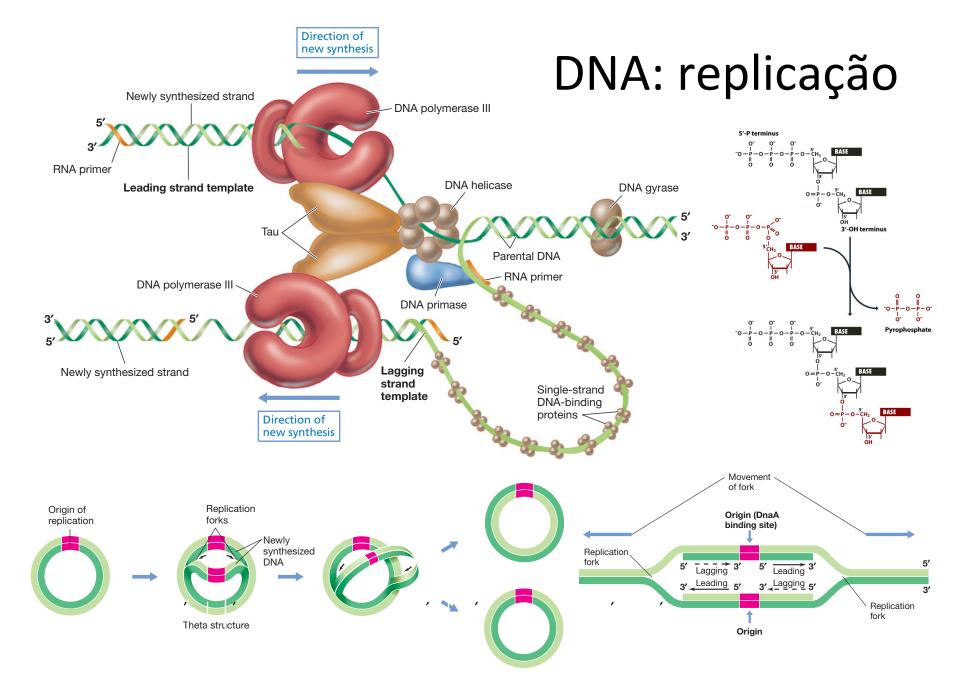
DNA

DNA: replicação



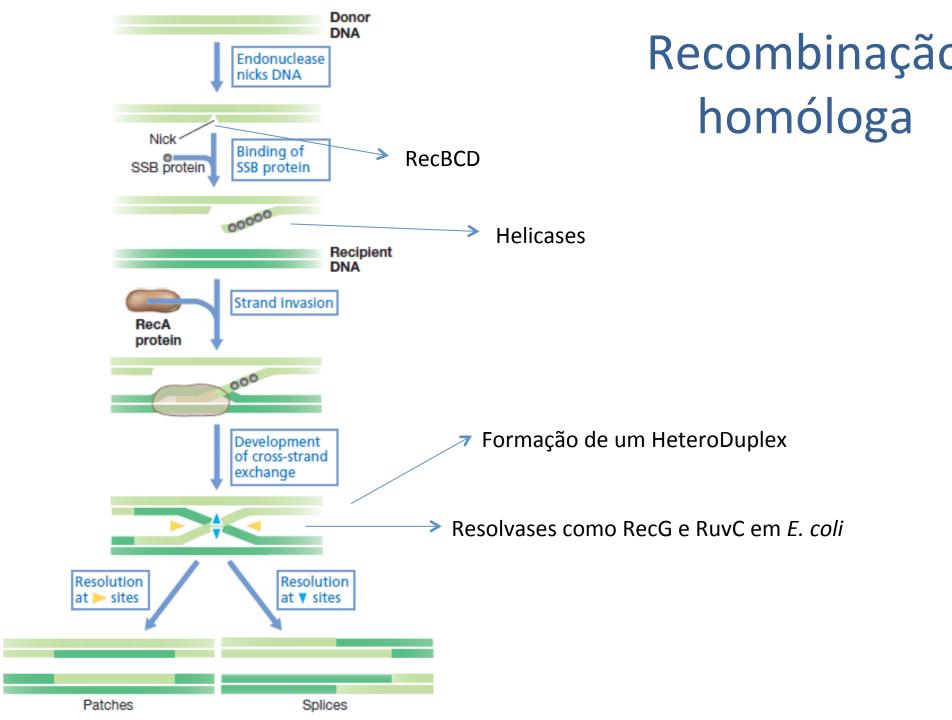
Como proposto por Watson & Crick, a replicação do DNA é **semi-conservativa**

A síntese da nova fita complementar (verde ^{5'} escuro) é iniciada com o pareamento de um **primer**



Sistemas de Reparo de DNA

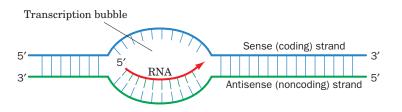
- Mutação é uma alteração hereditária
- DNA danificado pode ser reparado
- Vários sistemas de Reparo de DNA livre de erros
 - Reparos de Danos em Fita Simples
 - DNA fita simples é removido
 - Reparo por excição de nucleotídeo e Pareamento incorreto
 - Pequeno fragmento de DNA fita simples é removido.
 - Dano em Fita Dupla, como ligações cruzadas, clivagem nas duas fitas
 - Reparadas por mecanismo de recombinação que podem gerar erros
- Alguns processos são propensos a erros
 - Exemplo: Sistema SOS
 - Podem introduzir mutações



Estrutura dos genes em procariotos

Síntese de RNA: transcrição

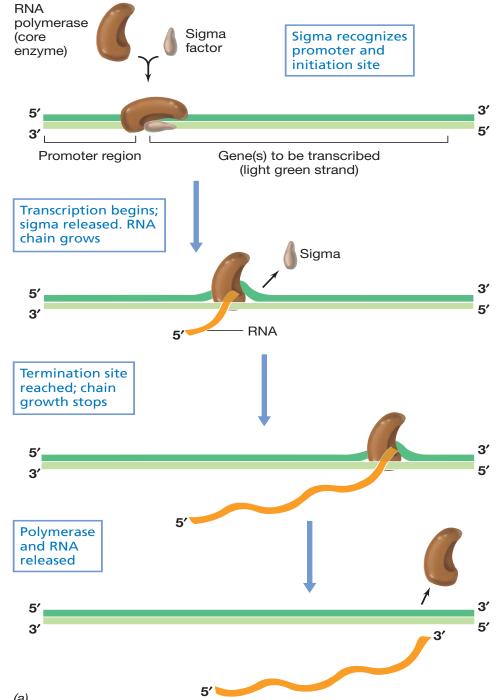
Como a replicação, também procede apenas no sentido 5' -> 3'

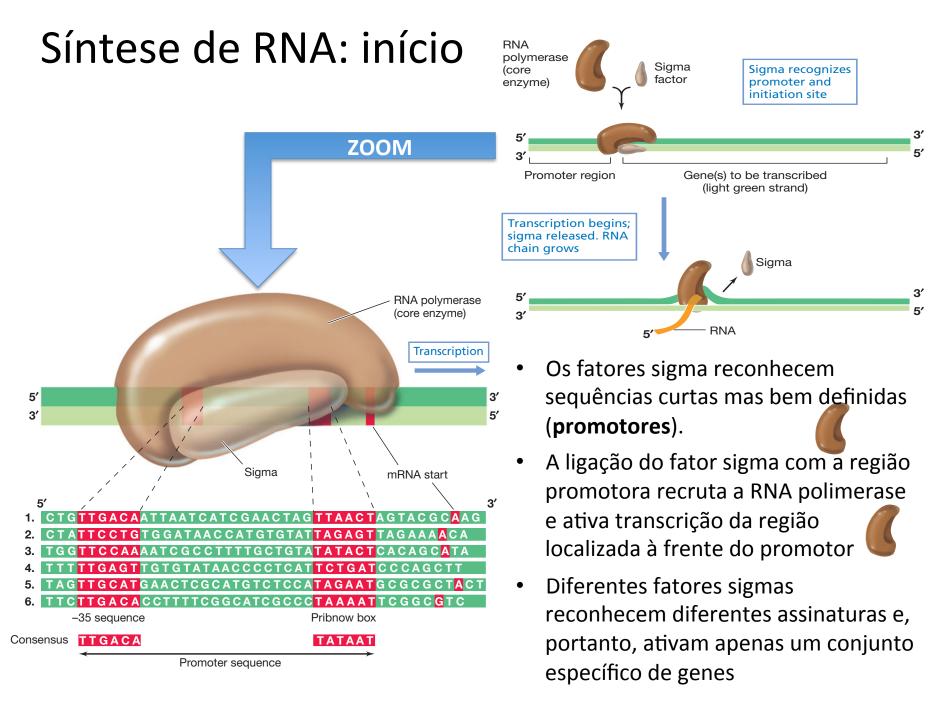


Unidade de transcrição

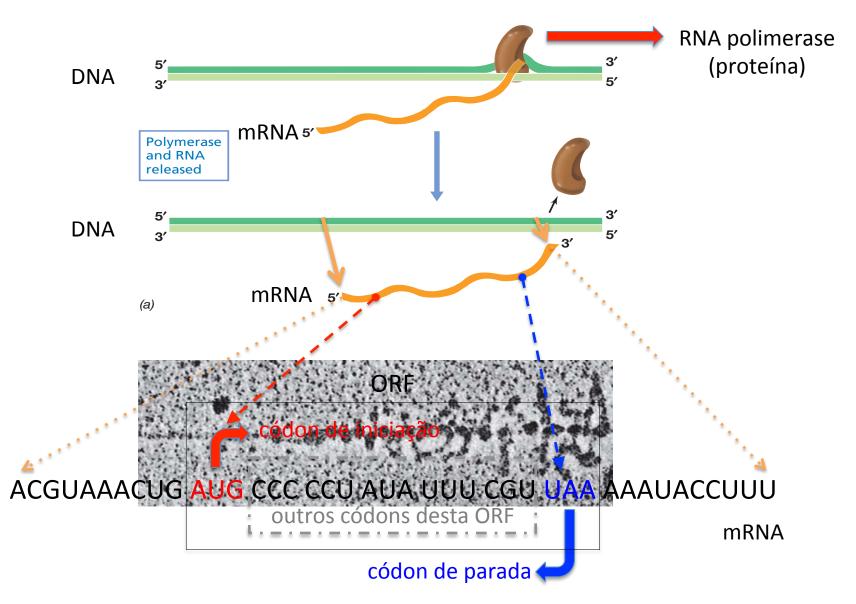
Segmento contínuo do genoma (locus) que inclui

- **Regiões regulatórias**
 - Início (região promotora)
 - Término (terminadores)
- Região transcrita
 - Procariotos: um mRNA
 - Eucariotos: um ou mais mRNAs





Fase aberta de leitura



Fase aberta de leitura

"Open reading frame" ou ORF

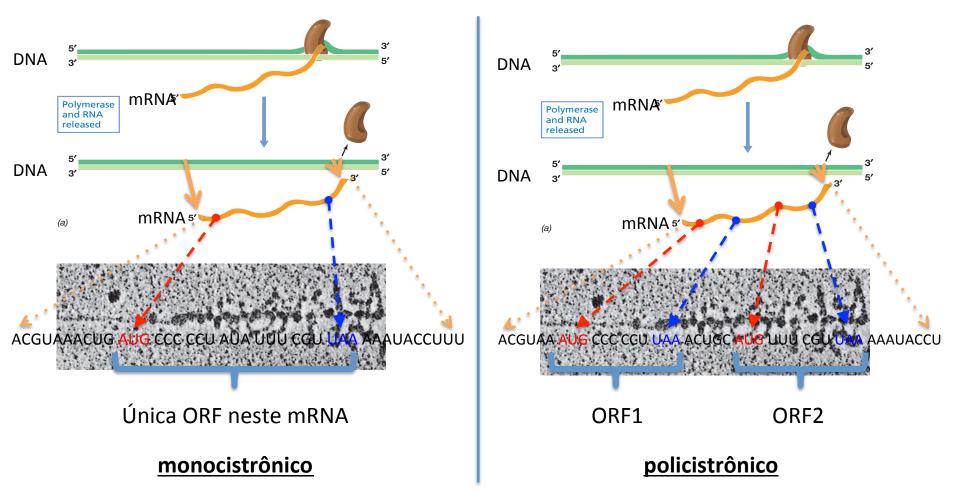
- Definição: uma fase aberta de leitura é a sequência de códons em uma molécula mRNA que determina os aminoácidos de uma <u>única</u> proteína.
- ORFs são compostas por um códon de iniciação e um códon de parada, e todos os códons intermediários (ver próximos slides).



• Com exceção do códon de parada, cada um dos códons de uma ORF corresponde, exatamente, a um aminoácido da proteína codificada

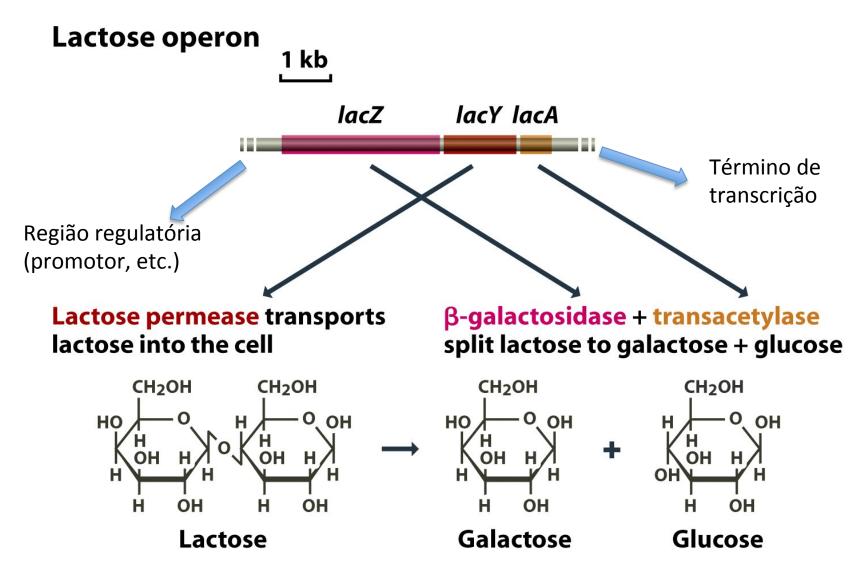
Genomas de procariotos: pperons

Em procariotos, uma única molécula de mRNA pode conter uma ou mais ORFs

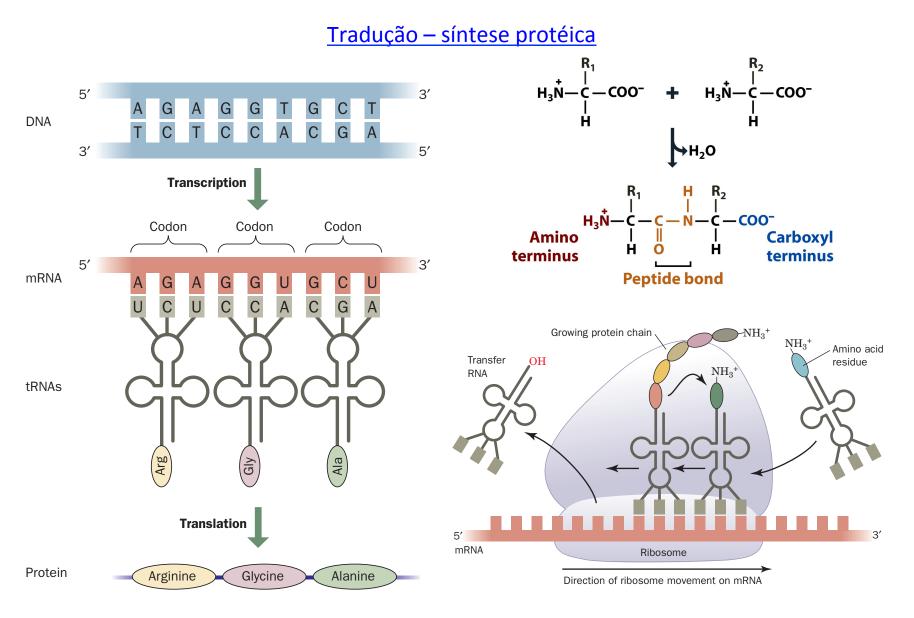


Definição: <u>operon</u> é um conjunto de genes vizinhos, codificantes ou não, transcritos em uma única molécula de mRNA policistrônico.

Genomas de procariotos: operons



Síntese de Proteínas: tradução



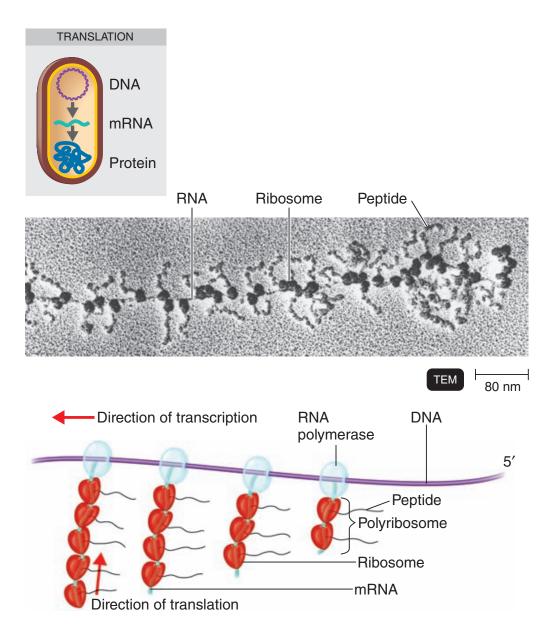
Tradução: o verdadeiro código genético

Códon: sequência de três nucleotídeos que codifica um único aminoácido

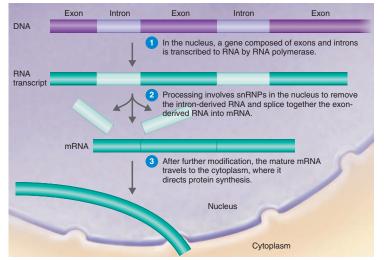
Second Position												
			U	С		А		G				
		υυυ	Phe/F	UCU	Ser / S	UAU	Tyr / Y	UGU	Cys / C	υ		
_	υ	UUC		UCC		UAC		UGC		C		
_	ĭ	UUA	Leu/L	UCA		UAA	STOP	UGA	STOP	Α		
		UUG	Leuye	UCG		UAG	STOP	UGG	Trp / W	G		
		CUU	Leu / L	CCU	Pro / P	CAU	His / H	CGU	Arg/R	U		
C	с	CUC		CCC		CAC		CGC		С	_	
Position	č	CUA		CCA		CAA	Gln / Q	CGA	A18/ 11	Α	Third Position	
l ă		CUG		CCG		CAG	omy d	CGG		G	P	
لية ليز		AUU		ACU		AAU	Asn / N	AGU	Ser / S	U	Sit	
Lirst	Α	AUC	lle / I	ACC	Thr / T	AAC		AGC	36173	С	9	
_	^	AUA		ACA		AAA	Lys / K	AGA	Arg/R	Α		
		AUG	Met / M	ACG		AAG	Lystic	AGG		G		
		GUU	Val / V		GCU		GAU	Asp / D	GGU		U	
_	G	GUC		GCC	Ala / A	GAC	~3p / 0	GGC	Gly / G	С		
	3	GUA		GCA		GAA	Glu / E	GGA		Α		
		GUG		GCG	GAG		GGG		G			

First Position

Tradução simultânea em procariotos



Eucariotos



Já em eucariotos, a transcrição ocorre no núcleo mas a tradução ocorre no citoplasma e etapara adicionais de processamento do mRNA ("splicing") são executadas antes da tradução.

 \bigcirc

Algumas propriedades dos operons

- Genes de uma mesma via metabólica muitas vezes formam operons no genoma de bactérias
- Agregam genes com funções relacionadas em operons permite que um único promotor regule a expressão de vários genes, garantindo quantidades adequadas dos produtos gênicos (proteínas)
- Como não têm núcleo, as bactérias podem executar transcrição e tradução simultaneamente, no mesmo compartimento. Isso permite aos genes em operons acoplar os processos de transcrição, tradução e formação de complexos, resultando em maior eficiência

Perguntas

- O que são ORFs (fases abertas de leitura)?
- O que são operons?
- O que é genoma?
- A síntese de nucleotídeos ocorre sempre em um único sentido, seja síntese de DNA ou RNA. Que sentido é esse? Mostre as posições no anel da ribose.

Origens da diversidade genética

Mutação e evolução





Mutação







Evolução

© Pokemon

Evolução darwiniana

- Teoria da evolução de Darwin
 - As espécies/variedades de organismos vivos mudam com o tempo
 - As mudanças podem gerar variedades diferentes de organismos
 - A origem da variação (mutação) entre os organismos de uma população é aleatória e independe dos processos de seleção (abaixo)
 - O sucesso reprodutivo dos organismos mais aptos numa população levam à fixação de características vantajosas (ou seja, a adaptação pode ser explicada pelo processo de seleção natural)

Mutação

- Nomenclatura
- Técnicas de isolamento de mutantes
- Tipos de mutações

Mutação

• Definição

Mutação é uma alteração na sequência de bases de um gene que não altera a composição química do DNA e que, pelo menos em <u>princípio</u>, ser transmitida aos descendentes (hereditária).

- Difere dos danos no DNA, que por impedirem a replicação, não podem ser transmitidos
- Muitas das mutações, porém, surgem a partir do reparo de danos no DNA corrigidos por mecanismos de reparo propensos a erro

Vocabulário de genética bacteriana

Termo		Definição		
Linhagem	Selvagem	Linhagem de referência, isolada e mantida em laboratório		
	Mutante	Fenótipo diferente do selvagem parental		

• Mutante

Linhagem geneticamente diferente da selvagem mas cuja origem pode ser traçada até uma linhagem de referência

Marcadores

Um ou mais **genes** cujas mutações podem ser monitoradas por gerarem **fenótipos identificáveis**

Vocabulário de genética bacteriana

Nomenclatura das mutações / mutantes					
Tipo de alteração	Exemplo	Categoria	Definição		
Selvagem	wt	selvagem	referência		
	His⁺	selvagem	Posso fazer minha própria histidina		
Fonotínicos	His-	auxotrófico	Tenho que comer histidina pra viver		
Fenotípicas	Lac+	selvagem	Posso comer lactose		
	Lac-		Não como lactose		
Constinions	∆hisC1	auxotrófico	His- porque o gene hisC1 não funciona		
Genotípicas	∆hisC2	auxotrófico	His- porque o gene hisC2 não funciona		

Isolamento de Mutantes

Mutações selecionáveis

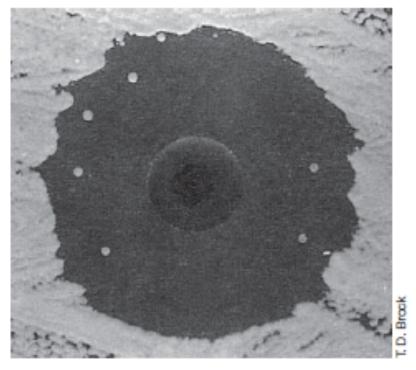
- Mutações com efeito direto na capacidade de sobrevivência do organismo nas condições testadas
- Exemplos: resistência a antibióticos, ganho/perda da capacidade de sintetizar metabólitos e nutrientes
- Organismos não-resistentes podem ser selecionado por meio com antibiótico

• Mutações não-selecionáveis

- Produzem efeito fenotípico de fácil observação mas sem valor para a sobrevida do organismo
- Isolamento só pode ser feito pela observação visual

Isolamento de Mutantes

Mutante Selecionável



Mutante Não-Selecionável



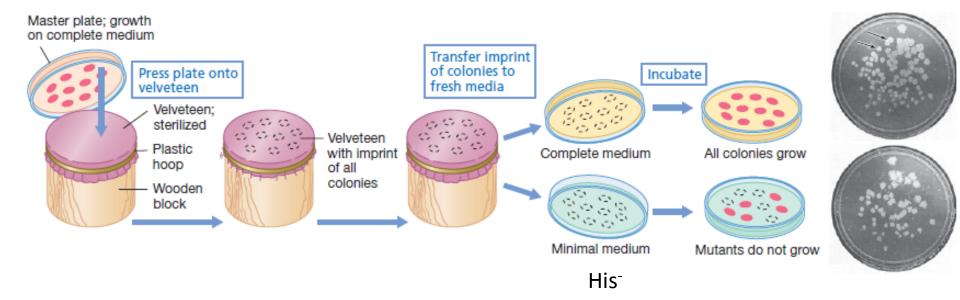
Disco central com antibiótico

Fungos *Aspergillus nidulans* Variação na pigmentação

Processo de Varredura de Auxotróficos Nutricionais

Problema: selecionar uma deficiência

Técnica de Plaqueamento de Réplica

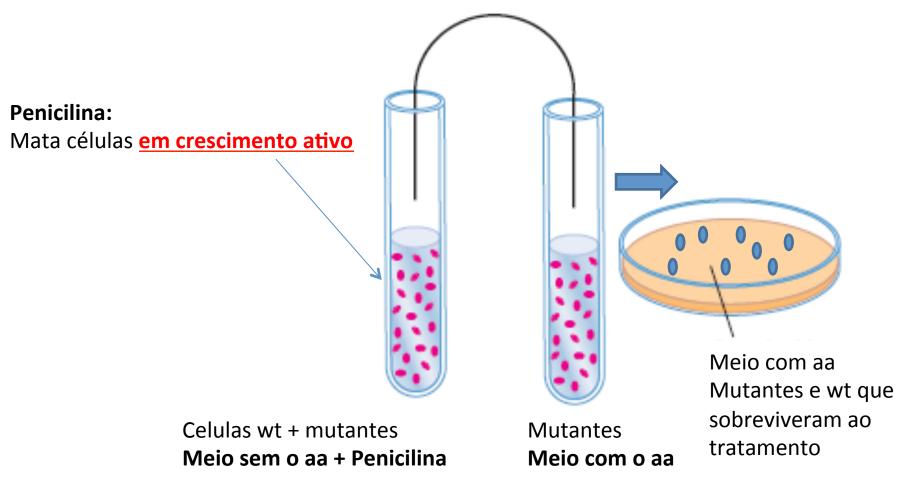


Problema: selecionar uma deficiência

Processo de Varredura de Auxotróficos Nutricionais

Problema: selecionar uma deficiência

Células Parentais (wt) são mortas porque podem crescer sem o aminoácido



Mutagênese

• Espontâneas

- Causadas por erros do sistema de replicação
- Muito raras nos genomas baseados em DNA
- Ocorrem com frequência 1000x maior em genomas de RNA

Induzidas

 Provocadas por agentes químicos ou físicos externos à célula

Agentes químicos mutagênicos

Análogos de bases												
5-Bromouracil	Incorpo	rada c	omo timina; par com guanina (G)		AT => GC, às vezes GC => AT							
2-Aminopurine	Incorpo	rada c	omo adenina, par com citosina (C)	AT => GC, às vezes GC => AT								
Compostos que reagem com o DNA												
Ácido nitroso (HNO2)		Deam	Deamina adenina e citosina		AT => GC e GC => AT							
Hydroxylamine (NH2OH)		Reage	Reage com citosinas		GC => AT							
Agentes alquilantes												
<u>Monofunctional</u> : etil-metanosulfonato			Adiciona grupos metil à guanina; pareamento com timina		GC => AT							
<u>Bifunctionais</u> : mitomicina, nitrosoguanidina		-	ções cruzadas entre as fitas do DNA ão danificada removida pela DNase	-	Mutações de ponto e deleções							
Corantes intercalantes												
Acridinas, brometo de etídeo			Inserem-se entre dois pares de bases		Microinserções ou microdeleções							
Radiação												
Ultravioleta		Dír	neros de pirimidinas	R	Reparo com erro ou deleção							
Radiação ionizante (raios-X)		Dír	neros de pirimidinas	R	Reparo com erro ou deleção							

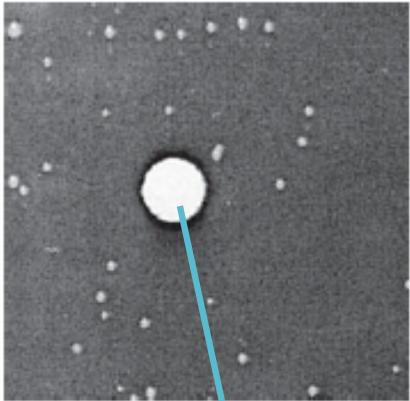
Teste de Ames (Bruce Ames)

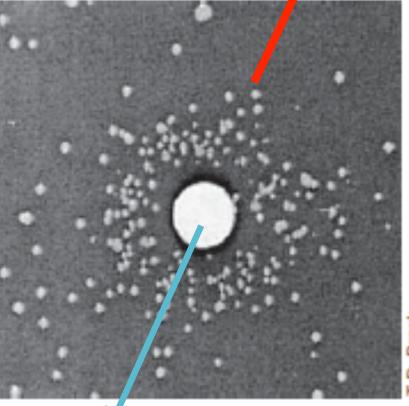
Avaliação da capacidade mutagênica de um composto com base no número de colônias que revertem ao estado selvagem

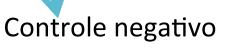
Meio His⁻



Mutantes









Tipos de mutações

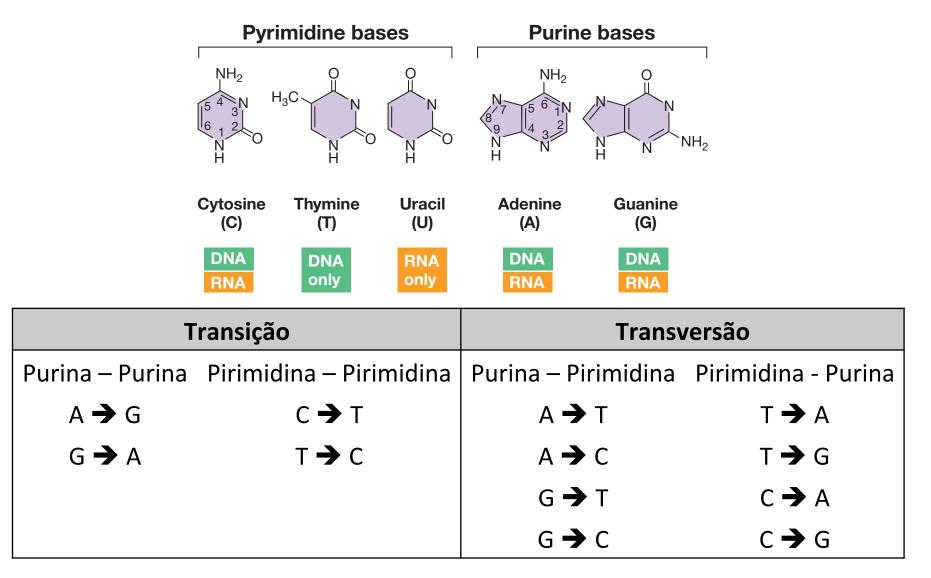
O efeito das mutações sobre regiões codificantes será determinado pela fase de leitura e pela estrutura do código genético

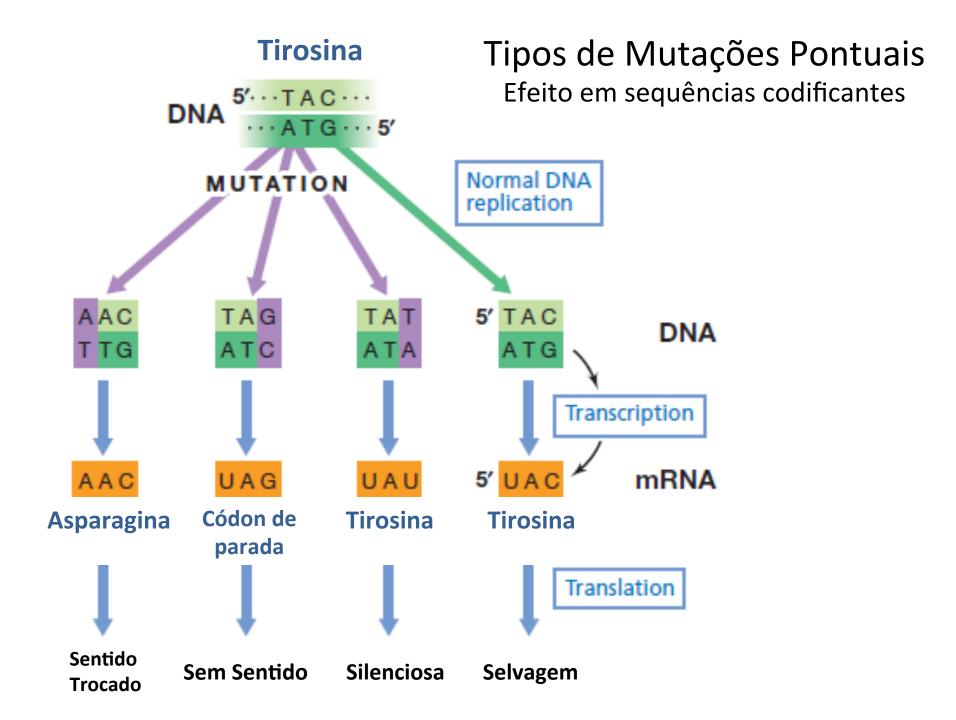
Second Position													
			U	С		A		G			_		
First Position	U	ບບບ ບບc	Phe / F	UCU UCC	Ser / S	UAU UAC	Tyr/Y	UGU UGC	Cys / C	U C			
		UUA	Leu/L	UCA		UAA	STOP	UGA	STOP	Α			
		UUG		UCG		UAG	STOP	UGG	Trp / W	G			
	с	CUU		CCU		CAU	CAU CAC CAA CAG	CGU	Arg / R	U			
		CUC	Leu / L	CCC	Pro / P	CAC		CGC		С			
		CUA	Leu/L	CCA	FIGTE	CAA		CGA		Α	Third		
		CUG		CCG		CAG		CGG		G	P		
		AUU		ACU		AAU	Asn / N Lys / K	AGU	Ser/S	U	Position		
	Α	AUC	lle / I	ACC	Thr / T	AAC		AGC	00170	С	9		
	^	AUA		ACA	1111 / 1	AAA		AGA	Arg/R	Α			
		AUG	Met / M	ACG		AAG		AGG		G			
		GUU		GCU		GAU	Asp / D Glu / E	GGU	Gly / G	U			
	G	GUC	Val / V	GCC	Ala / A	GAC		GGC		С			
		GUA		GCA	Ald / A	GAA		GGA		Α			
		GUG		GCG		GAG	01072	GGG		G			

Second Desition

Tipos de mutação: mutações pontuais

Mutações pontuais correspondem à troca de uma única base no genoma São também conhecidas como polimorfirmos de um único nucleotídeo (SNPs)





Inserção ou Deleção de Uma base Reading DNA mRNA frame ...GTGCCCTGTT... ...GUG CCC UGU U... +1CACGGGACAA... Transcription Insertion off of light green strands Codons GTGCCTGTT ...GUG CCU GUUCACGGACAA... Normal protein Deletion GTGCTGTT... ...GUG CUG UU... CACGACAA...

Rearranjos e transposição

Rearranjos cromossômicos

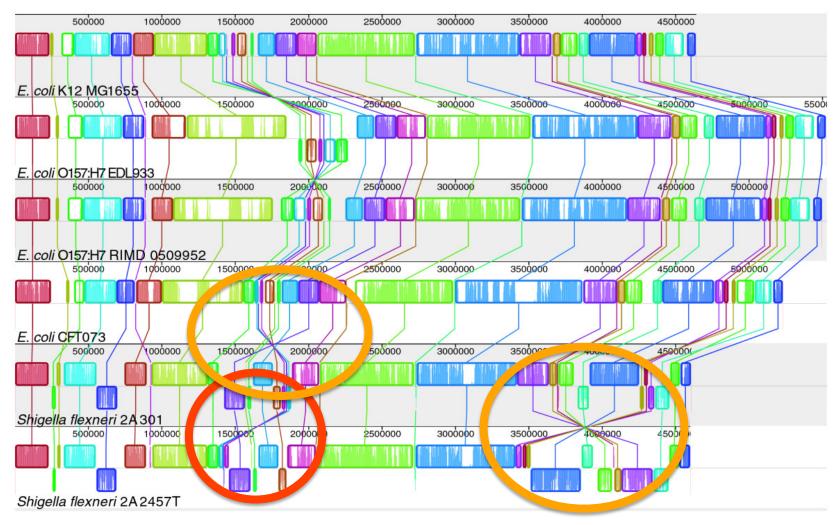
- Mudança da ordem dos genes pela realocação de segmentos arbitrárias
- Consequência de recombinação intra-cromossômica associada ao reparo de quebras das duas fitas do DNA ou à finalização da replicação

Transposição

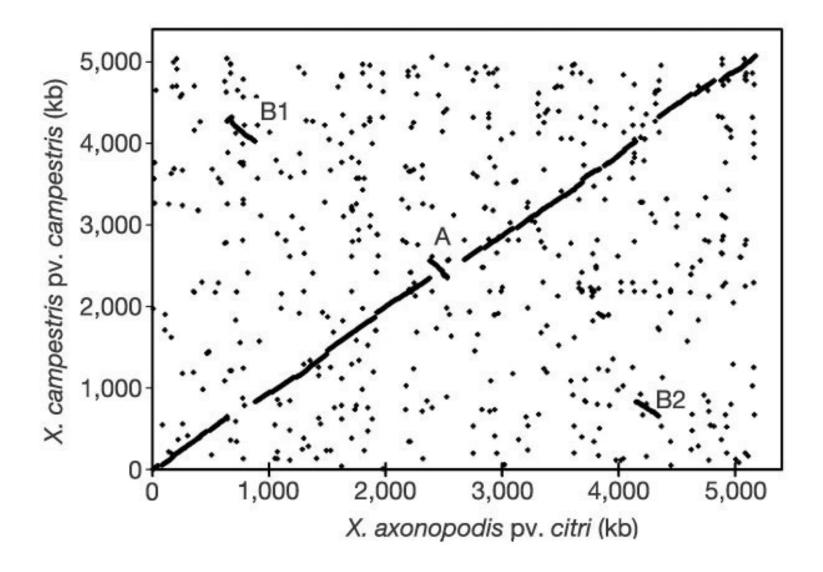
- Mobilização ou duplicação de porções do genoma mediadas por enzimas especializadas (transposases)
- Associadas a elementos genômicos mais ou menos autônomos, chamados <u>elementos móveis</u>

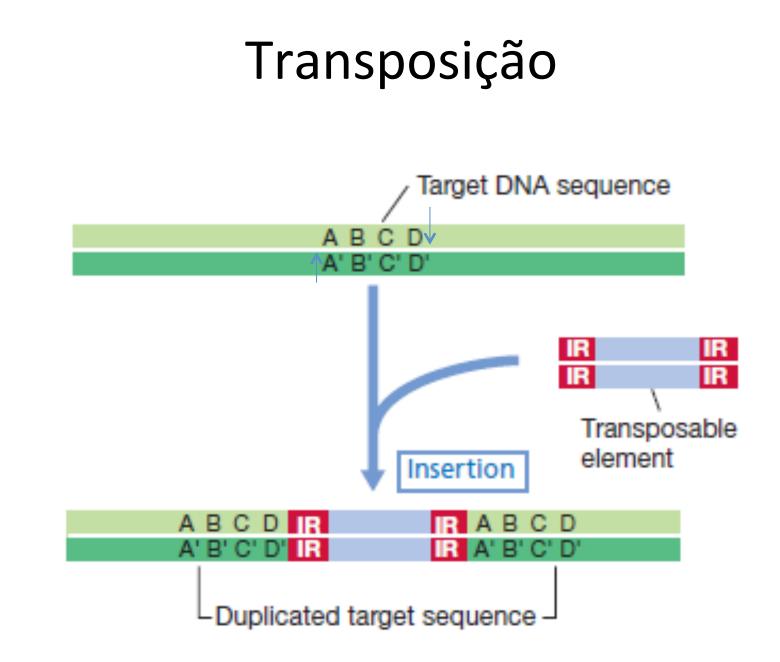
Rearranjos genômicos

Comparação do genoma de diferentes linhagens de *E. coli* e *Shigella* São visíveis regiões homólogas com mais de 1000 pares de bases (1Kbp)

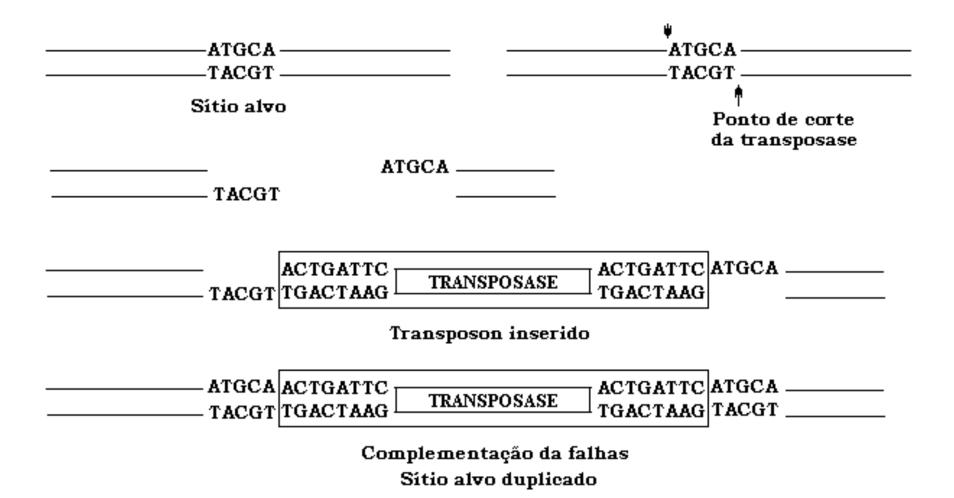


Comparação de genomas: Xanthomonas

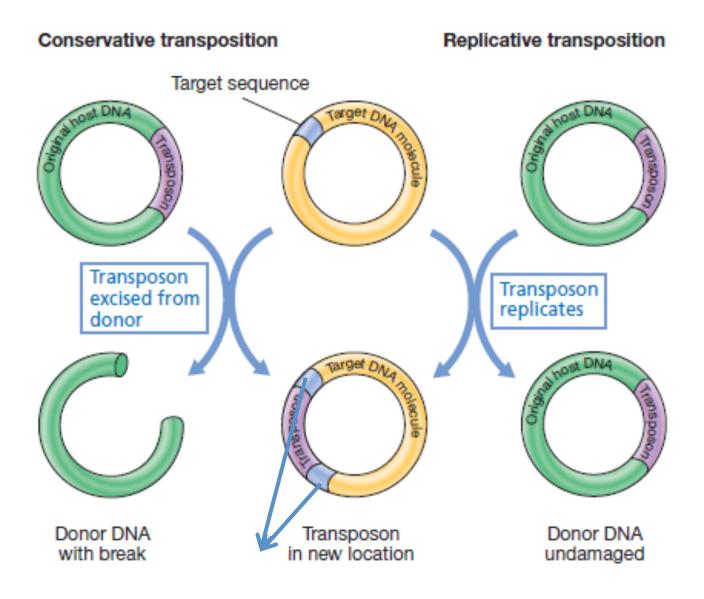




Inserção de um transposon É um exemplo de recombinação sítio específica



Mecanismo de Transposição



Elementos Transponíveis

IS: Sequência de Inserção

tnp

IS50L

Transposon

IS2

Tn5



- Repetições invertidas (IR) de 10-50pb
- Possui apenas um gene (transposase)
- Elemento transponível composto
- Pode carregar genes não envolvidos na mobilização do elemento

IS50R



Mutação sem sentido na primeira transposase impede transposição independente

Permuta Genética em Procariotos

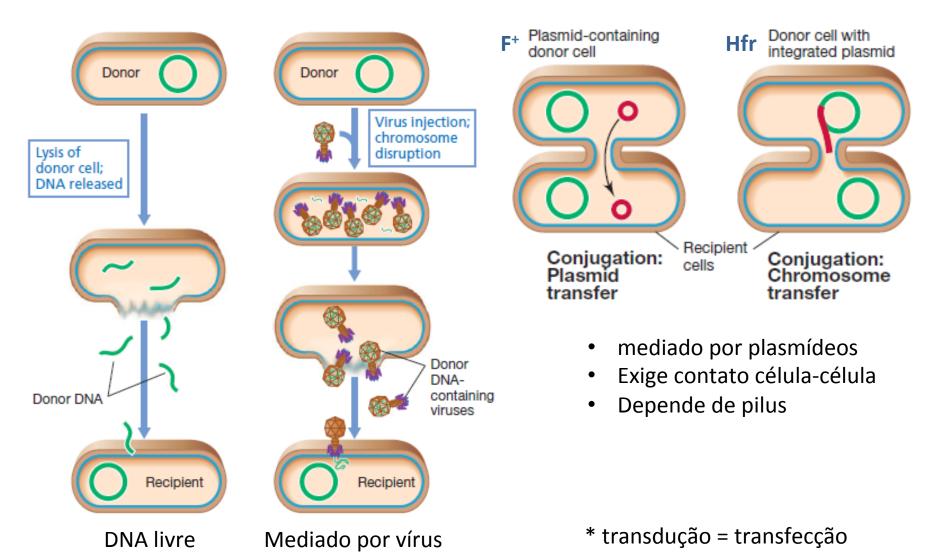
Três Mecanismos de Troca Genética

- Transformação
 Competência
- Transdução
 - Generalizada
 - Específica
- Conjugação
 - Plasmídeos
 - Cepas Hfr

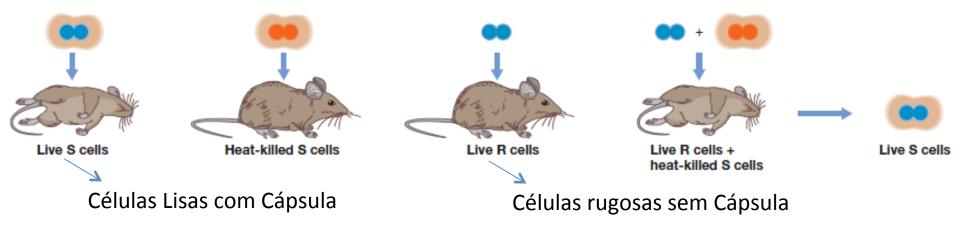
Transferência Horizontal de DNA

Transformação Transdução*

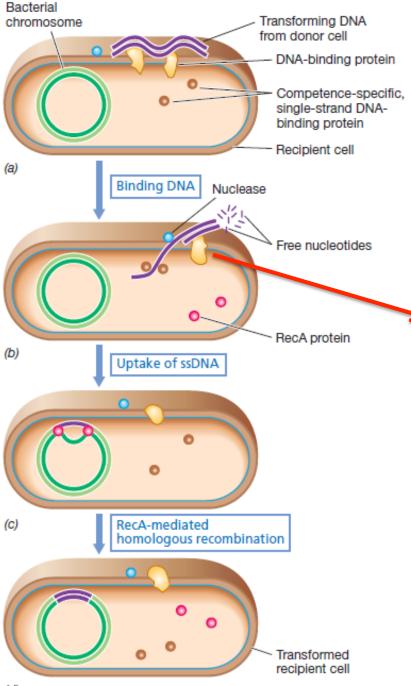
Conjugação



Experimento de Griffith com Streptococcus pneumoniae Pneumonia Fatal



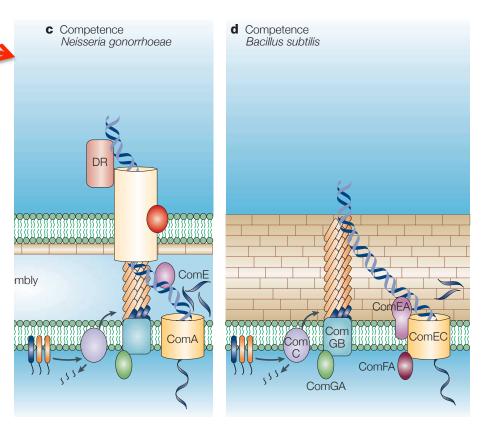
- 1920 : Primeira evidência de transformação Frederick Griffith
- Preparou o palco para a descoberta do DNA
- 1940: Oswald T. Avery mostrou que o agente transformante era o DNA
- 1953: James Watson e Francis Crick e a estrutura do DNA



Transformação

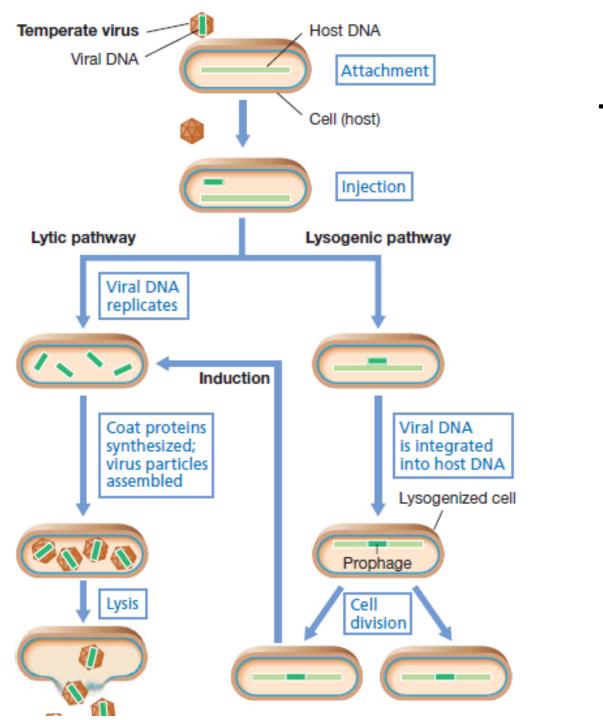
- Em geral, são transferidos fragmentos de DNA pequenos
- Proteínas especializadas protegem o DNA da degradação intracelular

Recombinação necessária para herança do DNA capturado



Competência na Transformação

- Bactérias naturalmente transformáveis são chamadas competentes. Exemplos:
 - Bacillus: 20% das células se tornam competentes e permanecem por por horas
 - Streptococcus durante o ciclo de crescimento 100% ficam competentes – período curto de tempo
- Células não compenetes
 - Tratamentos físicos e químicos permitem induzir a permeabilidade da parede celular
 - Cloreto de Cálcio
 - Eletroporação: aplicação de pulsos elétricos curtos de alta voltagem

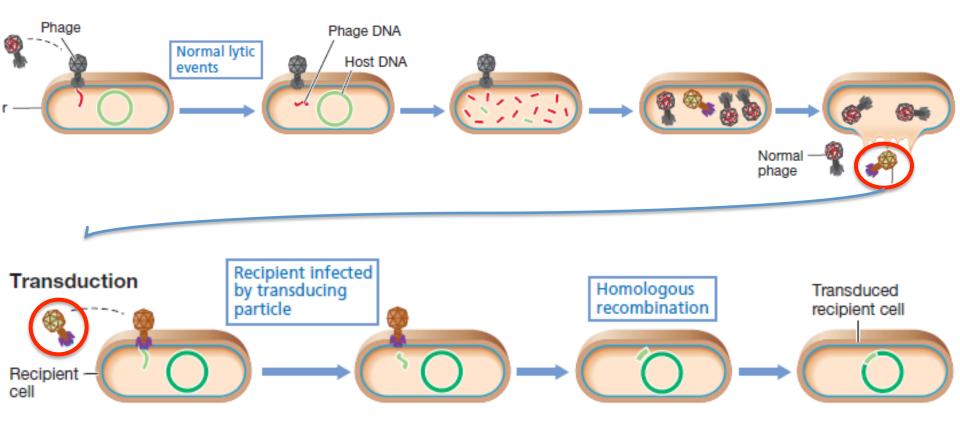


Transdução

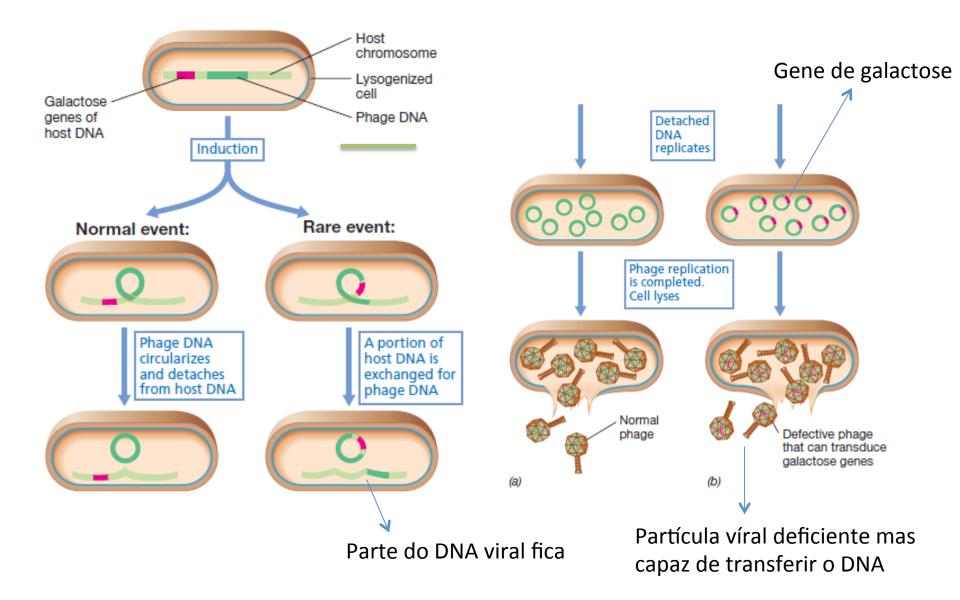
Ciclo Lítico e Via lisogênica

Transdução Generalizada

Uma pequena parcela das particulas serão transdutoras, ou seja, carregarão um fragmento do DNA genômico ao invés de uma cópia do vírus!



Transdução Específica



Conjugação

- Conjugação: Transferência genética entre duas células que envolve contato
- Envolve: célula doadora e receptora
- Mecanismo de transferência pode exibir diferenças dependendo do plasmídeo envolvido
- A maioria das bactérias Gram-negativas usam um mecanismo semelhante ao do plasmídeo F
- Normalmente, o plasmídeo é replicado por polimerases celulares e segregado por proteínas próprias
- Pode também ser integrado no cromossomo da célula hospedeira por intermédio de sequências de inserção (IS)

Plasmídeo F

Genes envolvidos na transferência do plasmídio, como proteínas envolvidas na biossíntese do pili F

Genes envolvidos na formação do par conjugante

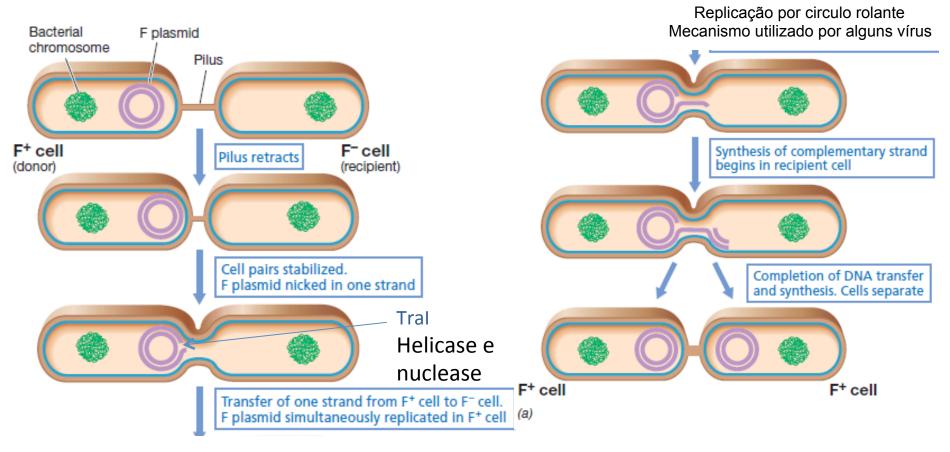
Diferentes plasmídeos podem codificar proteínas diferentes que vão ter o pili ligeiramente diferente

Origem de transferência

Pilus with attached phage virions replicação IS3 Tn1000 99.2kbp/0 tra region IS3 IS2 F plasmid - 75 kbp 25 kbp ori IS 50 kbp Recombinar com sequências equivalentes na célula hospedeira gerando diferentes linhagens Hfr oriV

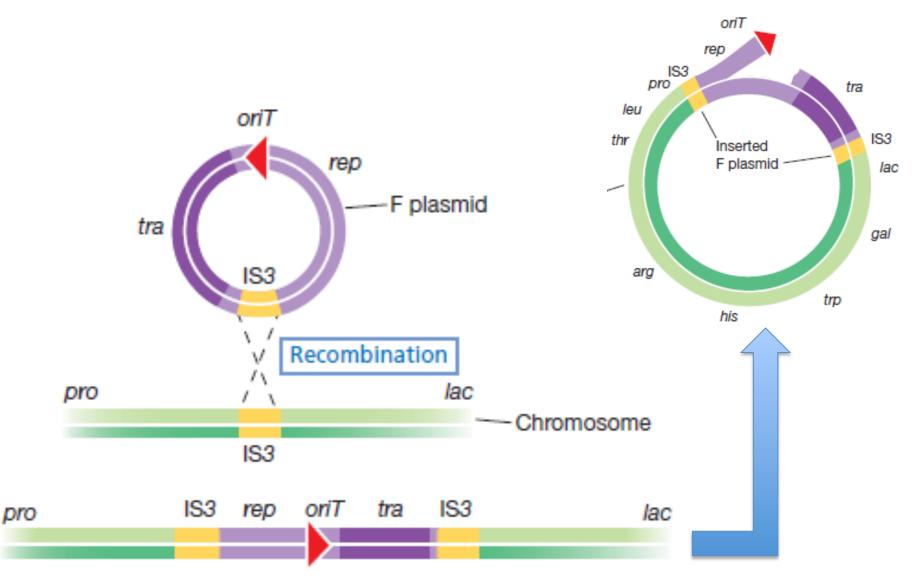
Transferência do DNA Plasmidial por Conjugação

- Processo que leva 5min (plasmídeo de 100 kbp)
- O Plasmídeo consegue se dissiminar rapidamente na população e é, portanto, **um agente infeccioso**

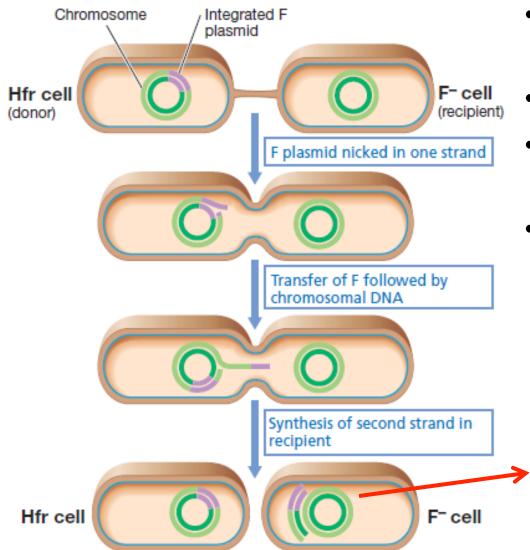


Nota: a célula receptora pode perder o plasmídeo

Processo de integração do plasmídeo F (Hfr) Recombinação Sítio específica



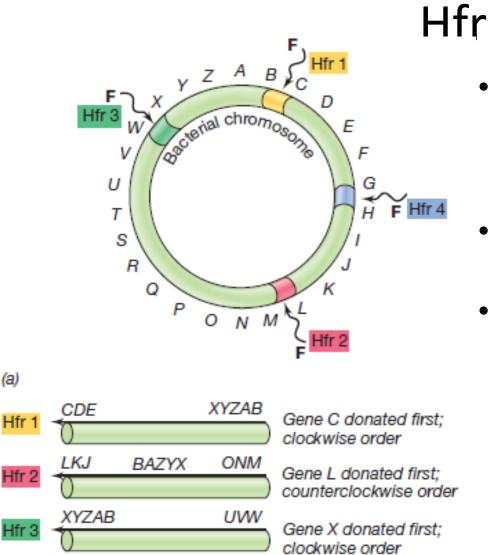
Transferência de alguns genes cromossomais por conjugação



- Hfr: Alta frequência de recombinação
- Plasmidio está integrado
- Transferir grandes quantidades de genes
- Receptora não será Hfr : apenas uma parte do plasmidio é transferida

O fragmento transferido é integrado na célula aceptora por recombinação da parte homóloga (verde)

Formação de Diferentes Linhagens



JIH

Gene G donated first: counterclockwise order

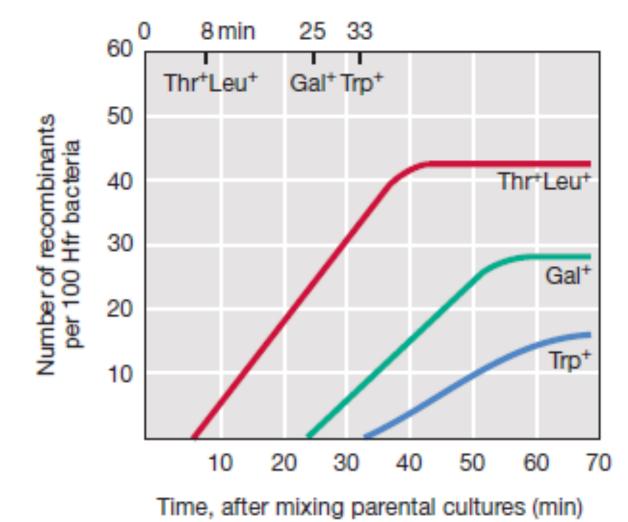
(a)

GFE

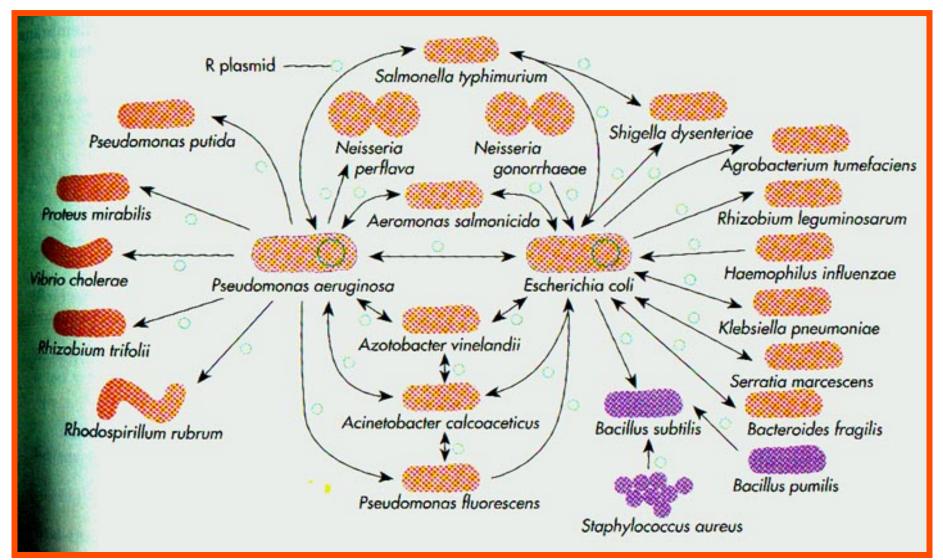
BAZYX

- Diferentes linhagens Hfr: Ilustrado 4 linhagens diferentes
- Diferentes sítios de inserção
- Direção de inserção pode ser diferente – transferência de genes é diferente

Tempo de transferência de genes em uma cultura de acasalemanto



Malha de transferência lateral de genes em bactérias



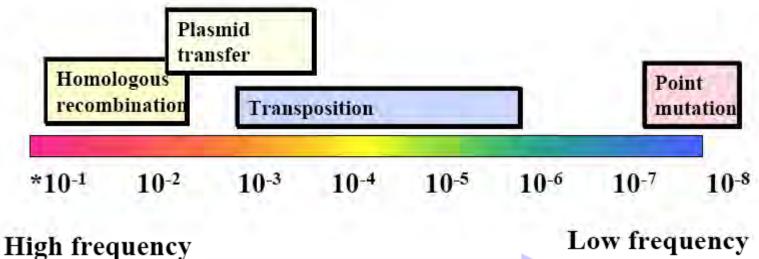
Origens da diversidade genética em bactérias

Resistência cromossomal

Mutações cromossômicas

Resistência extra-cromossomal

Transferência lateral



Low diversity

High diversity

* As frequency per cell per generation

Perguntas

- Você tem Hfr, His⁺ e Lac⁺ e uma célula F⁻ resistente a canamicina. Qual fenótipo você espera observar para a célula conjugada? A célula F⁻ se transforma em F⁺ e Hfr?
- Mutação de sentido trocado pode causar que problemas para a célula?
- Uma célula F⁺ com resistência aos antibióticos Amp, Str e Gen, torna a célula receptora resistente a quais antibióticos? O processo de conjugação pode ser um problema para a saúde pública, em qual aspecto?

Perguntas

 Na transdução especializada, a célula receptora pode em alguns casos replicar o DNA da célula doadora? E no caso da transdução generalizada?

 O que é competência no processo de transformação? Os resultados abaixo foram obtidos a partir de dois experimentos de transferência de resistência a antibióticos por conjugação:

MC MC + Antib. A MC + Antib. B MC + Antib. A + Antib. B MC + Antib. A MC + Antib. A + Antib. B MC MC + Antib. B

- a. Em qual dos experimentos a conjugação bacteriana ocorreu com sucesso? Identifique a célula doadora e a receptora. Justifique suas respostas.
- b. Quais características a célula Receptora, doadora e conjugada possuem: A^{r,} B^r e Lac⁺

Referências

Microbiologia de Brock (12a. Edição)

– Capítulo 6: Biologia Molecular de Bactérias

– Unidade 10: Genética de bactérias e árqueas

E agora... vamos para aula prática!!!!!

LAB COAT STYLES

